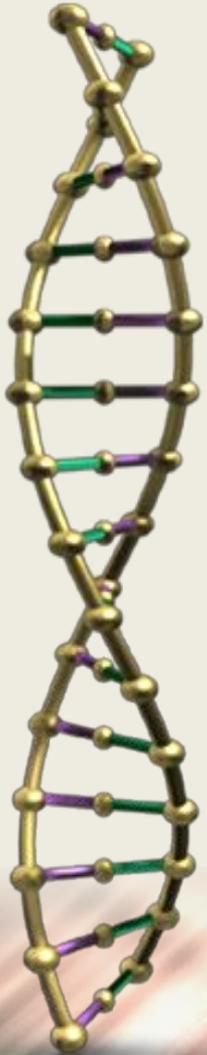


# Метод ПЦР в диагностике инфекционных заболеваний



В 1983 году Кэри Мюллис с сотрудниками разработал метод клонирования последовательностей ДНК *in vitro*, который получил название полимеразной цепной реакции (ПЦР).

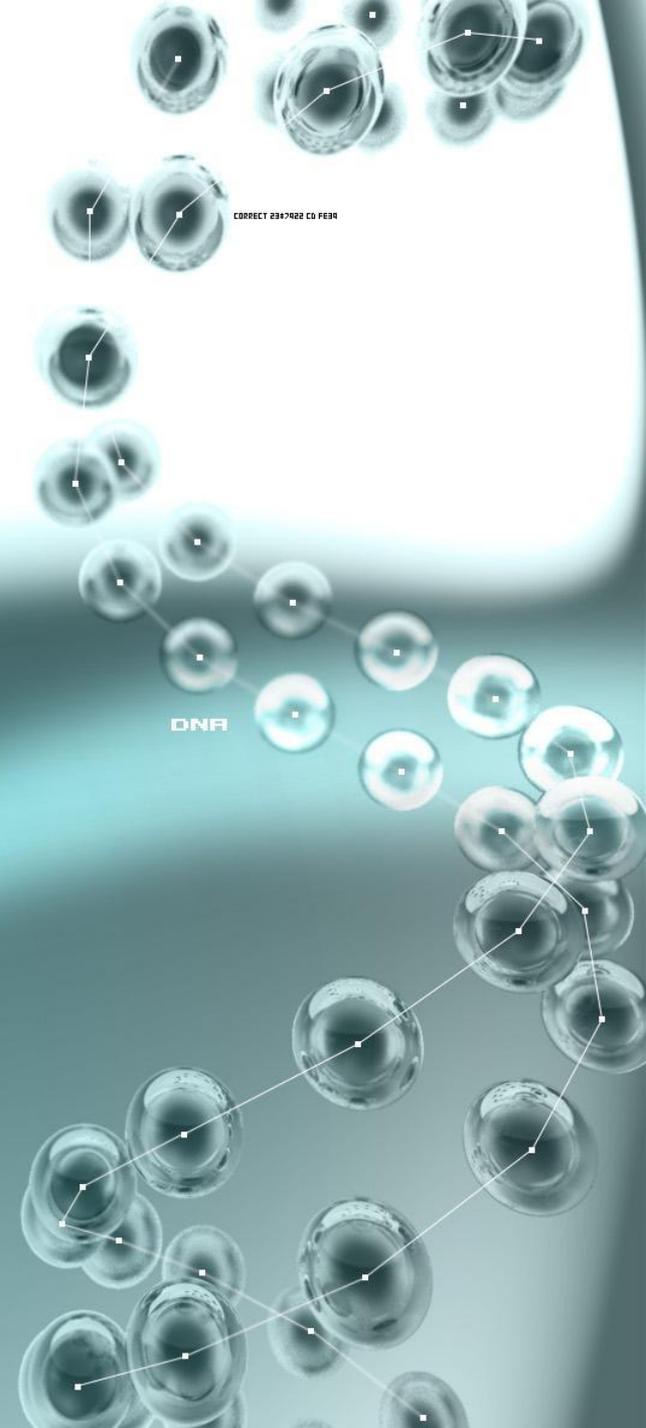


ПЦР – метод амплификации, т.е. получения большого числа копий нужного гена или его фрагмента в условиях *in vitro*.  
Реакционная смесь для получения нужной ДНК содержит: исследуемую ДНК-матрицу, субстраты реакции – 4 дНТФ, 2 праймера, термостабильную Taq-полимеразу и реакционный буфер (кофактор –  $Mg^{2+}$ ).

Праймеры – это искусственно синтезированные короткие однонитевые ДНК (20 – 30 нуклеотидов), выполняющие функцию «затравок» при ферментативном синтезе ДНК. В ПЦР обычно используют 2 праймера, которые комплементарны 3'-концевым последовательностям амплифицируемого участка на обеих нитях ДНК-матрицы соответственно. Расстояние между праймерами определяет длину синтезируемых фрагментов – ПЦР

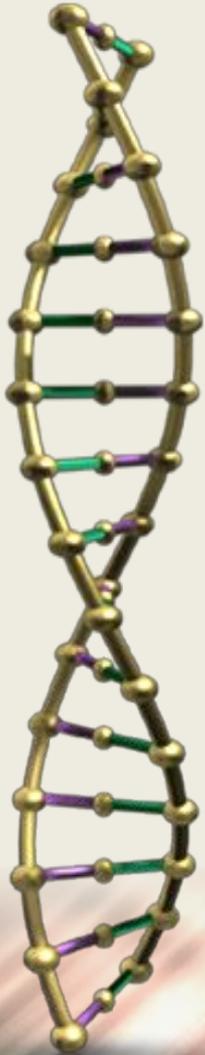


Термостабильные бактерии *Thermus Aquaticus*

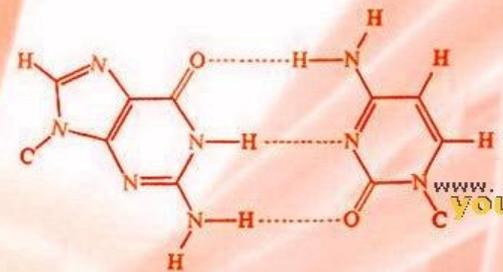
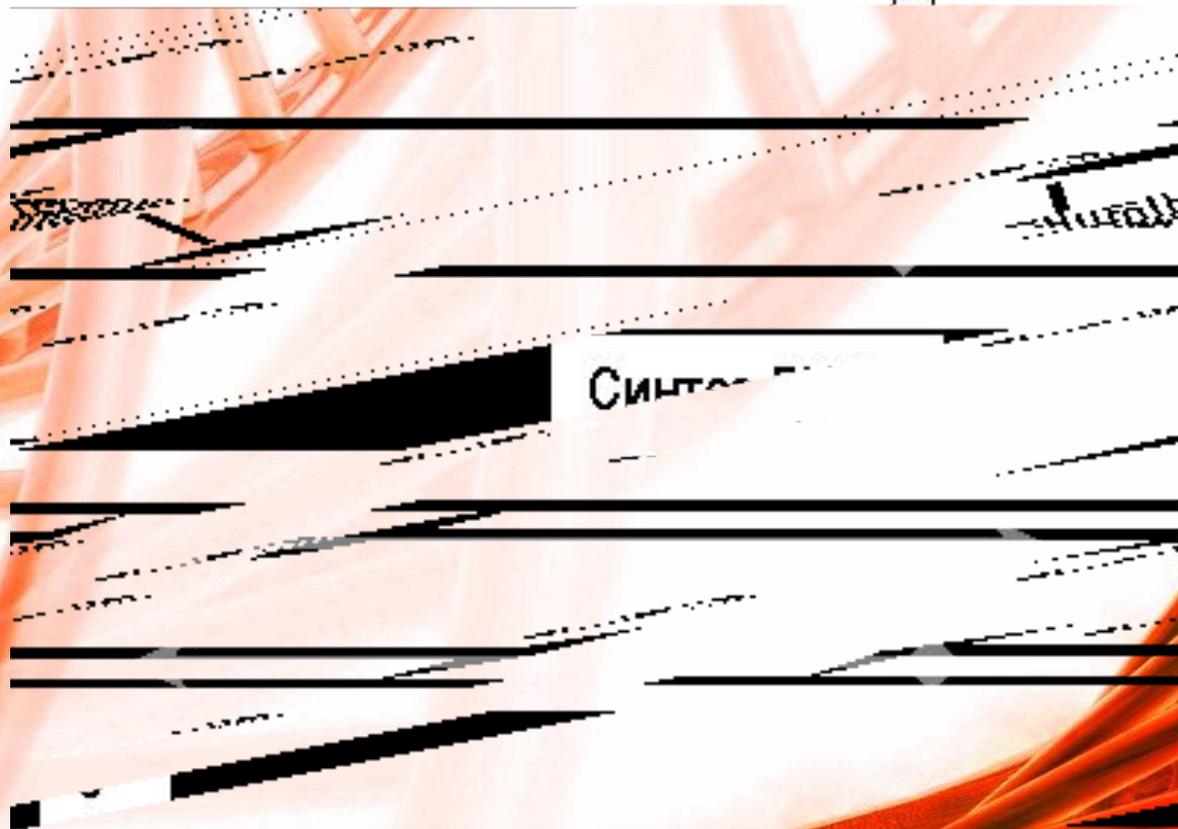


В один цикл ПЦР включается 3 этапа:

- Денатурация – исходная смесь нагревается до  $94^{\circ}\text{C}$ , при этом нити ДНК расходятся;
- Отжиг – на этом этапе  $T$  реакционной смеси снижается до  $52 - 60^{\circ}\text{C}$  и происходит комплементарное связывание праймеров с нитями матричной ДНК;
- Полимеризация, в ходе которой Taq-полимераза катализирует удлинение праймеров (с 3'-конца) и синтез новых цепей ДНК.  $T$  смеси для проявления оптимальной активности Taq-полимеразы соответствует  $72^{\circ}\text{C}$ .



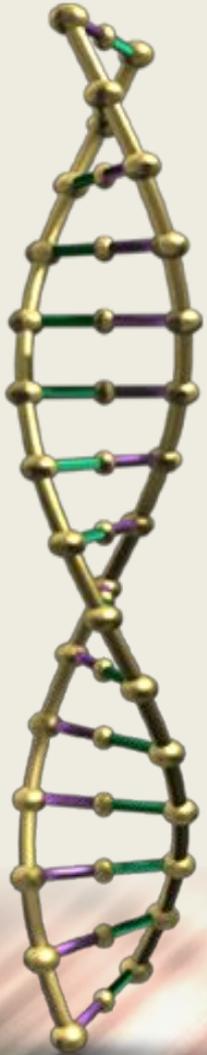
# Разделившиеся комплементарные цепи ДНК

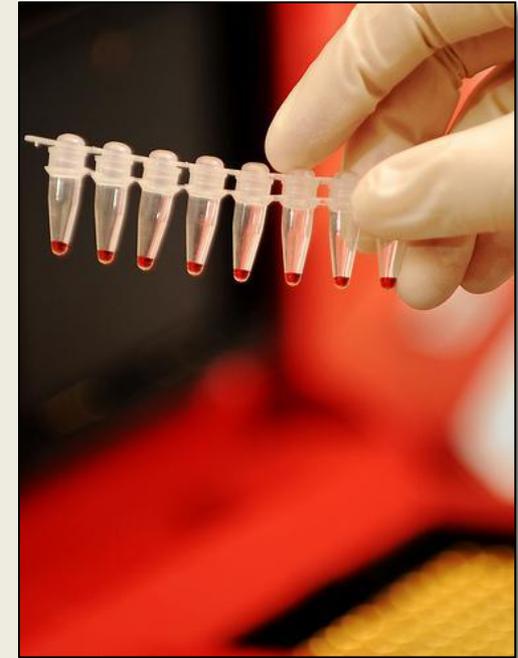


Эти этапы повторяются многократно в приборе – амплификаторе (термоциклере), что позволяет получить огромное количество копий нужного фрагмента ДНК. Так, в результате проведения 20 циклов ПЦР анализируемый участок ДНК амплифицируется более чем в миллион раз.



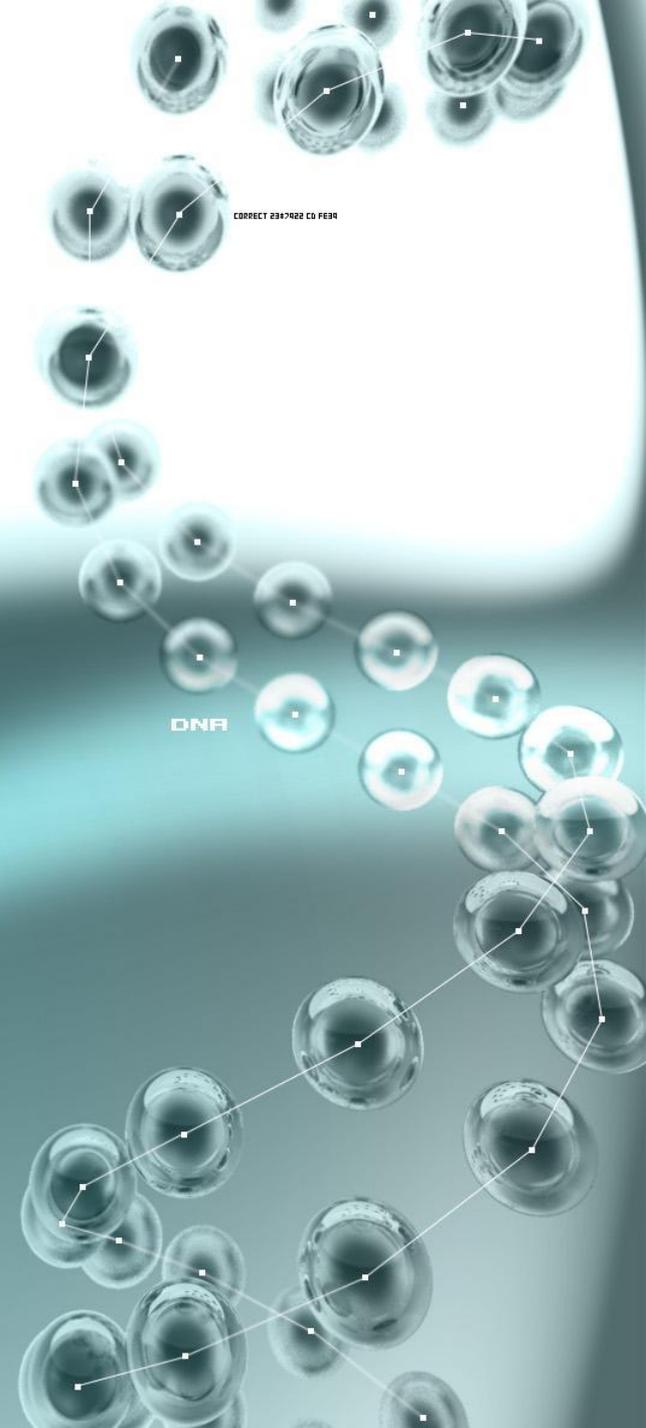
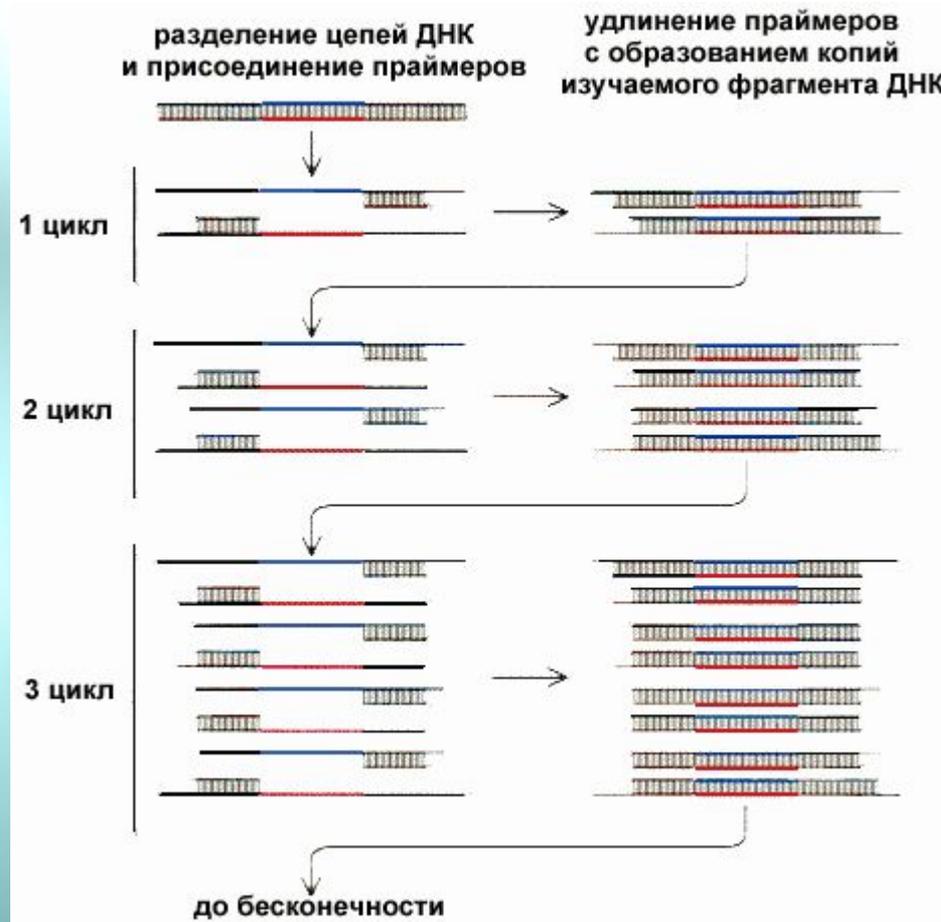
**Современный амплификатор Corbett (вид 1)**

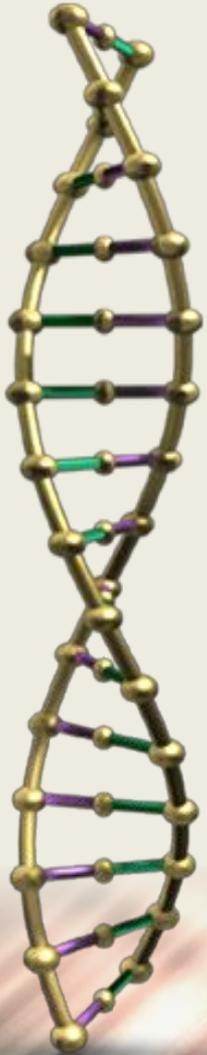




**Современный амплификатор Corbett (вид 2)**

# Общая схема амплификации изучаемого фрагмента ДНК

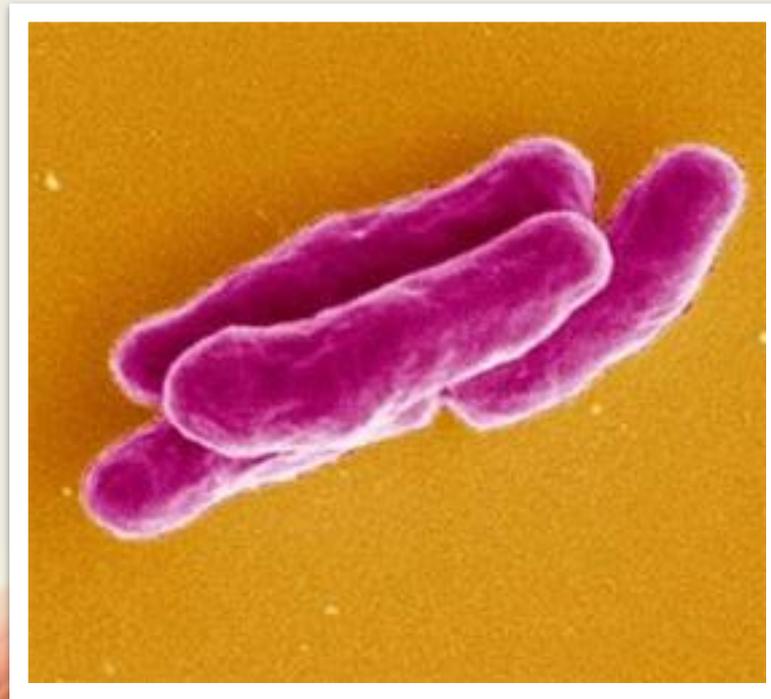
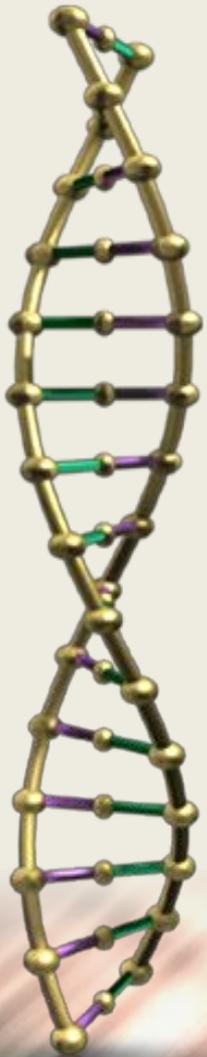




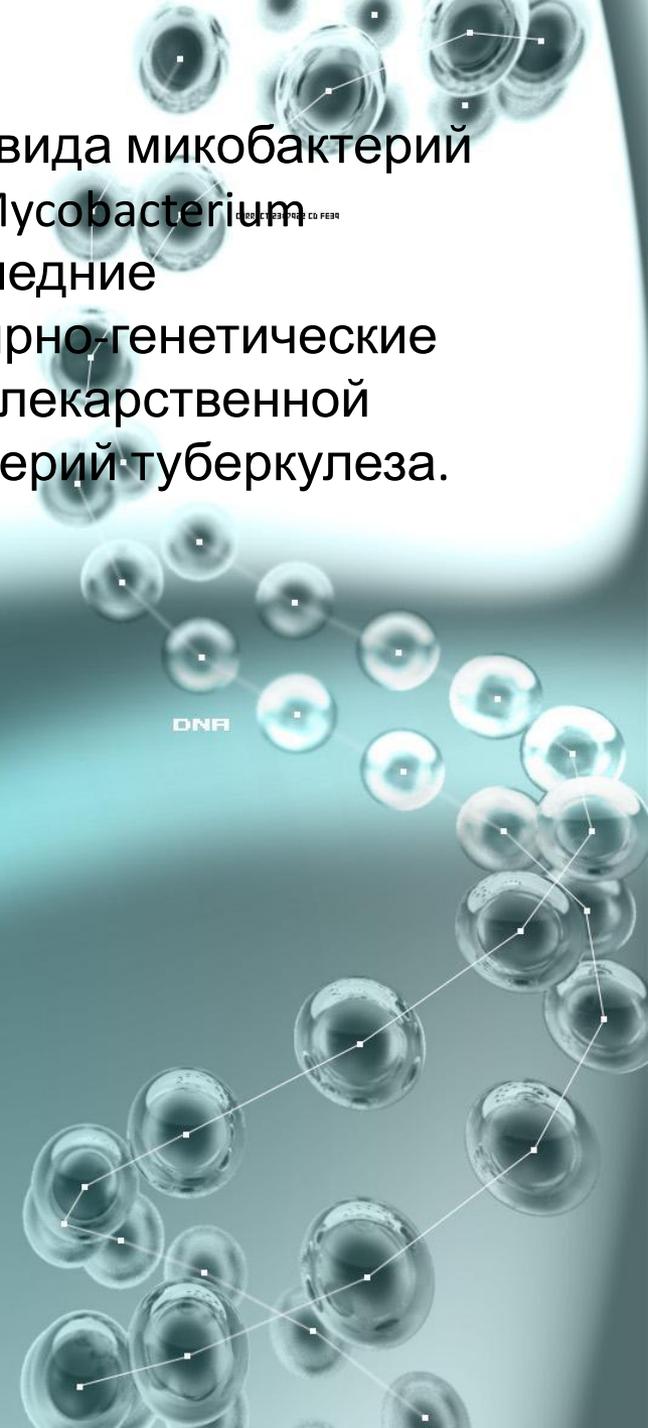
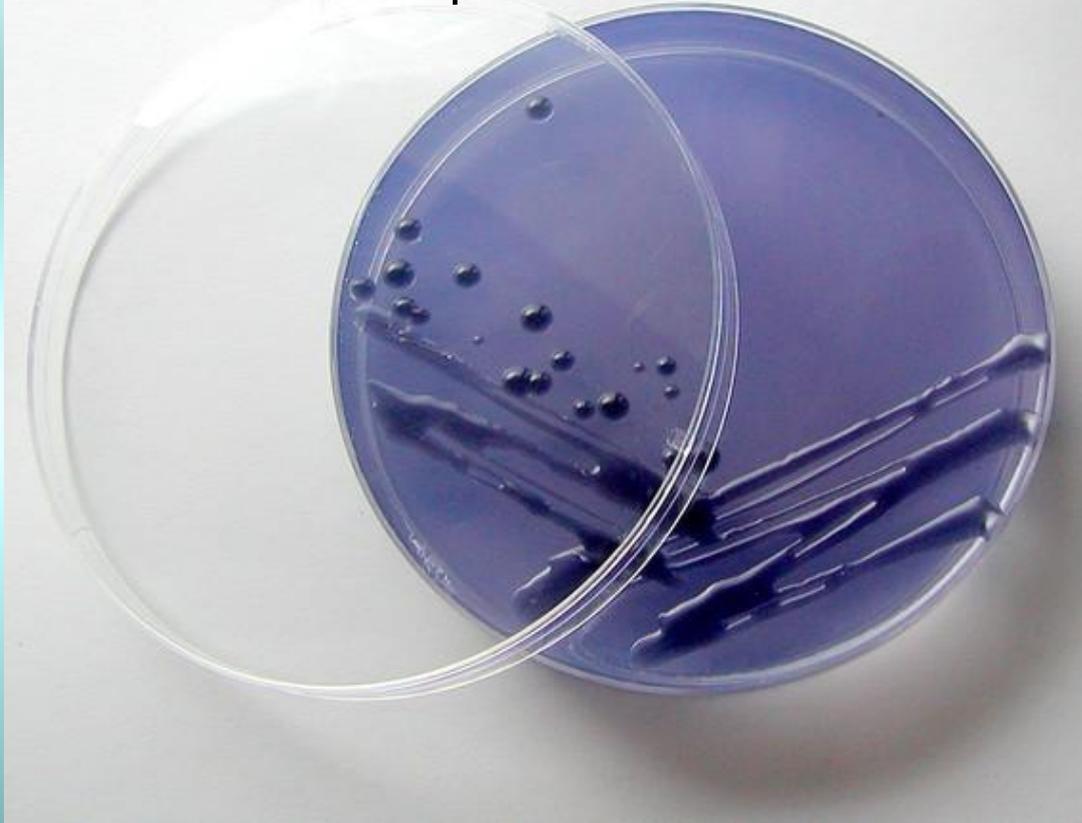
Широкое распространение метод ПЦР в настоящее время получил как метод диагностики различных инфекционных заболеваний. ПЦР позволяет выявлять этиологию инфекции, даже если в пробе содержится всего несколько молекул ДНК возбудителя. ПЦР широко используется для ранней диагностики ВИЧ-инфекции, вирусных гепатитов, клещевого энцефалита, туберкулеза, венерических заболеваний и т.д.

Этот метод имеет большое значение для мониторинга и оценки эффективности терапии, особенно при вирусных заболеваниях. Определение «вирусной нагрузки» позволяет осуществить индивидуальный подбор дозы противовирусных препаратов. При помощи ПЦР удастся выявить отдельные субтипы и штаммы вирусов и бактерий, обладающих повышенной устойчивостью к тем или иным лекарственным препаратам.

Размноженный *in vitro* фрагмент получают в количествах, достаточных для его прямого секвенирования. Такой подход является наиболее информативным при диагностике внутриклеточных паразитов и медленно растущих микроорганизмов, требующих сложных условий культивирования, например, возбудителей туберкулеза – *Mycobacterium tuberculosis*.

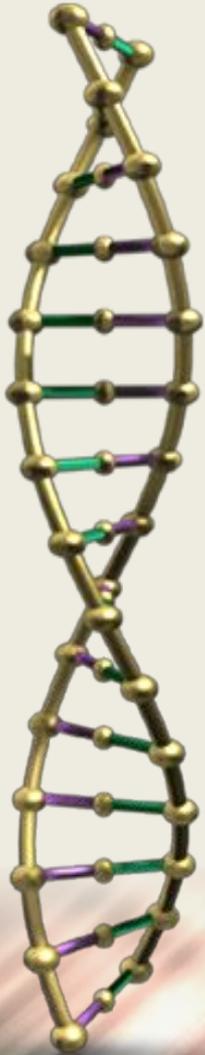


Развитие туберкулезной инфекции вызывают 4 вида микобактерий (*Mycobacterium tuberculosis*, *Mycobacterium bovis*, *Mycobacterium africanum* и *Mycobacterium microti*), поэтому в последние десятилетия интенсивно развиваются молекулярно-генетические методы диагностики туберкулеза, определения лекарственной устойчивости и типирования штаммов микобактерий туберкулеза.



ПЦР-диагностика туберкулеза, как правило, строится на использовании последовательностей ДНК, специфичных для всех 4 видов группы туберкулеза.

Часто для этих целей используют праймеры для выявления последовательностей IS-элементов, например, IS-986 или IS-6110, т.к. данные мигрирующие элементы характерны только для видов микобактерий туберкулеза и присутствуют в геноме микобактерий в числе нескольких копий.

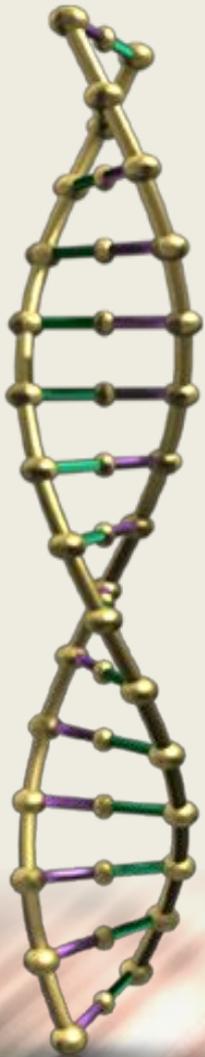
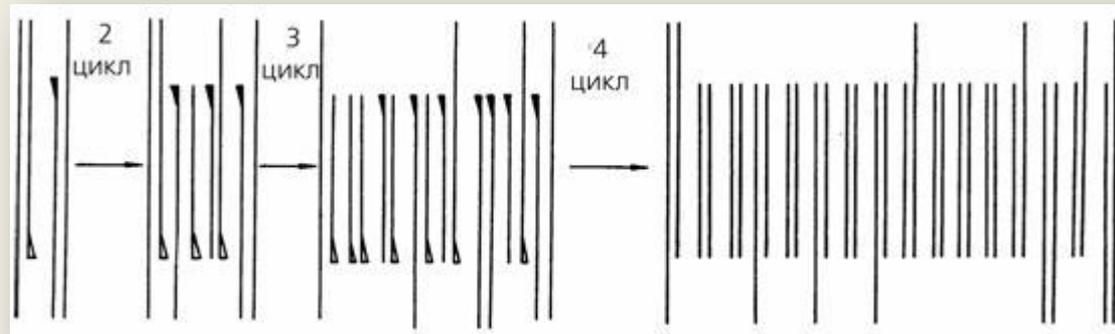


В качестве примера для идентификации микобактерий группы туберкулеза можно привести праймеры, фланкирующие фрагмент размером 245 н.п. (нуклеотидных пар) мигрирующего элемента IS-986, содержащегося в геноме *M. tuberculosis* в числе 2 – 8 копий.

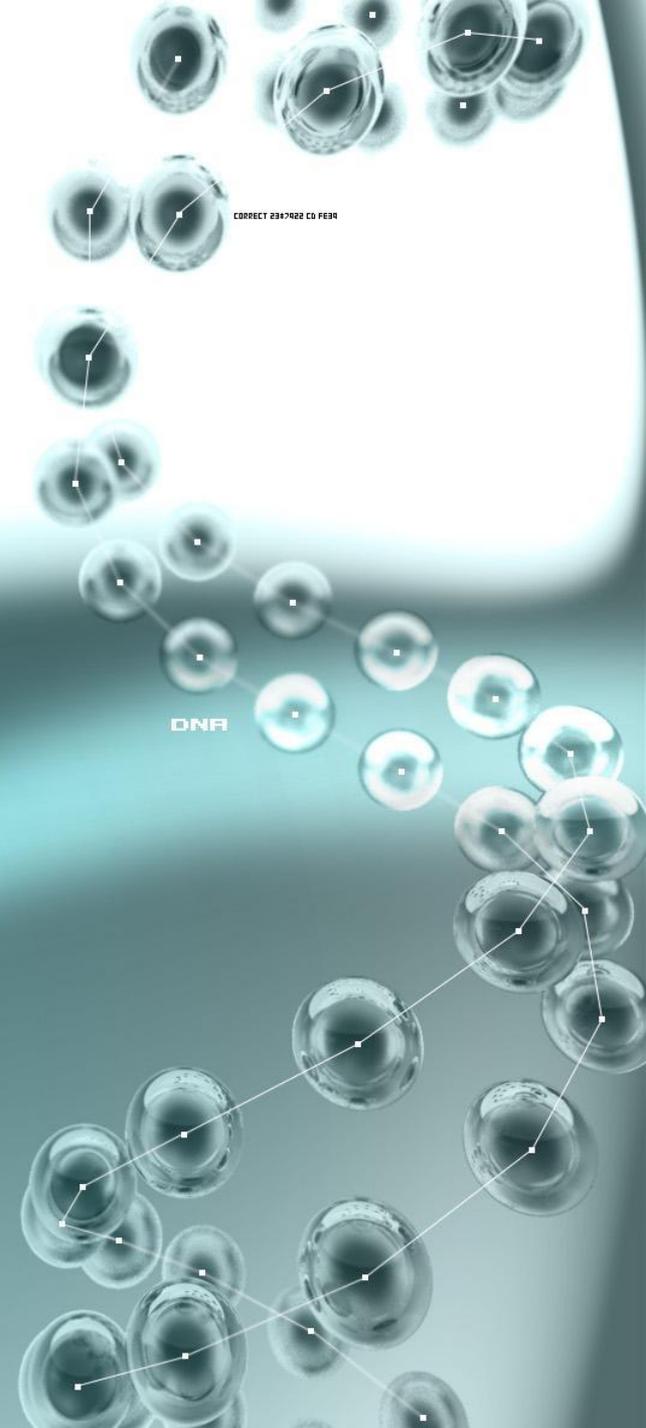
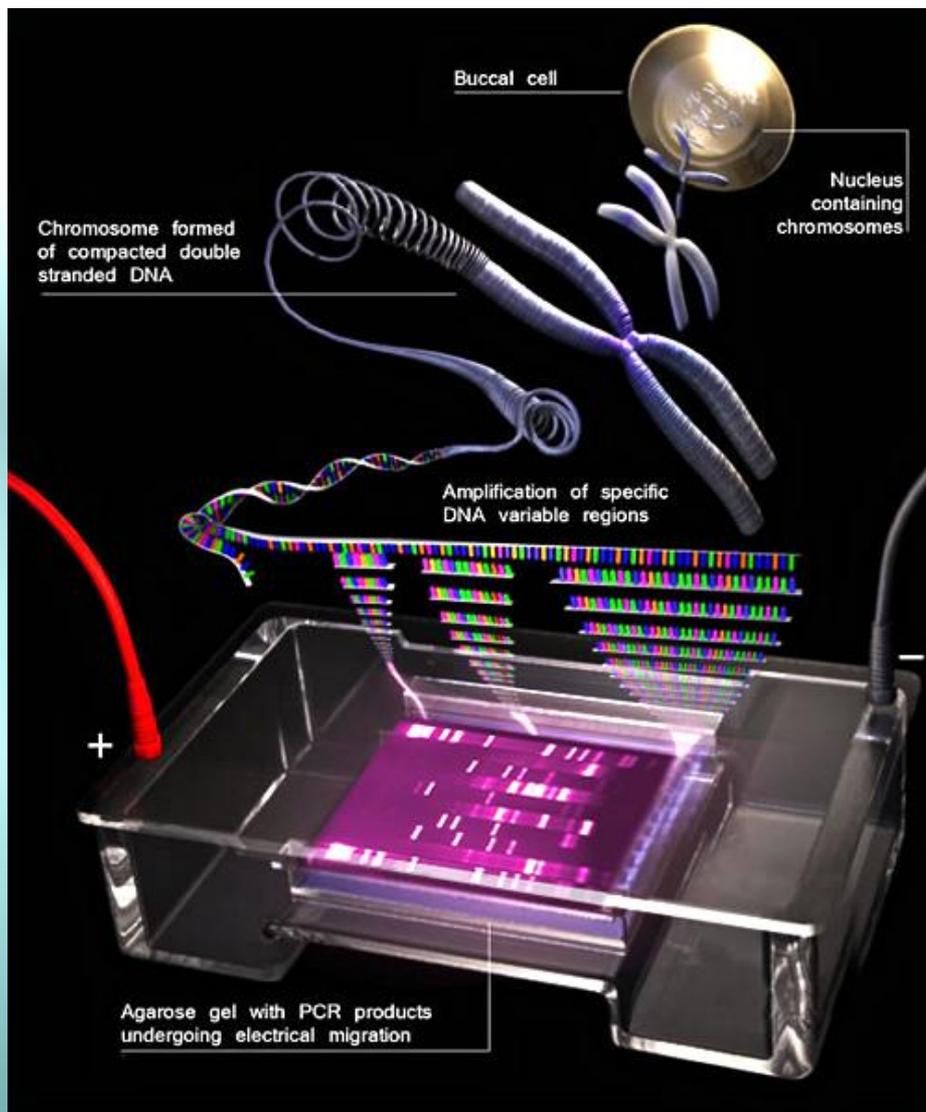
Последовательность праймеров:

INS1 5' - CGT GAG GGC ATC GAG GTG GC - 3'

INS2 5' - GCG TAG GCG TCG GTG ACA AA - 3'



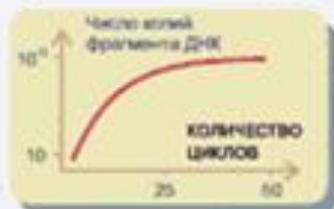
# Аmplицированный фрагмент выявляют в процессе электрофореза в 1,6 % агарозном геле



### 1. Выделение ДНК



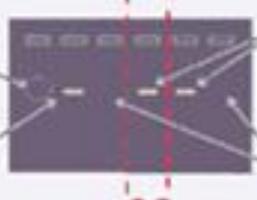
### 2. Амплификация



### 3. Детекция в агарозном геле

ОТРИЦАТЕЛЬНЫЙ КОНТРОЛЬ

ПОЛОЖИТЕЛЬНЫЙ КОНТРОЛЬ



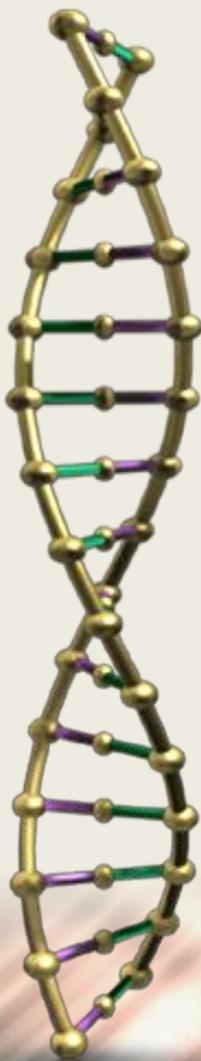
ПОЛОЖИТЕЛЬНЫЕ ОБРАЗЦЫ

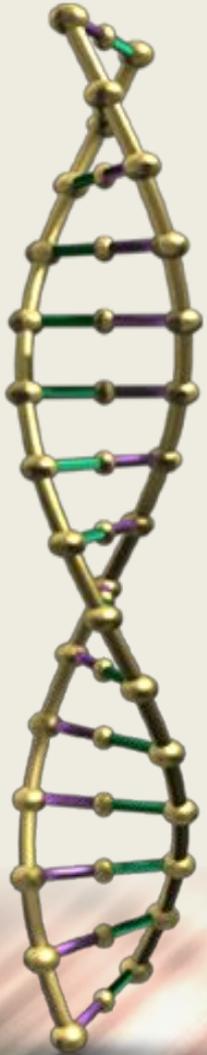
ОТРИЦАТЕЛЬНЫЕ ОБРАЗЦЫ



## Достоинства метода ПЦР:

- среди методов диагностики инфекционных возбудителей ПЦР обладает наиболее высокими показателями чувствительности и специфичности (для Ампли-Сенс ПЦР-систем – 1000 микроор-мов/1 мл);
- возможность использования разнообразного клинического материала;
- возможность одновременного выявления нескольких микроорганизмов в одной биологической пробе, в отличие от бактериологических методов, где для разных возбудителей используются разные способы культивирования;





- повышенная стабильность при транспортировке, т.к. нет необходимости сохранять возбудителя в живом виде;
- скорость проведения анализа (иногда < 24 ч.);
- точное определение этиологии инфекции;
- определение количества возбудителя, это особенно актуально для условно-патогенных микроорганизмов, которые вызывают патологию только при определенных условиях;
- проведение контроля за течением инфекционного процесса.

С другой стороны, метод ПЦР, как и любой другой тест молекулярной диагностики, во многом зависит от правильности забора и транспортировки исследуемого материала.