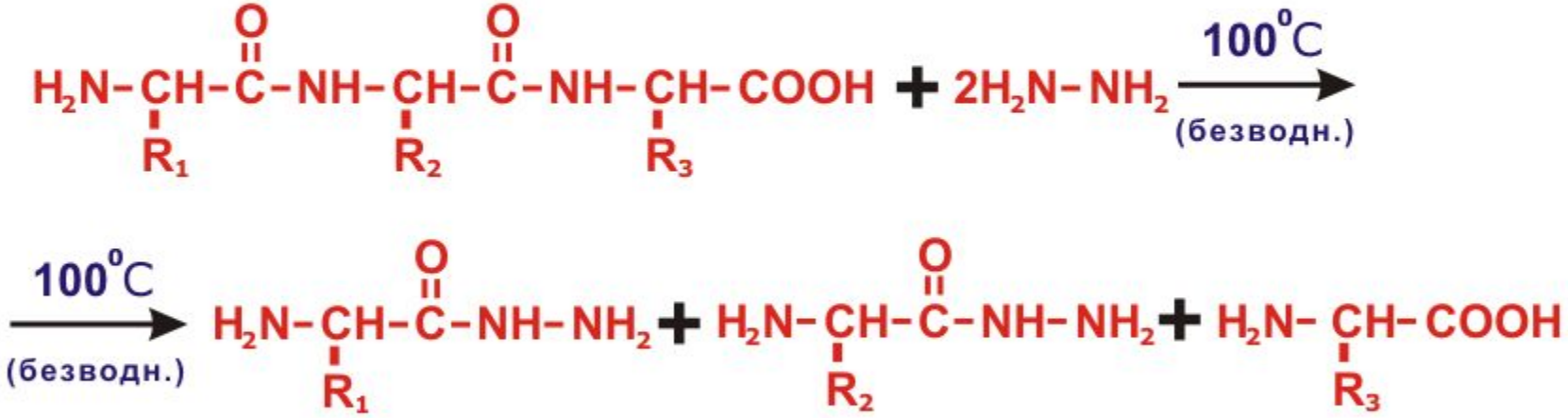
METABURG
METABURG
2004

Идентификация С-конца ПП цепи

Карбоксипептидазы

Гидразинолиз (метод Акабори)



ХГ. Идентификация свободной АК.

media METABURG

Порядок следования фрагментов

10АК полипептид

1. Результат гидролиза бромсукцинимидом (по триптофану)

гис - три ; арг - лиз - сер - три ; арг - вал - про - три .

2. Результат гидролиза трипсином (по аргинина)

лиз - сер - три - гис - три - арг ; арг ; вал - про - три .

Итого:

арг - лиз - сер - три - гис - три -арг - вал - про - три .

media METABURG

Анализ конформации белка

исследование вторичной структуры

1. Рентгеноструктурный анализ (X-ray кристаллография).
2. УФ спектроскопия.
3. Флуоресцентная спектроскопия.
4. ЯМР-спектроскопия.
5. Расчетные методы (молекулярная механика и динамика).
6. Дисперсия оптического вращения (ДОВ) и круговой дихроизм (КД).
7. ИК-спектроскопия, ИК-дихроизм.

media METABURG

Взаимосвязь структуры и функции белка

HbA_1: $\alpha_2\beta_2$, 4гема. **α = 141АК; β=146АК**

HbA_2: $\alpha_2\sigma_2$ - до 2,5%

HbF: $\alpha_2\gamma_2$ - до 1,5%

Гемоглобинопатии:

в β цепи

Глу(6) → вал = HbS

Глу(6) → лиз = HbC

Ans(102) → Thr = Hb Kansas

media METABURG

Белки плазмы крови

N: 65-85 *г/л*

$$X\,моль/л = \frac{A\,г/л}{M\,г/моль}$$

$$X\,ммоль/л = \frac{A\,мг/л}{M\,мг/ммоль}$$

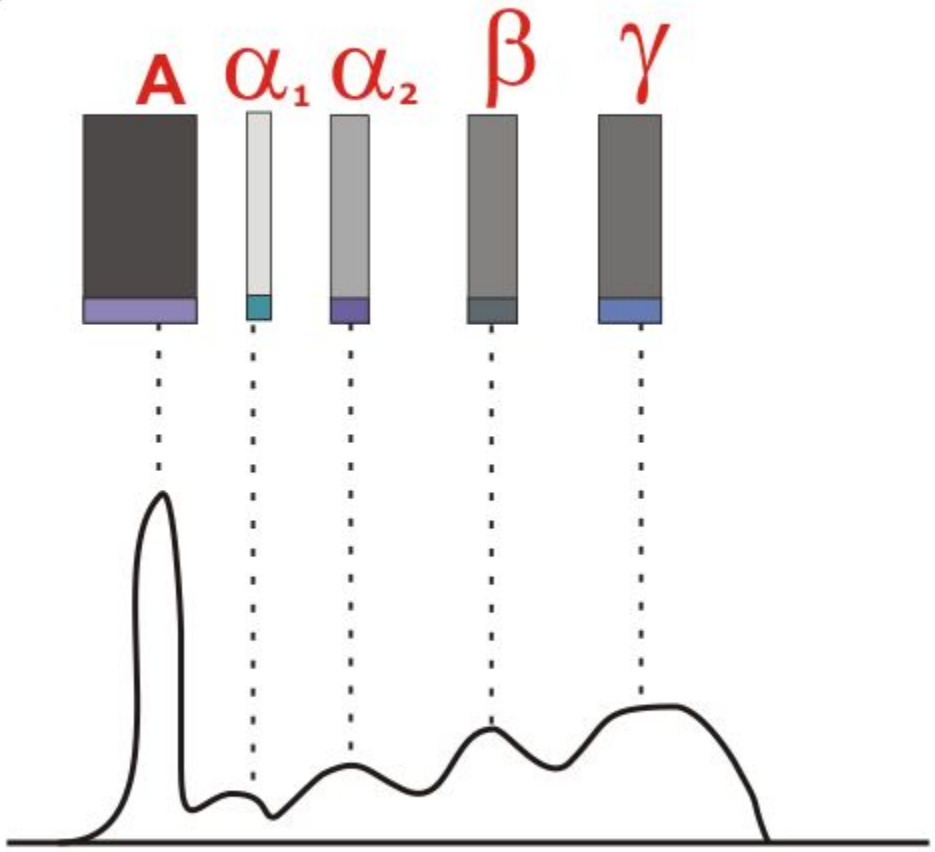
90*мг* % глюкозы ⟶ *ммоль/л* ?

Mr глюкозы = 180

$$X\,ммоль/л = \frac{900\,мг/л}{180\,мг/ммоль} = 5\,ммоль/л$$

media METABURG

A/r = 1,5 - 2,0



A: 50 - 62%

α_1: 2,5 - 5,5%

α_2: 6 - 10%

β: 9 - 15%

γ: 15- 22%

media METABURG

METABURG
METABURG
2004