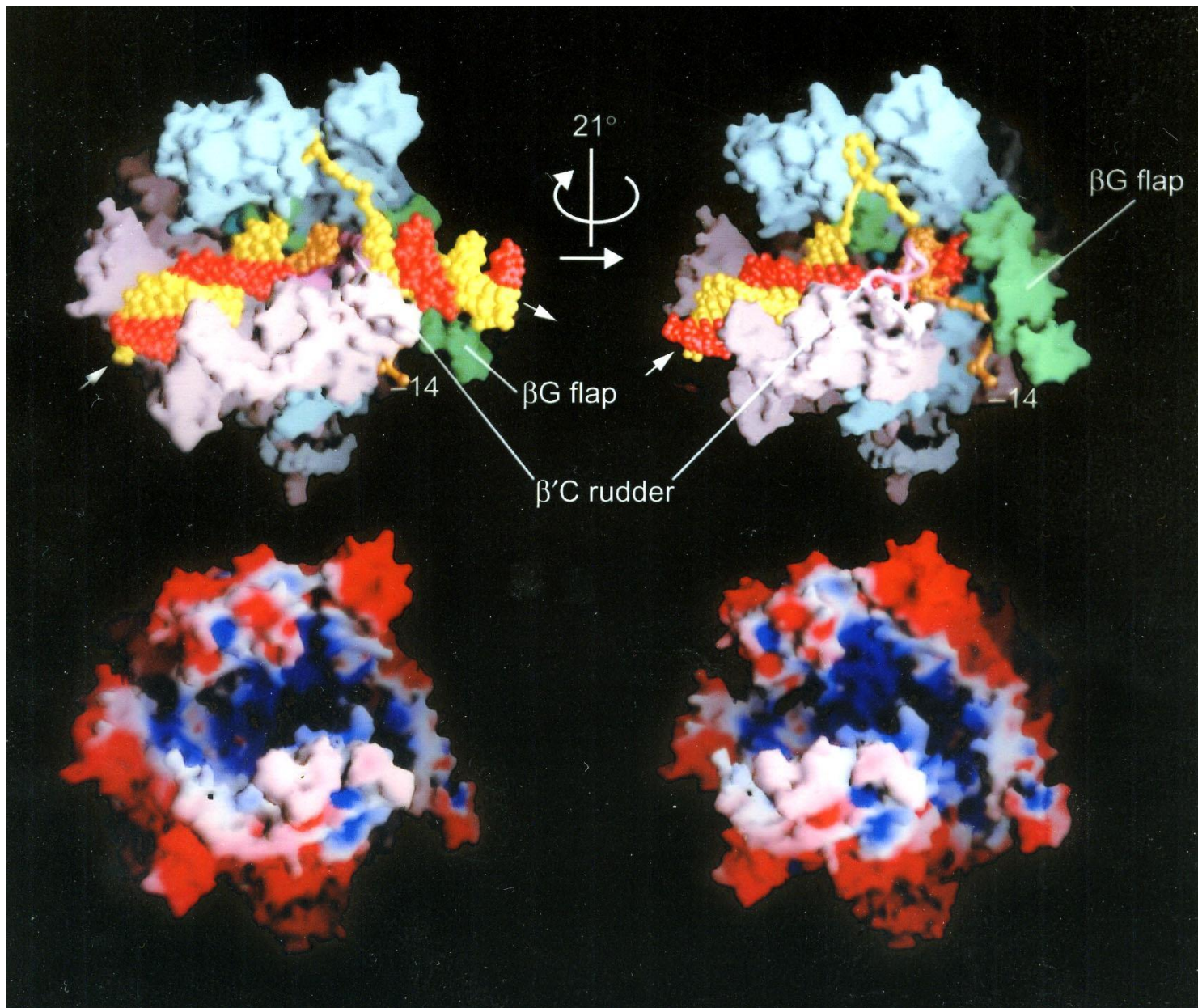
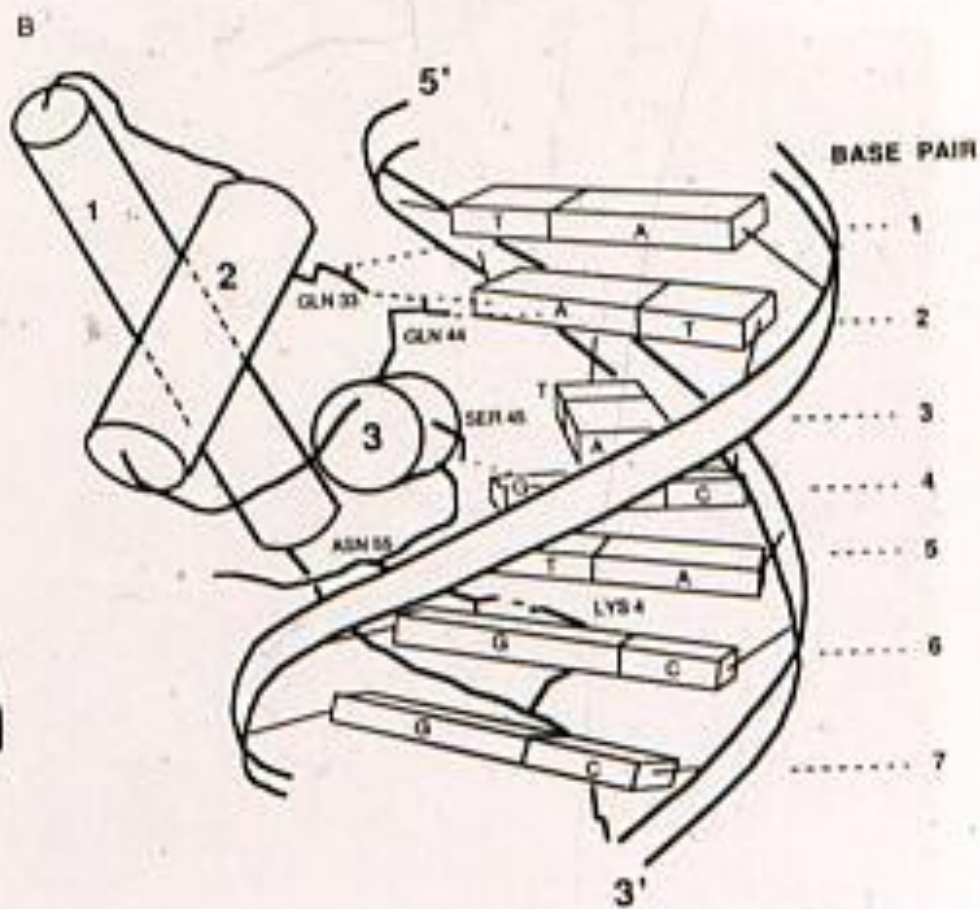
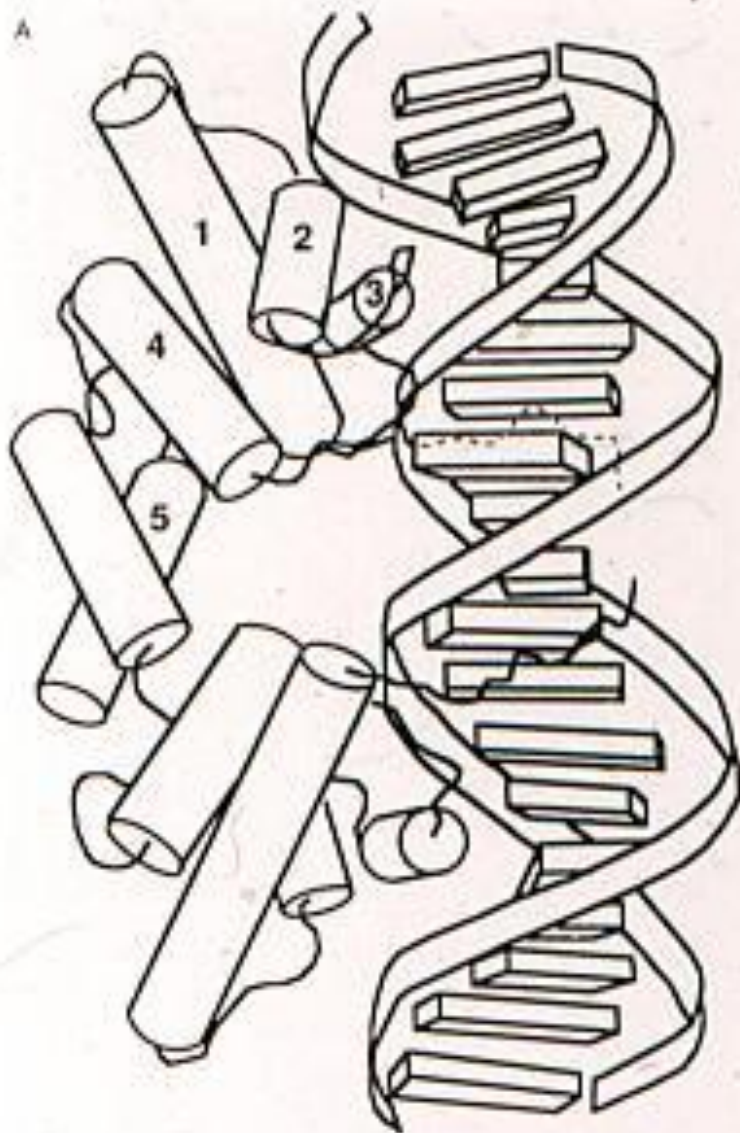


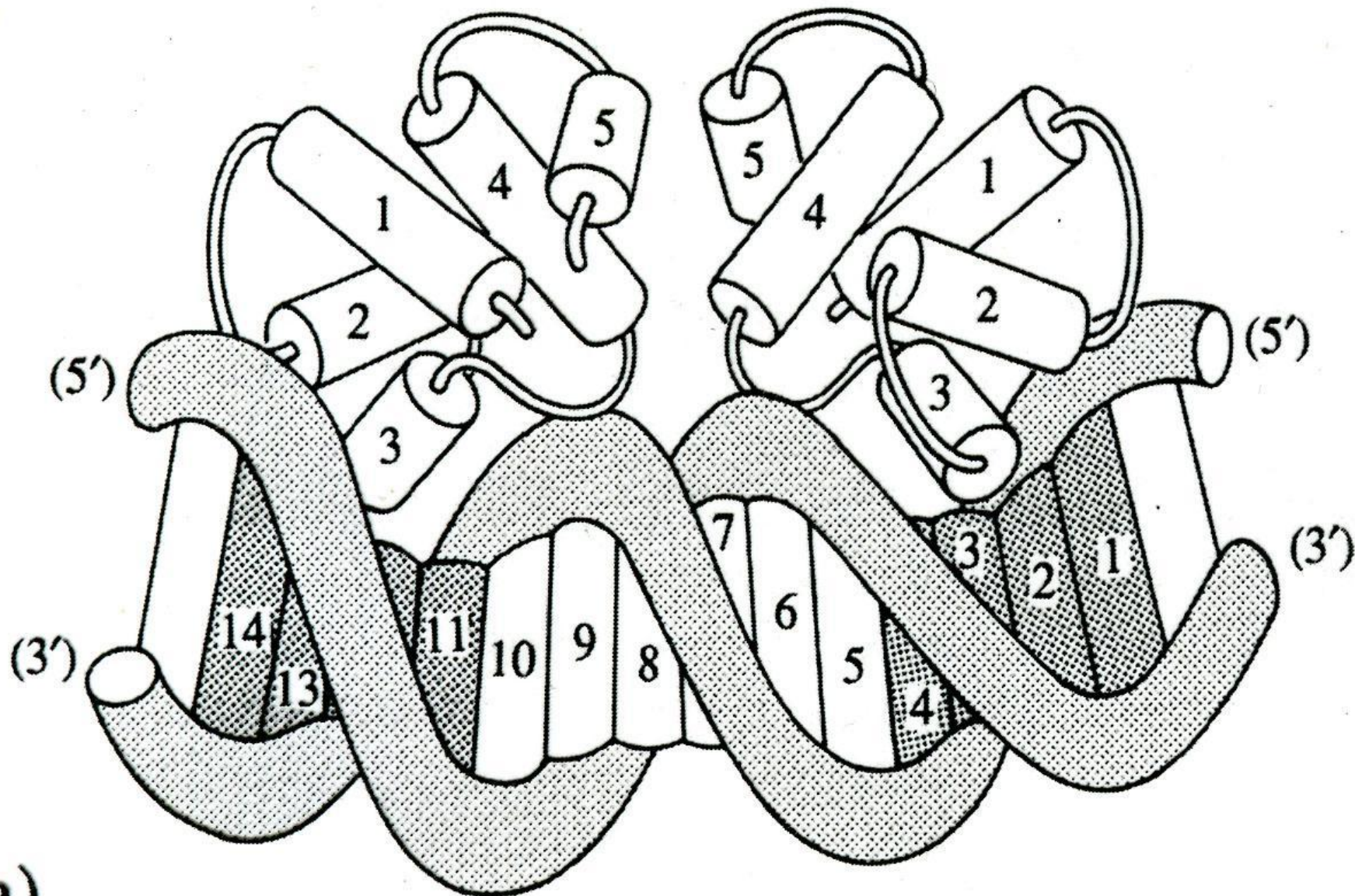
Пространственная структура кор-фермента РНК-полимеразы *Thermus aquaticus* (Zhang et al., 1999).



β вверху, β' внизу ; α и Ω - белый; **красным- кислые ак**, **синим-основные ак**

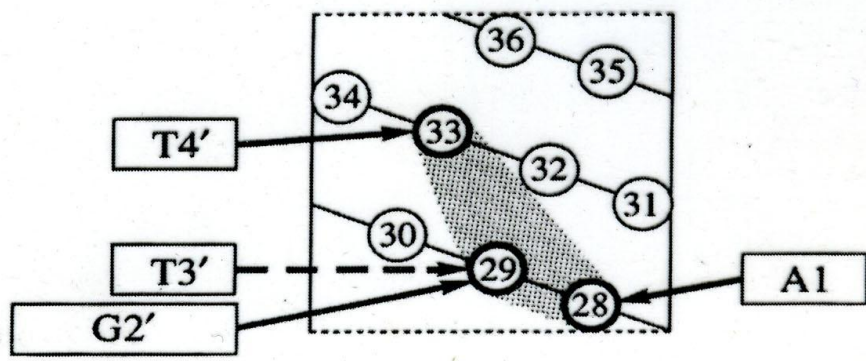
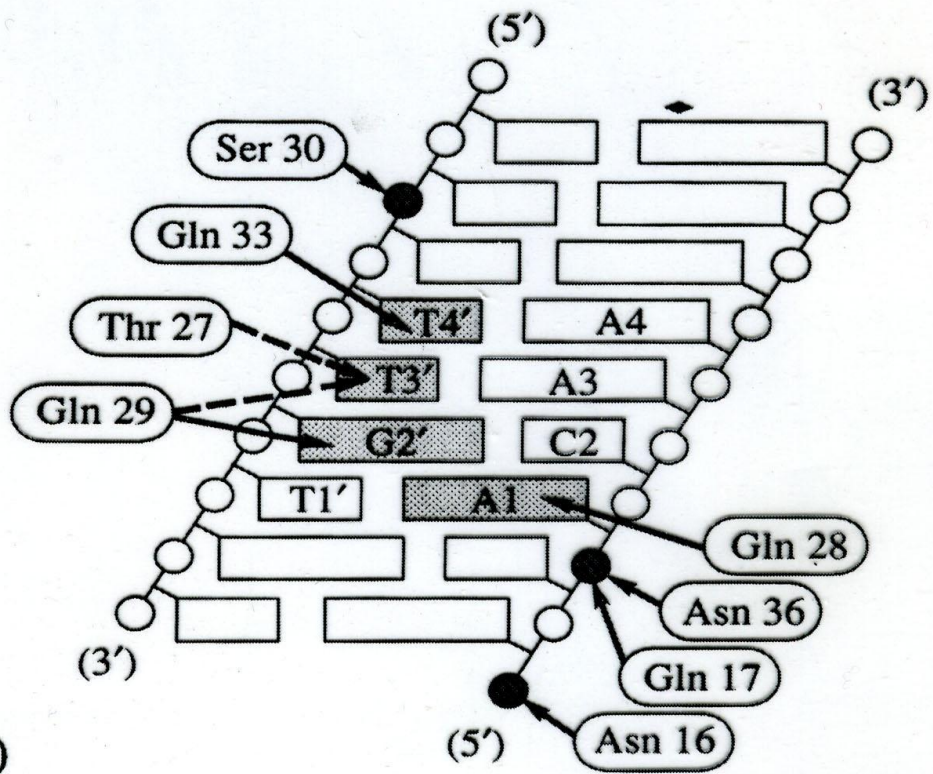


N-терминальный домен репрессора фага лямбда



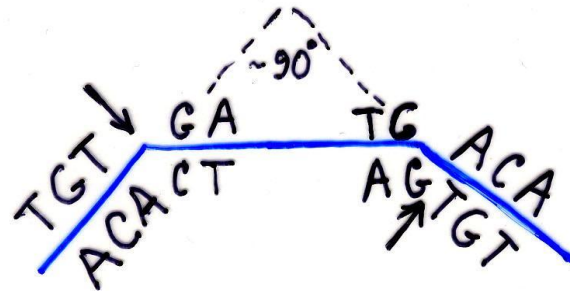
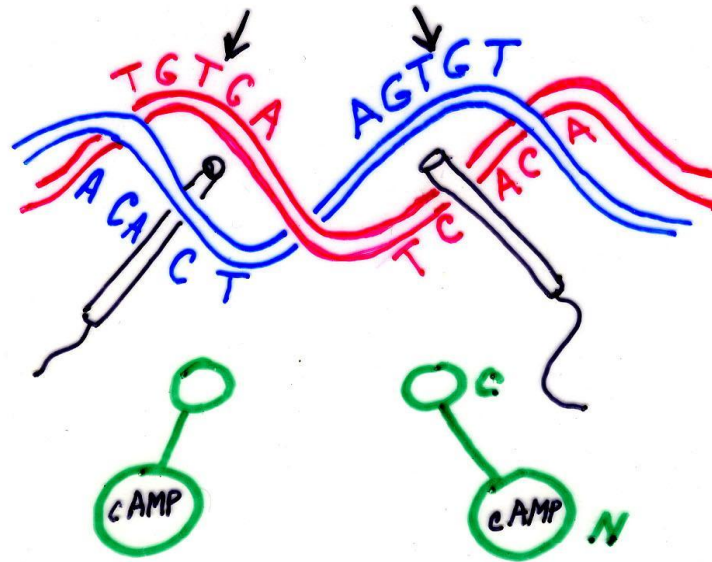
Репрессор фага 434, «узнаваемые» участки затемнены

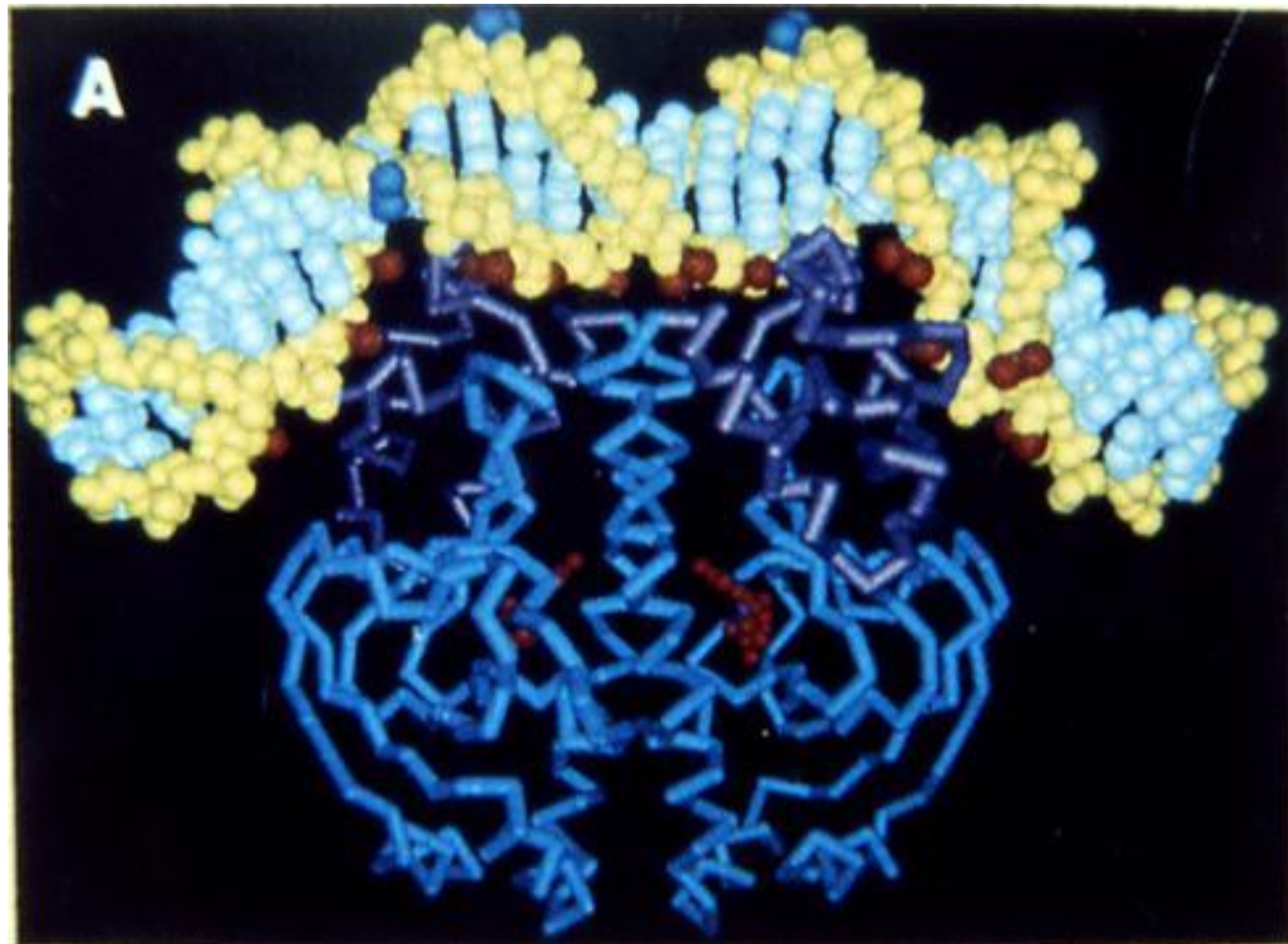
Репрессор фара 434



CAP-белок

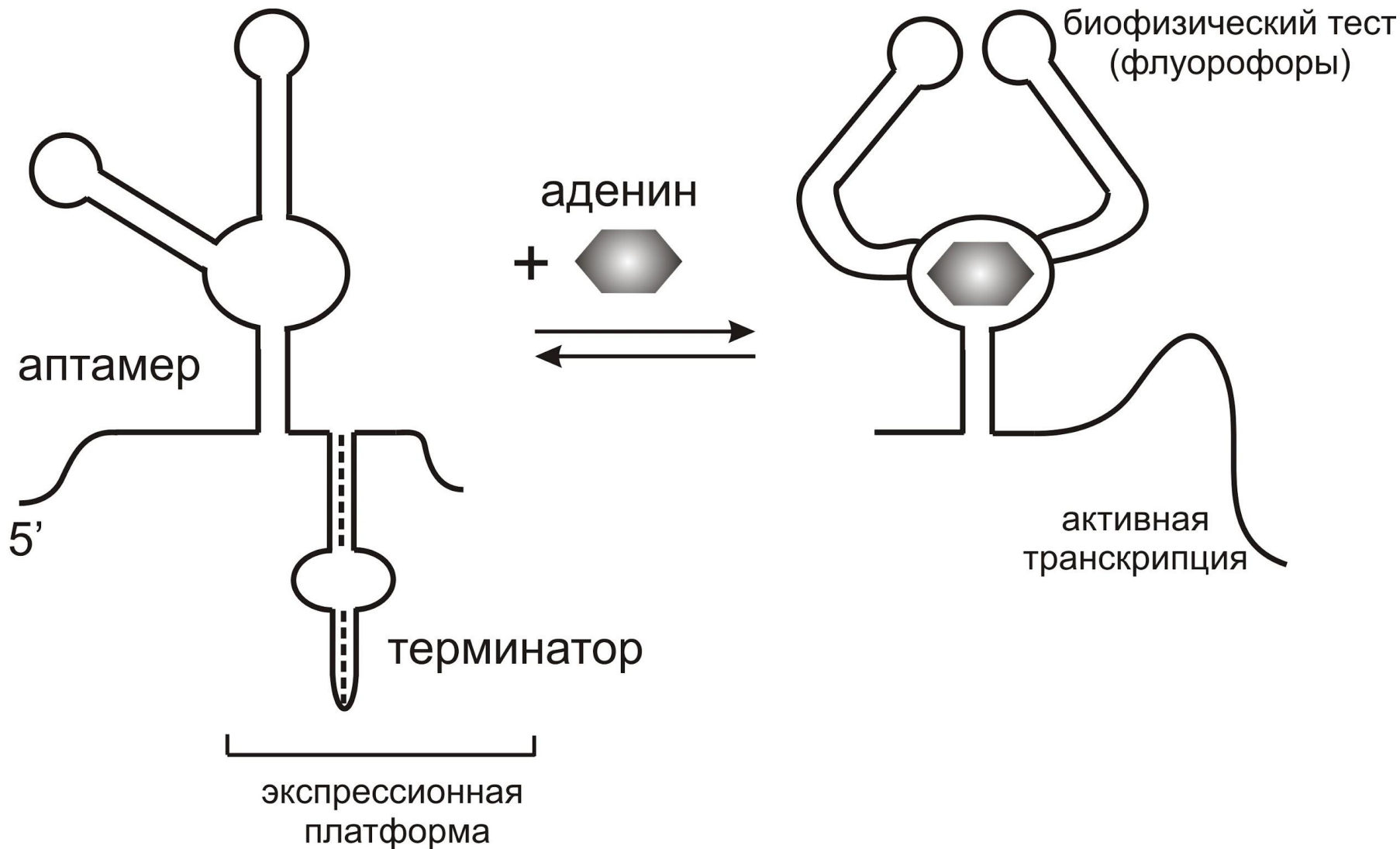
→ TGT GA xxx xxx TCACA
ACACT xxx xxx AGTGT ←
10 нп



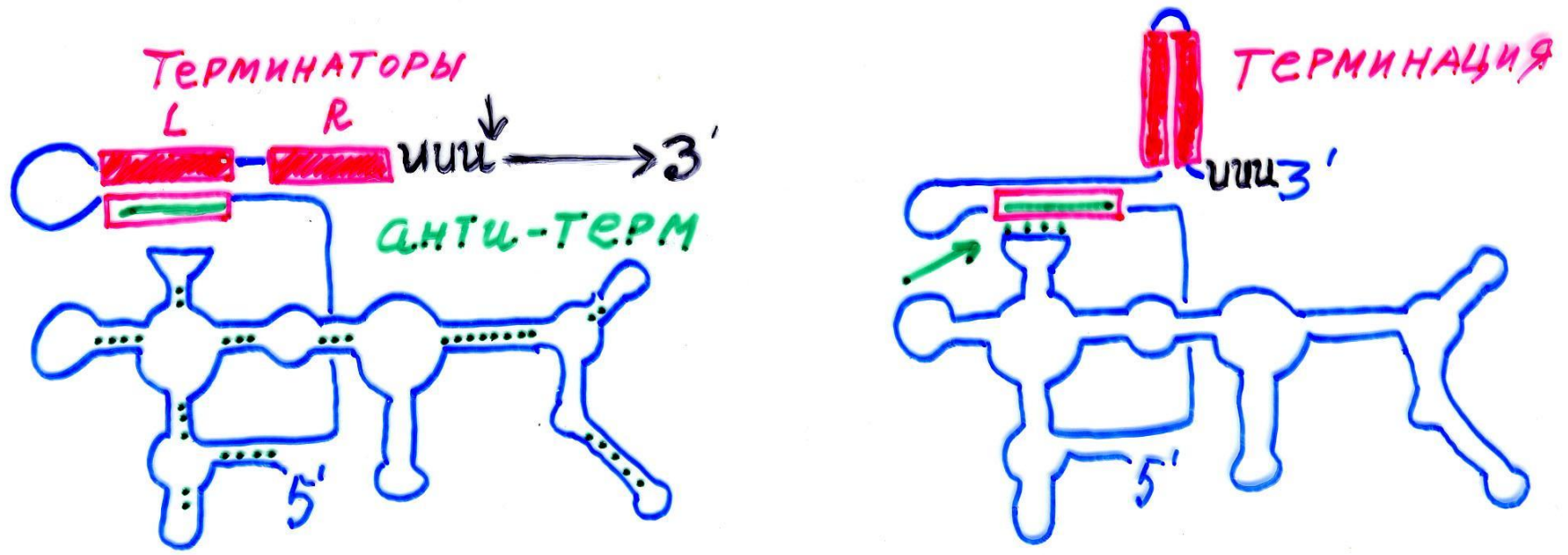


Vacillus subtilis

аденин активирует транскрипцию гена, кодирующего белок-насос,
откачивающий избыток аденина



Структура riboswitch (аптамер) сенсор коэнзима B₁₂, E.coli



мало B₁₂ 

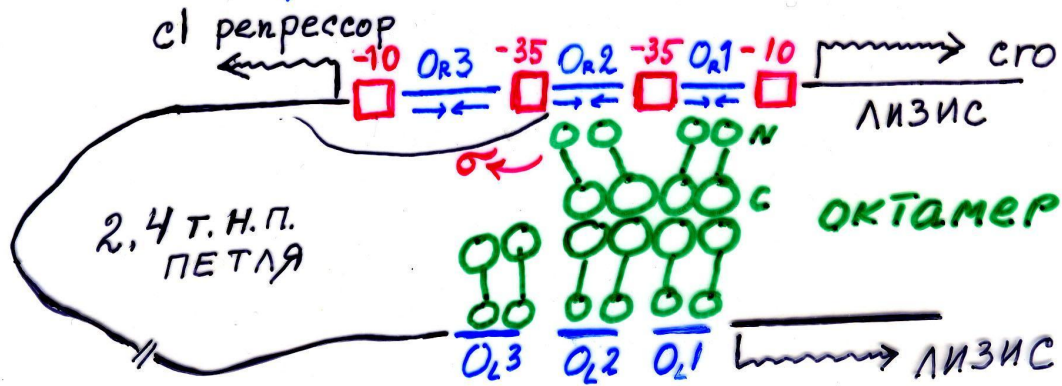
много B₁₂ 

аптамер-сенсор - 315 нуклеотидов

Регуляция ТРАНСКРИПЦИИ, фаз λ



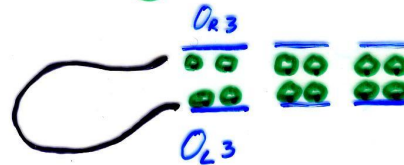
Оператор/ПРОМОТОР



Авторегуляция
позитивная



негативная



Кооперативность

димеризация

связывание с оператором
кооперация с РНК-полимеразой
дальнодействующие взаимодействия

