



Федеральное государственное бюджетное
образовательное учреждение высшего образования
«Саратовский государственный медицинский
университет имени В.И. Разумовского»
Министерства здравоохранения Российской Федерации

Саратовский государственный медицинский университет им. В. И. Разумовского

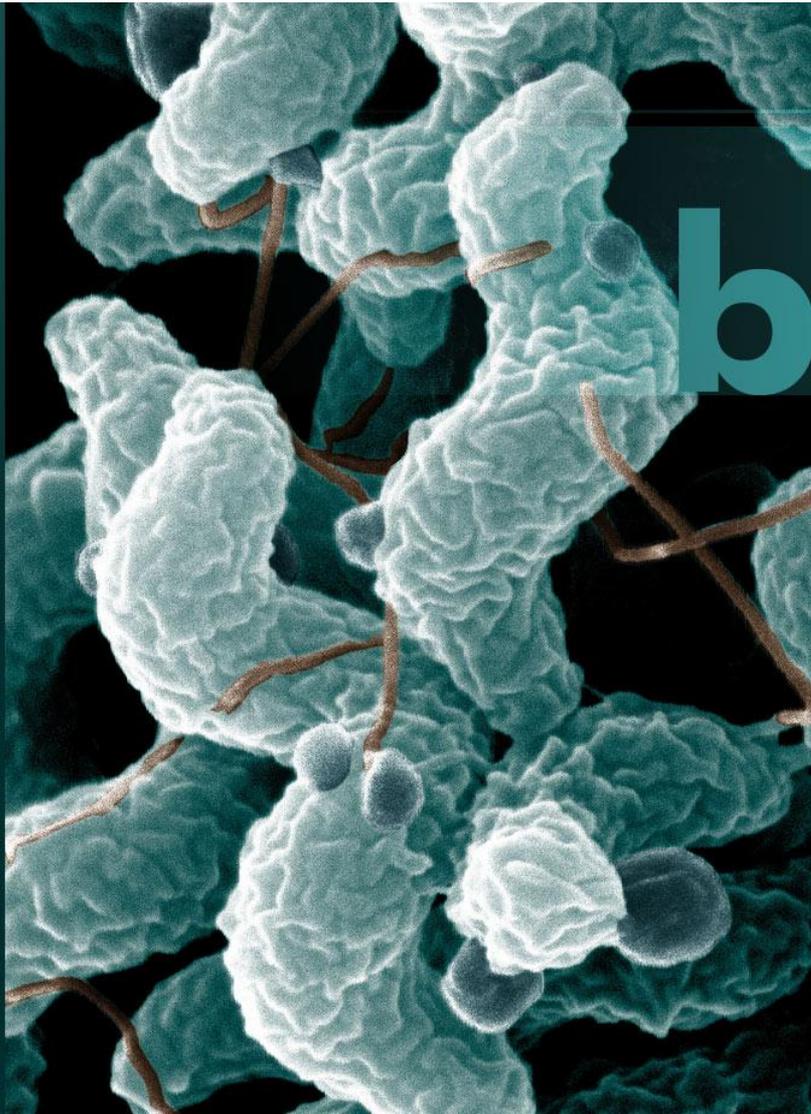
Кафедра микробиологии, вирусологии
и иммунологии СГМУ им В.И.
Разумовского

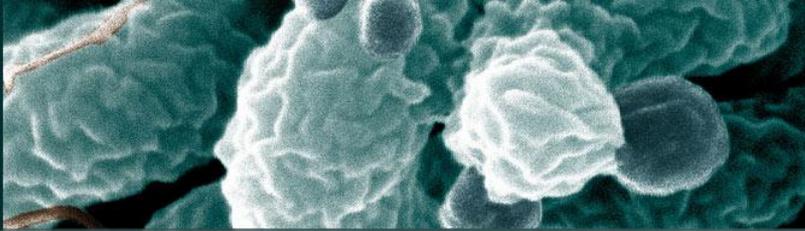
ЭТИОЛОГИЧЕСКАЯ СТРУКТУРА
БАКТЕРИАЛЬНЫХ ИНФЕКЦИЙ
НИЖНИХ ДЫХАТЕЛЬНЫХ ПУТЕЙ У
ПАЦИЕНТОВ СТАЦИОНАРОВ Г.
САРАТОВА В 2019-2020Г.

Подготовил: Раджабов Х.М
Студент 10 группы 5 курса
Педиатрического факультет СГМУ им
В.И. Разумовского.

Руководители: д.м.н ,профессор
СГМУ им В.И. Разумовского
Швиденко И.Г
канд. мед. наук, Доцент
Шаповал О.Г

Саратов 2021 год



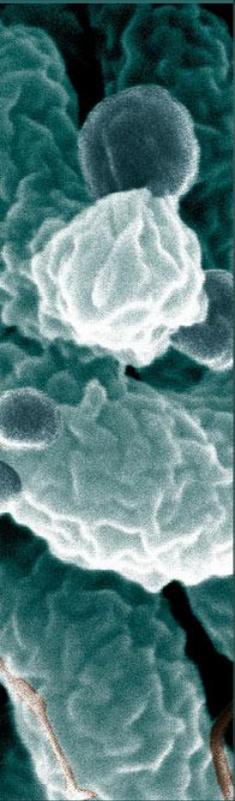


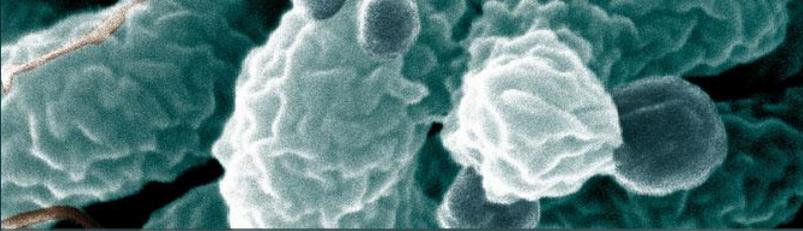
Цель исследования.

- Целью исследования послужила сравнительная оценка этиологической структуры бактериальных инфекций нижних дыхательных путей у пациентов крупных стационаров г. Саратова в 2019-2020 гг.
- Этиологическая структура бактериальных инфекций нижних дыхательных путей у пациентов стационаров г. Саратова в 2019-2020 гг.

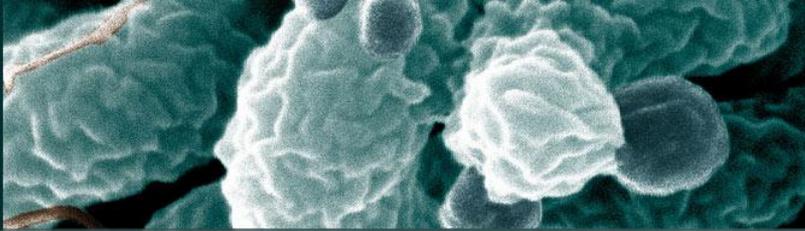
Материалы и методы

- Материалом для исследования послужили результаты лабораторных исследований мокроты, взятой от 2924 (за 2019г) и 5868 (за 2020г) пациентов, госпитализированных в шесть стационаров г.Саратова: ГУЗ «Областная клиническая больница», Университетская клиническая больница им. С. Р. Миротворцева, ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №2 им. В.И. Разумовского», ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №8», ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №1 им. Ю.Я. Гордеева», Научно-исследовательский институт травматологии, ортопедии и нейрохирургии Саратовского государственного медицинского университета им. В.И. Разумовского.

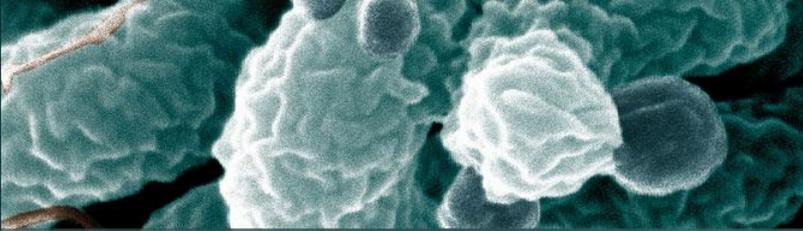




- Выделение чистых культур микроорганизмов и их идентификацию проводили в ходе культурального исследования, мерно засевая образцы мокроты из их десятикратных разведений в стерильном физиологическом растворе хлорида натрия на поверхность простых и сложных твердых питательных сред, предназначенных для культивирования неприхотливых и прихотливых микроорганизмов аэробной и факультативно анаэробной группы без специальных потребностей. Их окончательную идентификацию осуществляли с помощью коммерческих биохимических тест-систем, выбираемых с учетом морфологических, тинкториальных и культуральных свойств выделенных патогенов.

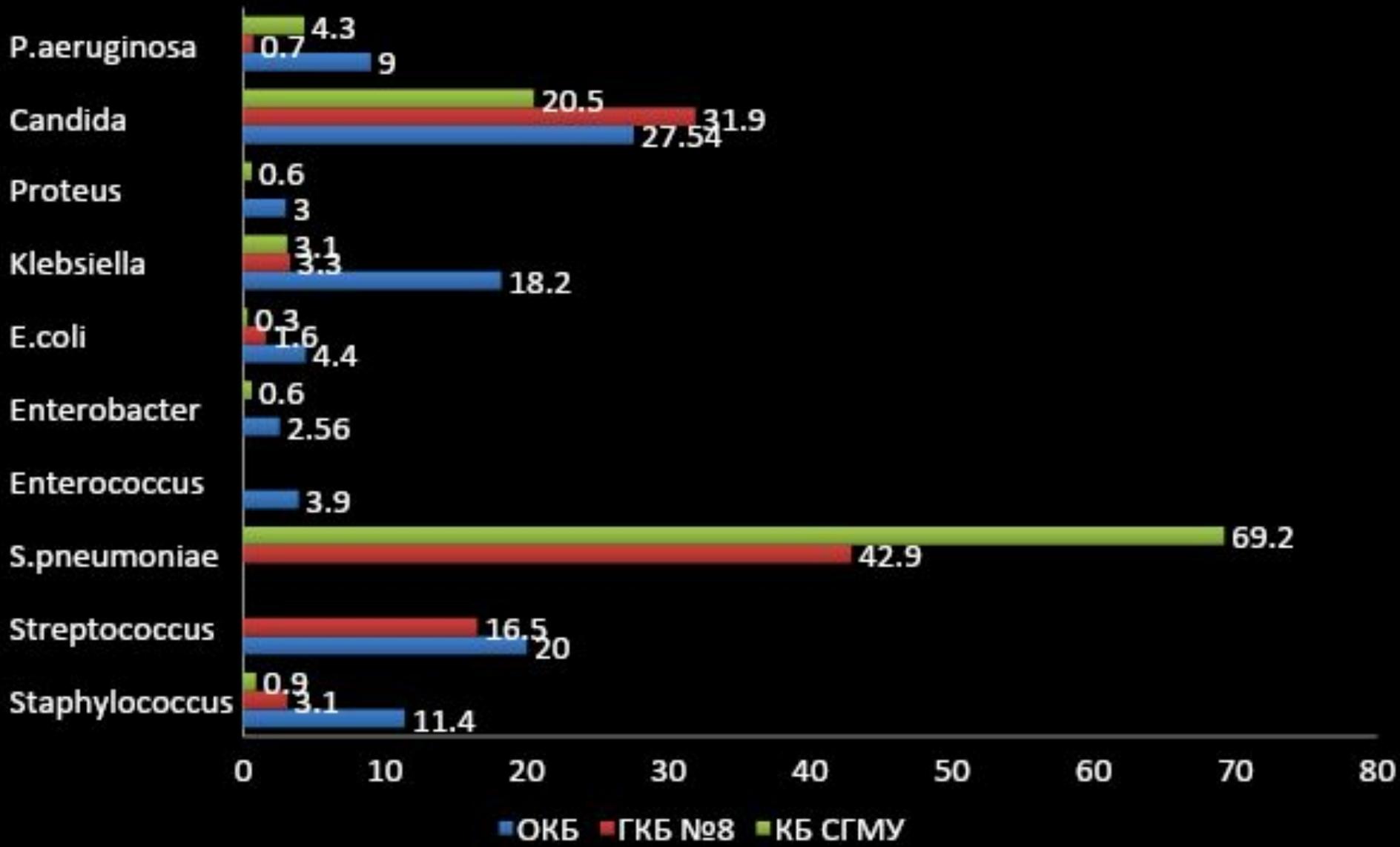
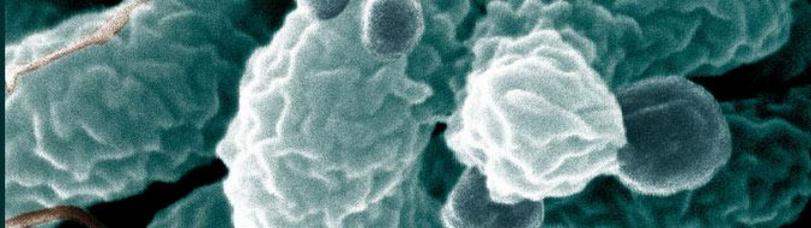


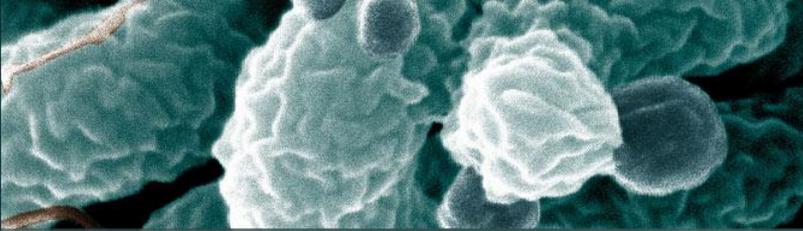
- Анализ видовой структуры микроорганизмов, выделенных из образцов мокроты, проведен без учета возраста, пола и групп стратификации риска пациентов, а также клинико-лабораторных данных об окончательном обосновании диагноза инфекций нижних дыхательных путей. В него не включены пациенты отделений реанимации и интенсивной терапии и отделений, перепрофилированных для приема пациентов с подозреваемой или подтвержденной новой коронавирусной инфекцией, вызываемой SARS-CoV-2. Для статистической обработки результатов рассчитывали по каждому стационару долю p (%) микроорганизма от общего (абсолютного) числа n всех выделенных из мокроты по стационару изолятов. С целью сравнения полученных значений p по годам вычисляли разницу d между выборочными долями, ее ошибку s_d , на их основе - значение нормированного отклонения t . Соответственно полученному t находили значение вероятности и уровень значимости, по которым судили о существенности различий между p



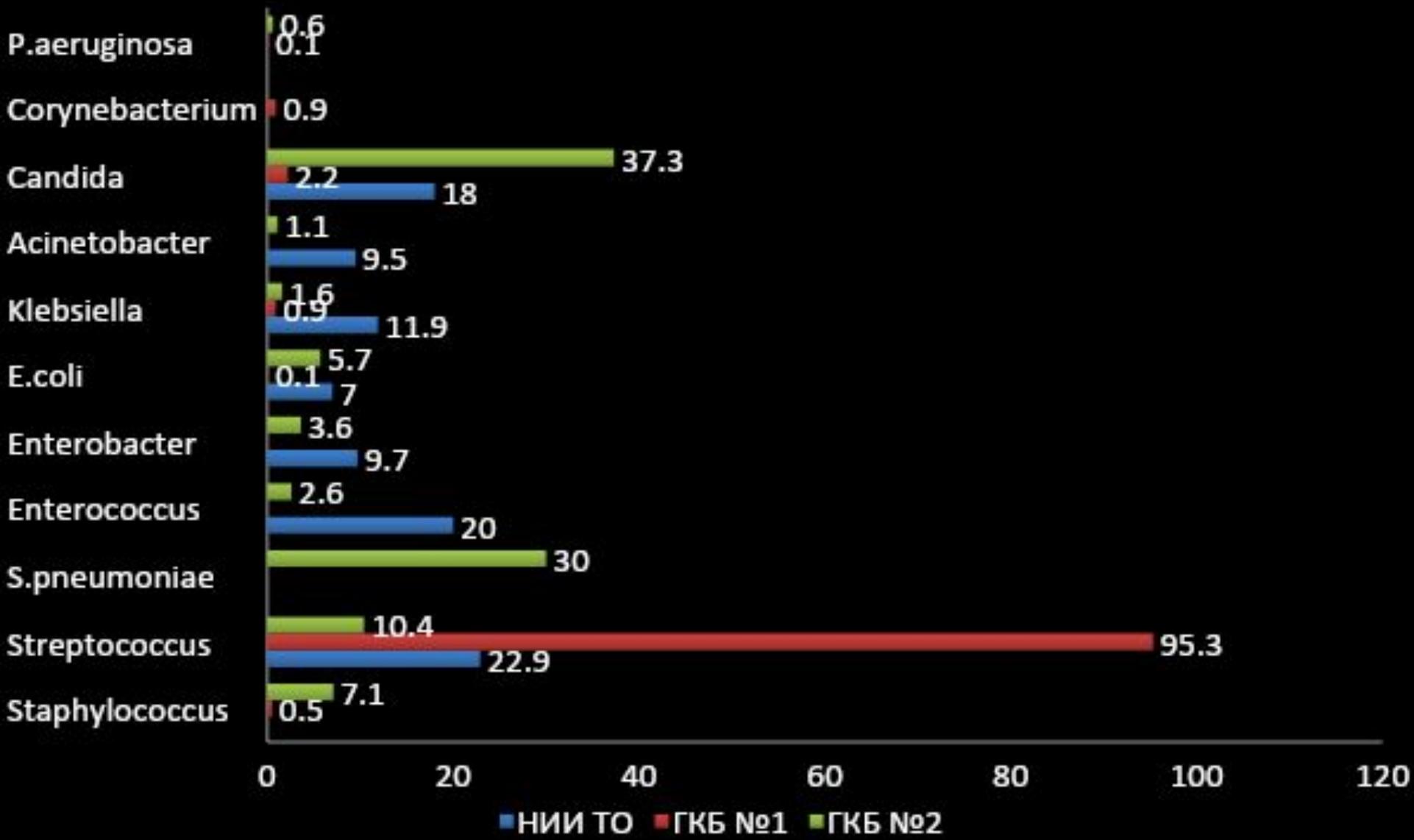
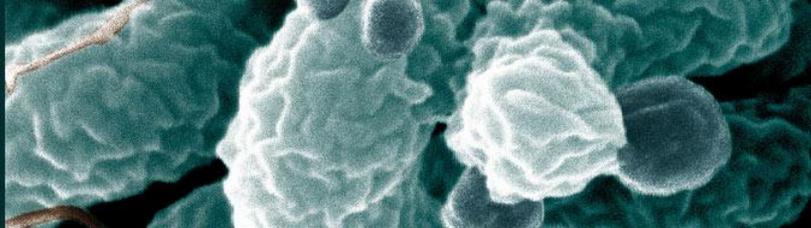
Результаты

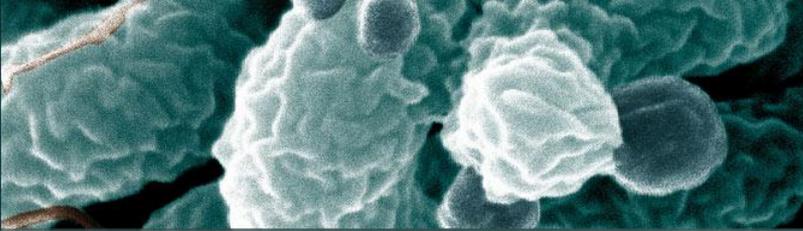
- Установлено, что в 2019 году первые четыре места в этиологической структуре инфекций нижних дыхательных путей заняли представители родов *Streptococcus* (р от 10,4 до 95,3%), *Klebsiella* (р от 0,9 до 18,2%), *Staphylococcus* (р от 0,5 до 11,4%), а также *Pseudomonas aeruginosa*, *Enterococcus*, *Corynebacterium* и *Escherichia coli*, занявшие одно из указанных мест в зависимости от стационара. Существенный процент культур пришелся на грибы рода *Candida* (р от 18 до 37,3%). Меньший процент изолятов пришелся на рода *Proteus*, *Enterobacter*, *Acinetobacter*.



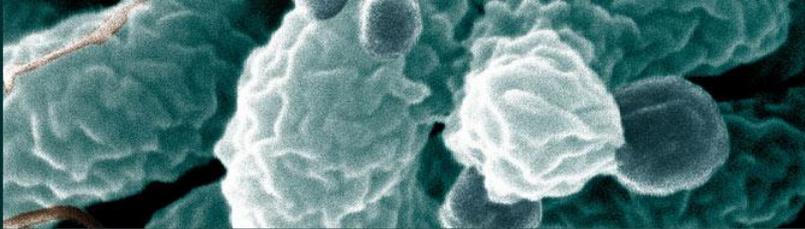


- **Основные возбудители инфекций нижних дыхательных путей, выделенные в бактериологических лабораториях Университетской клинической больницы им. С.Р. Миротворцева (КБ СГМУ), ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №8» (ГКБ №8), ГУЗ «Областная клиническая больница» (ОКБ) в 2019г.**

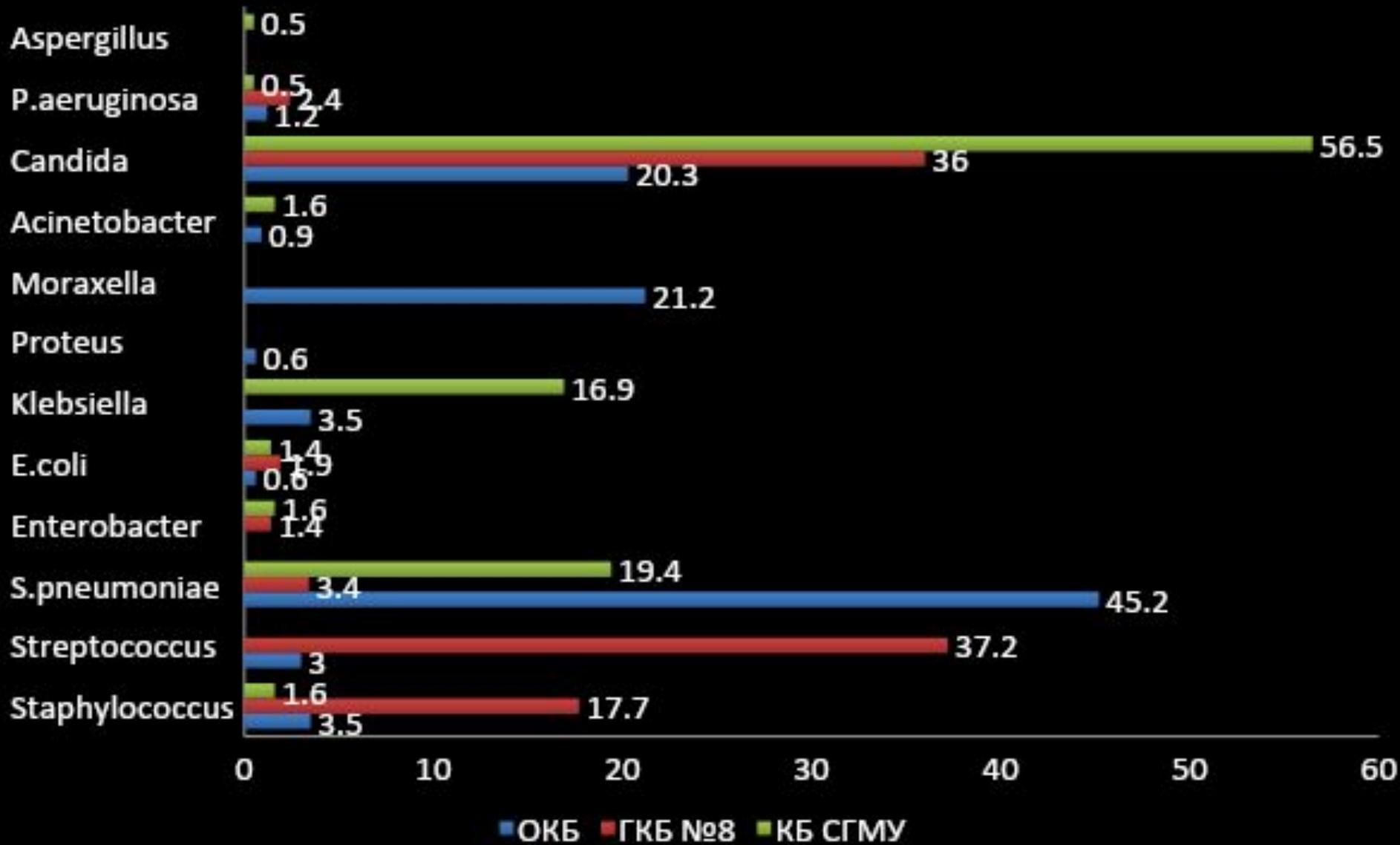
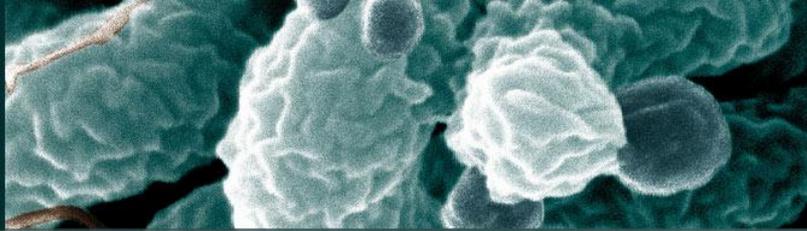


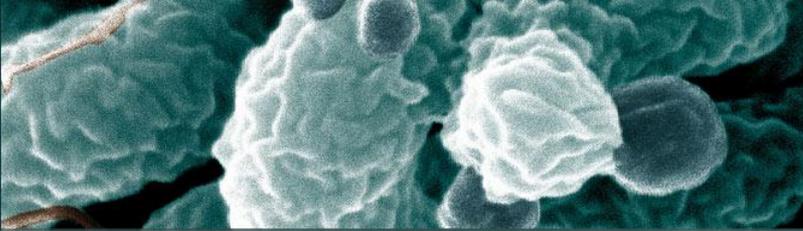


- Основные возбудители инфекций нижних дыхательных путей, выделенные в бактериологических лабораториях ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №2 им. В.И. Разумовского» (ГКБ №2), ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №1 им. Ю.Я. Гордеева» (ГКБ №1), Научно-исследовательского института травматологии, ортопедии и нейрохирургии Саратовского государственного медицинского университета им. В.И. Разумовского (НИИ ТО) в 2019г.

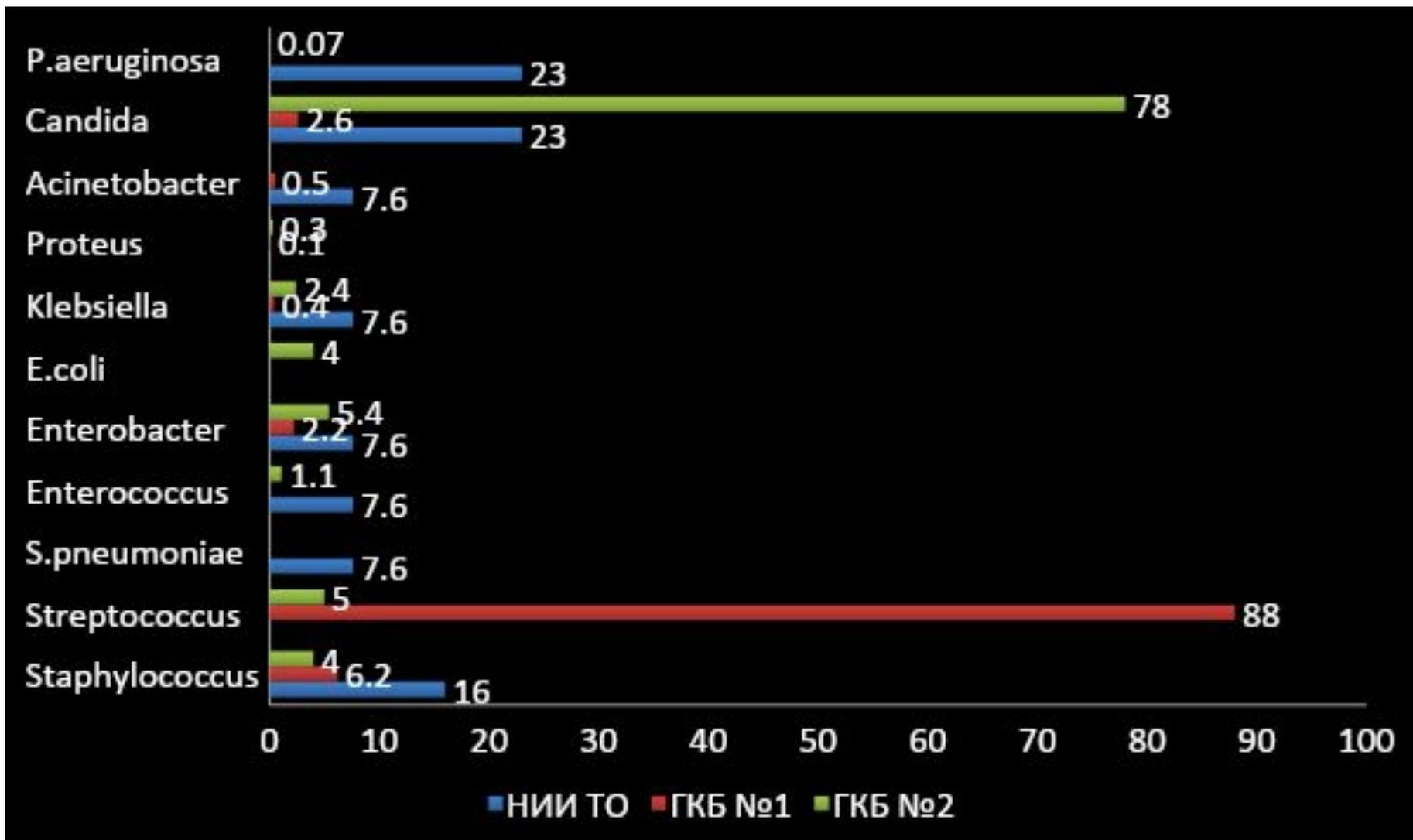
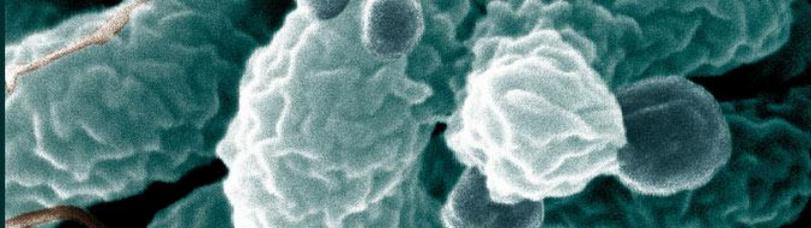


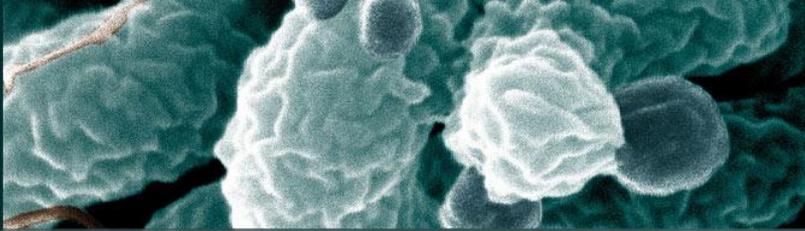
- **В 2020 году указанная тенденция сохранилась с увеличением доли представителей *Enterobacter*, *Acinetobacter* и *Moraxella*, грибов рода *Candida* и случаями выделения грибов рода *Aspergillus*.**



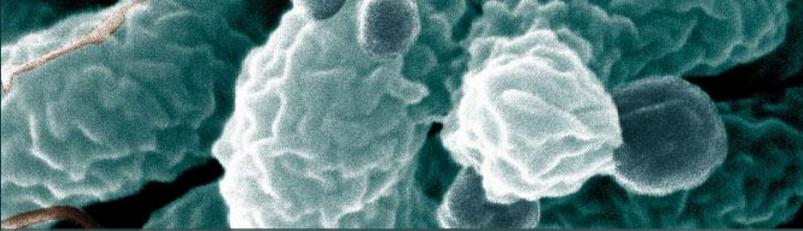


- Основные возбудители инфекций нижних дыхательных путей, выделенные в бактериологических лабораториях Университетской клинической больницы им. С.Р. Миротворцева (КБ СГМУ), ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №8» (ГКБ №8), ГУЗ «Областная клиническая больница» (ОКБ) в 2020г.

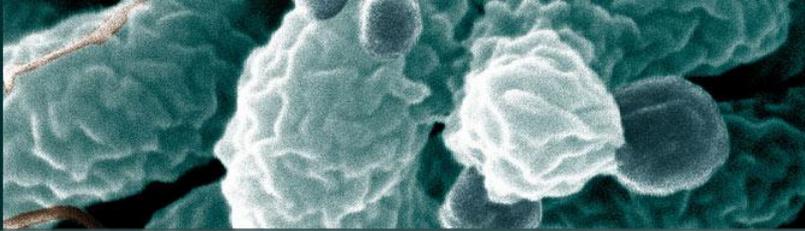




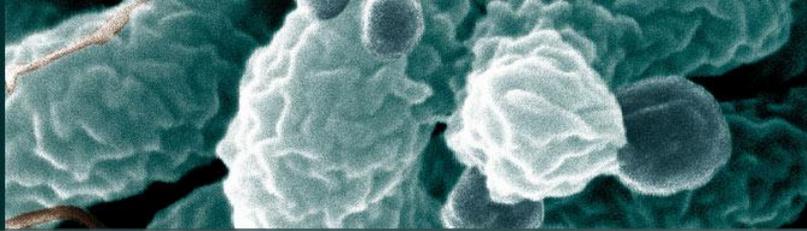
- Основные возбудители инфекций нижних дыхательных путей, выделенные в бактериологических лабораториях ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №2 им. В.И. Разумовского» (ГКБ №2), ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №1 им. Ю.Я. Гордеева» (ГКБ №1), Научно-исследовательского института травматологии, ортопедии и нейрохирургии Саратовского государственного медицинского университета им. В.И. Разумовского (НИИ ТО) в 2020г.



- Статистические различия с вероятностью более 99% установлены при сравнении доли каждого таксона микроорганизма (в случае его выделения в каждом из оцениваемых годов) в ГУЗ «Областная клиническая больница» для представителей родов *Staphylococcus*, *Streptococcus*, *Klebsiella*, *Proteus*, видов *E.coli* и *P.aeruginosa* (их количество значительно снизилось, кроме появления значительного процента изолятов пневмококка), в ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №8» - для родов *Staphylococcus*, *Streptococcus*, в отношении которых замечено значительное снижение p , в университетской клинической больнице им. С.Р. Миротворцева – для видов *S.pneumoniae* и *P.aeruginosa*, доля которых значительно снизилась, родов *Klebsiella*, *Candida*, доля которых, наоборот, возросла.

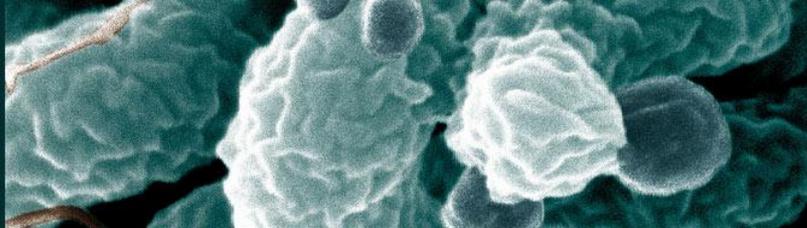


- В ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №1 им. Ю.Я. Гордеева» - для родов *Staphylococcus* (отмечено существенное повышение значения p), *Streptococcus* и *Klebsiella*, для которых процент изолятов снизился, в ГУЗ «Саратовская городская клиническая больница №2 им. В.И. Разумовского» - для родов *Staphylococcus*, *Streptococcus*, включая *S.pneumoniae*, *Enterococcus* и вида *P.aeruginosa* (в отношении всех таксонов отмечено значительное снижение p). В научно-исследовательском институте травматологии, ортопедии и нейрохирургии Саратовского государственного медицинского университета им. В.И. Разумовского статистических различий между значениями p не установлено.



Заключение

- **Таким образом, в этиологической бактериальной структуре инфекций нижних дыхательных путей пациентов стационаров г. Саратова в 2019-2020 гг. сохраняется лидерство основных возбудителей – стрептококков, включая *S.pneumoniae*, стафилококков, представителей семейств *Enterobacteriaceae* и *Moraxellaceae*.**



Благодарю за
внимание!