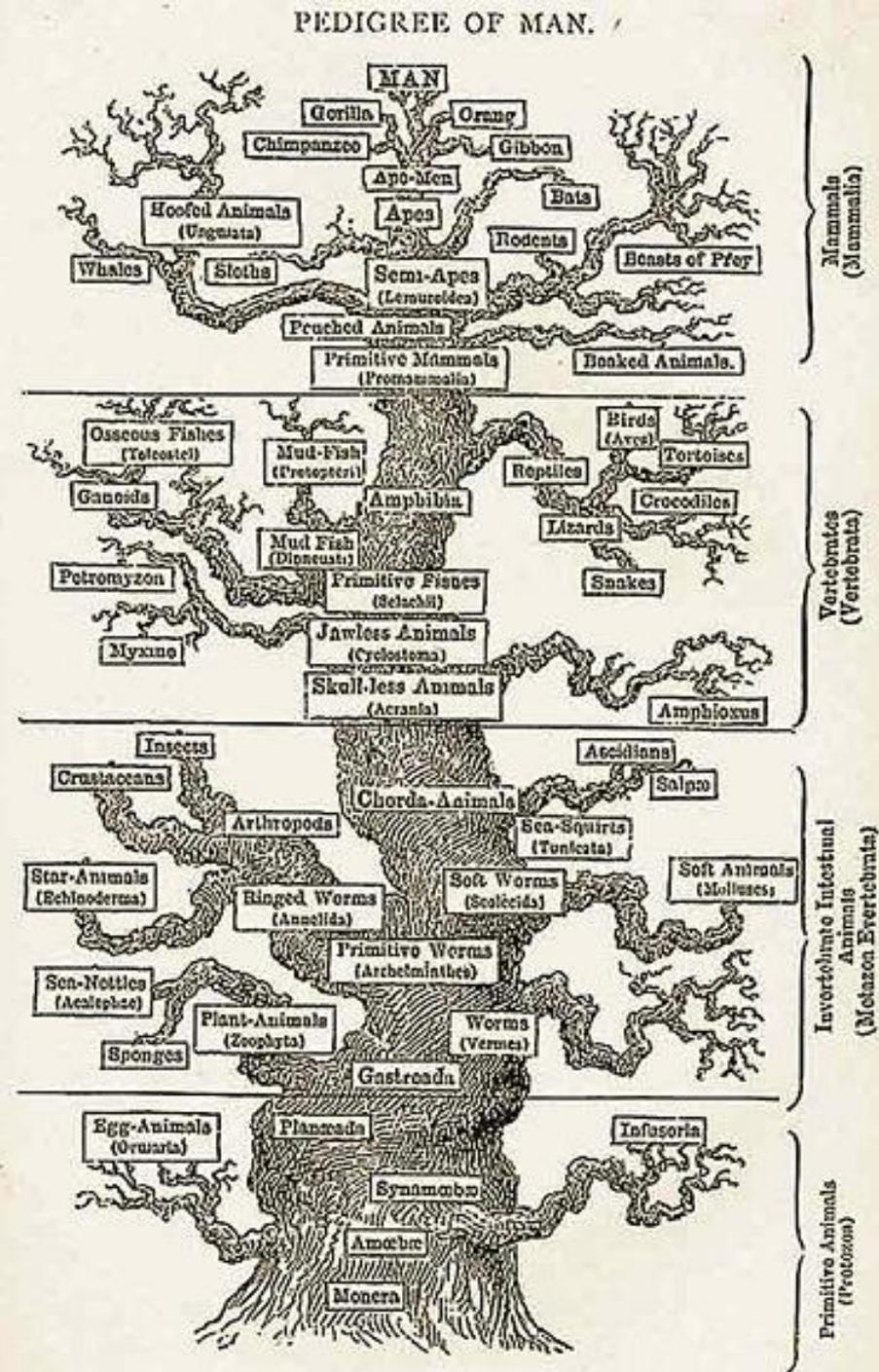


Филогенетические деревья

«...великое Дерево
Жизни заполняет
земную кору своими
мертвыми и
сломанными ветвями и
покрывает поверхность
вечно ветвящимися и
прекрасными
побегами»

Ч. Дарвин

ФББ, IV семестр, весна
2012



The time will come, I believe, though I shall not live to see it, when we shall have fairly true genealogical trees of each great kingdom of Nature.

Charles Darwin

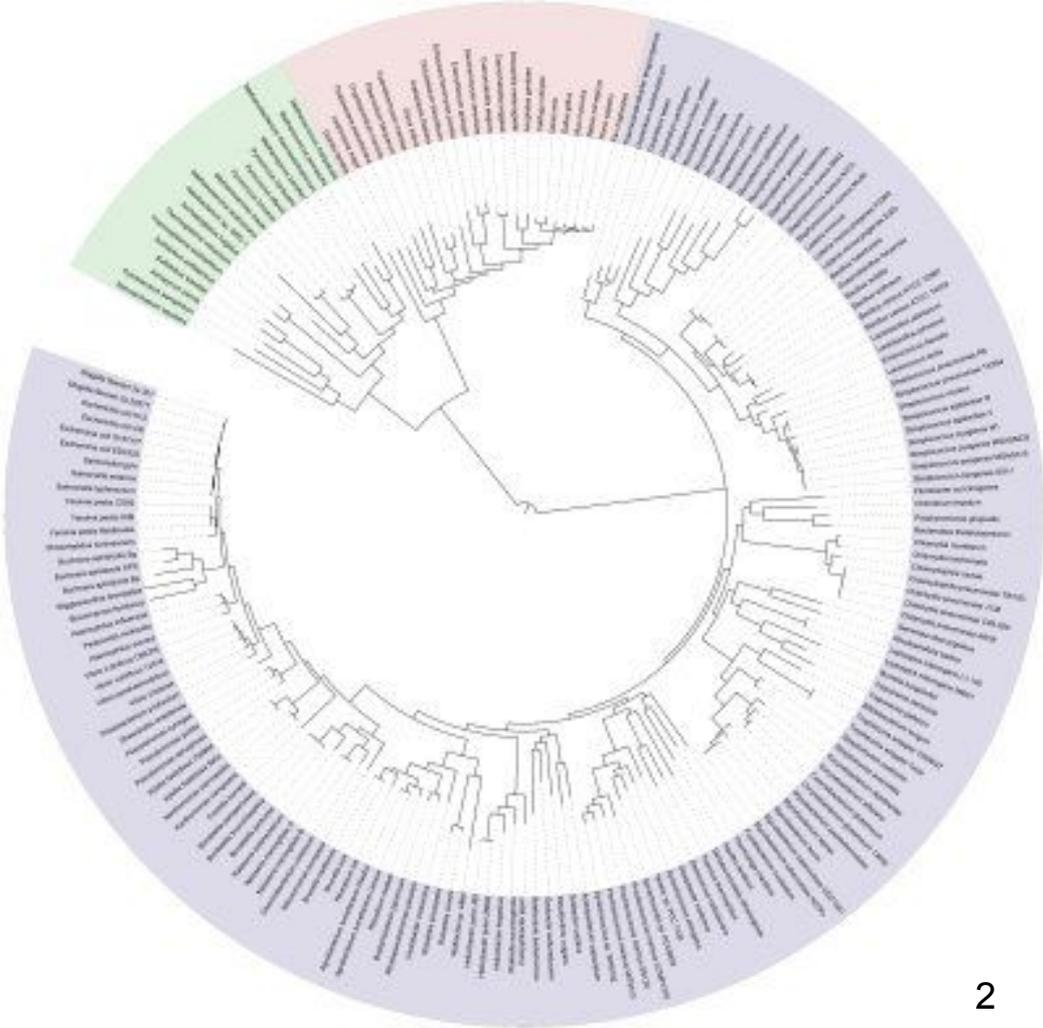
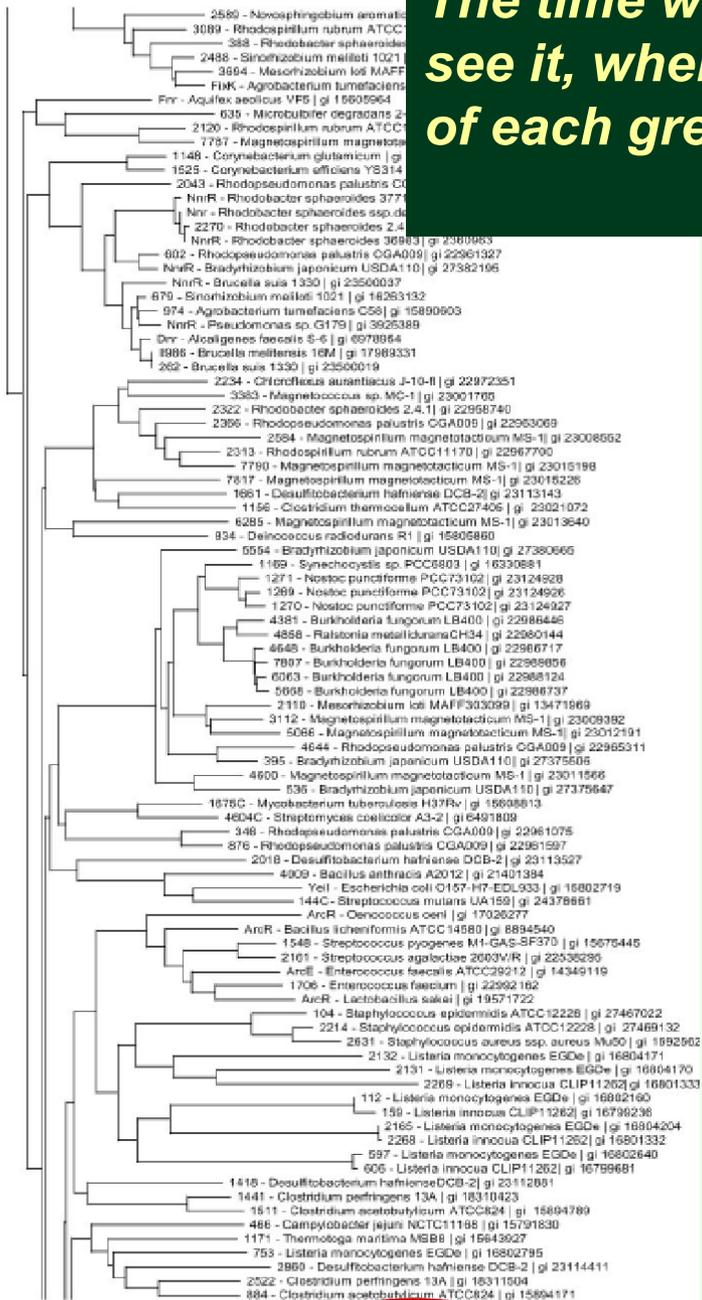


Fig. 1 (Continued)

<http://itol.embl.de/>

Точечные замены в гене

... ААТССГТСААГТСТА...
... Asn Pro Ser Ser Leu ...

1) “молчащая”(синонимическая)мутация

... ААТССГТС**G**АГТСТА...
... Asn Pro Ser Ser Leu ...

2) замена остатка на близкий по свойствам

... ААТССГ**A**СААГТСТА...
... Asn Pro **Thr** Ser Leu ...

3) замена остатка на остаток с иными свойствами

... ААТССГТСААГ**A**СТА...
... Asn Pro Ser **Arg** Leu ...

Мы видим лишь закрепившиеся мутации

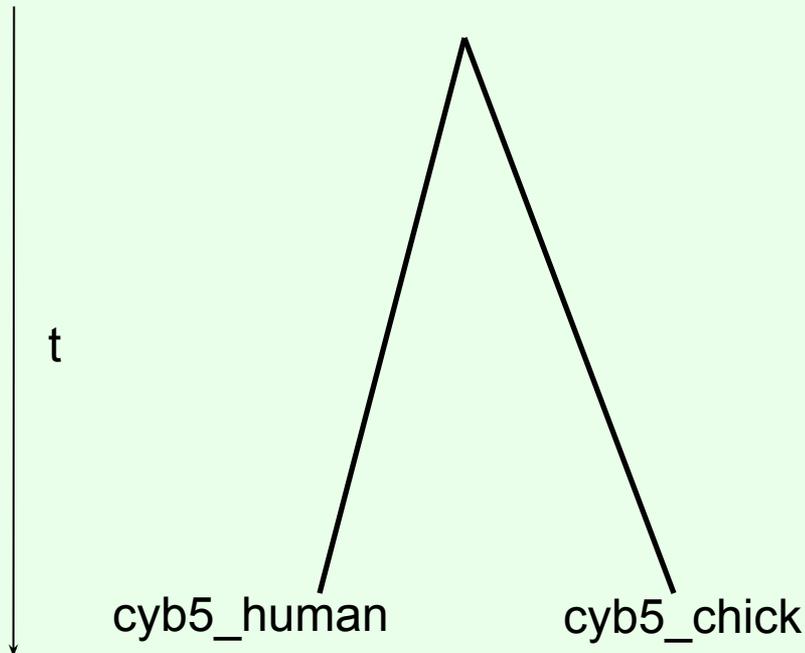
А шанс закрепиться есть лишь у безвредных мутаций...

CYB5_CHICK	1	MVGSSEAGGEAWRGRYYRLEEVQKHNNSQSTWIIVHHRIYDITKFLDEHP	50
		.:: . : : : : : : : :	
CYB5_HUMAN	1	---MAEQSDEA--VKYYTLEEIQKHNHNSKSTWLILHHKVYDLTKFLEEHP	45
CYB5_CHICK	51	GGEEVLREQAGGDATENFEDVGHSTDARALSETFIIGELHPDDRPKLQKP	100
		: : : : : : : : : : :	
CYB5_HUMAN	46	GGEEVLREQAGGDATENFEDVGHSTDAREMSKTFIIGELHPDDRPKLNKP	95
CYB5_CHICK	101	AETLITTVQSNSSSWSNWWIPAIAAIIIVALMYRSYMSE-	138
		. : . : : : : . . :	
CYB5_HUMAN	96	PETLITIDSSSSWWTNWWIPAISAVAVALMYRLYMAED	134

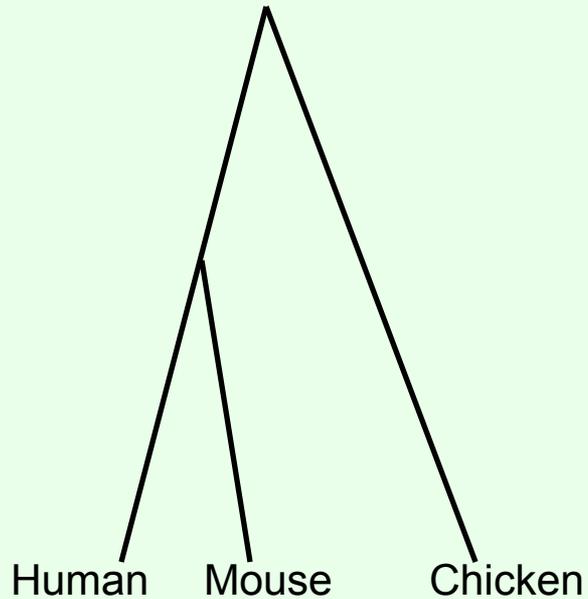
Путь эволюции

cyb5_human _____ cyb5_chick

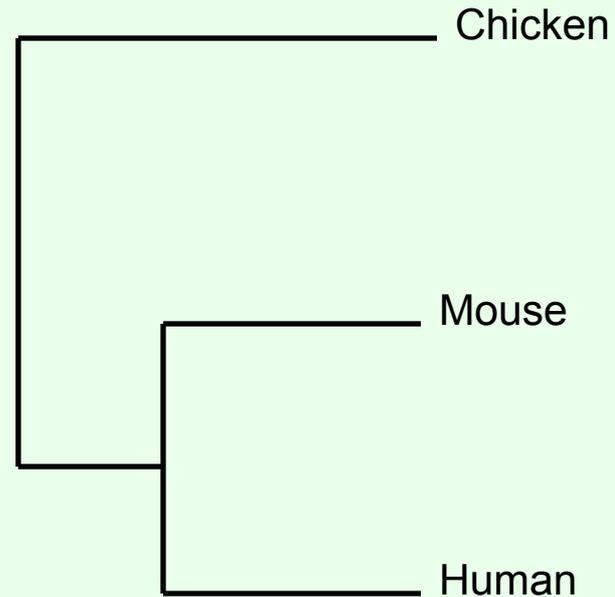
ИЛИ



Филогенетическое дерево



Угловая форма



Прямоугольная форма

Эволюция видов и эволюция белков

Когда виды разделяются, то разделяются пути эволюции всех их белков...

В результате большинству белков одного вида соответствует **ортолог** в другом виде.

Но:

1) Бывают дубликации белков без разделения видов: два родственных белка существуют в одном геноме и эволюционируют (почти) независимо – такие белки называются **паралогами**.

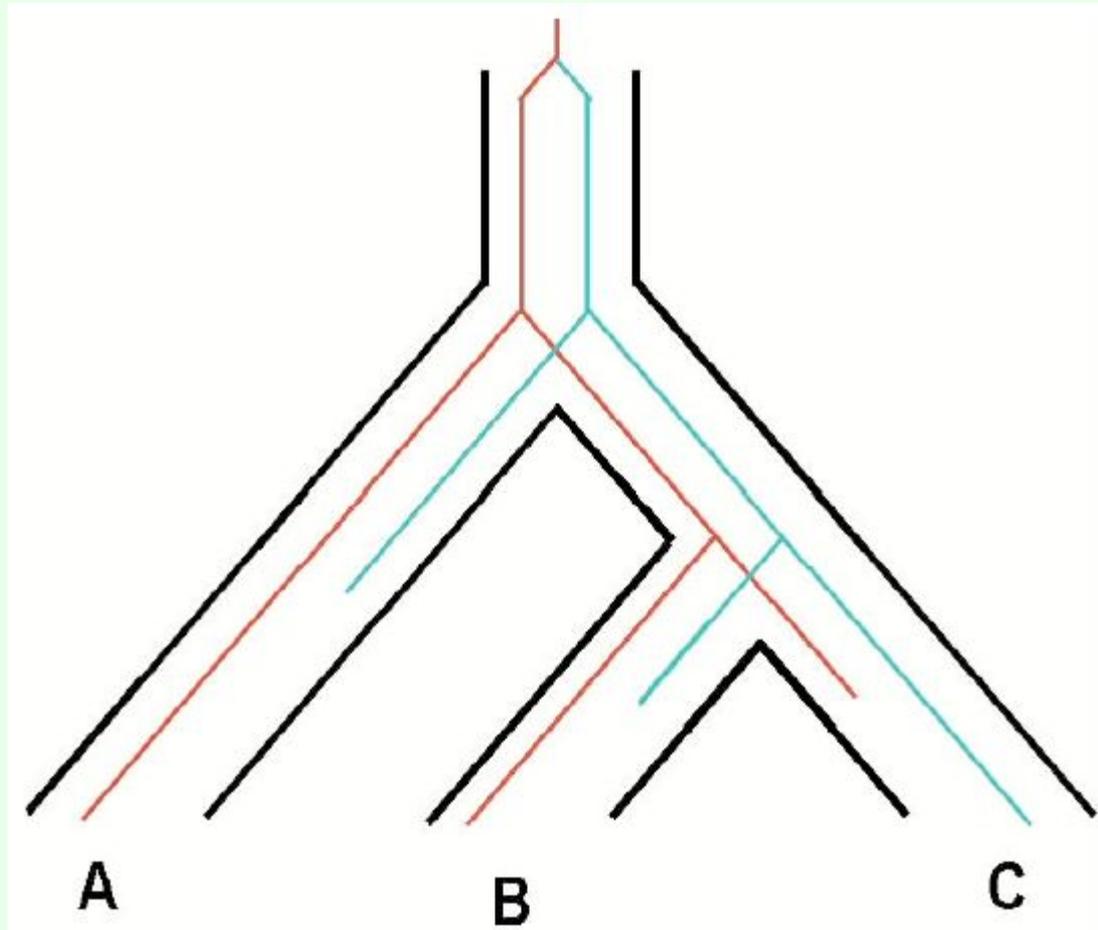
2) Бывают потери генов.

Если в двух видах потерялись по одному белку из пары паралогов, то получается, что общий предок белков, которые выглядят как ортологи, «жил» существенно раньше, чем общий предок видов.

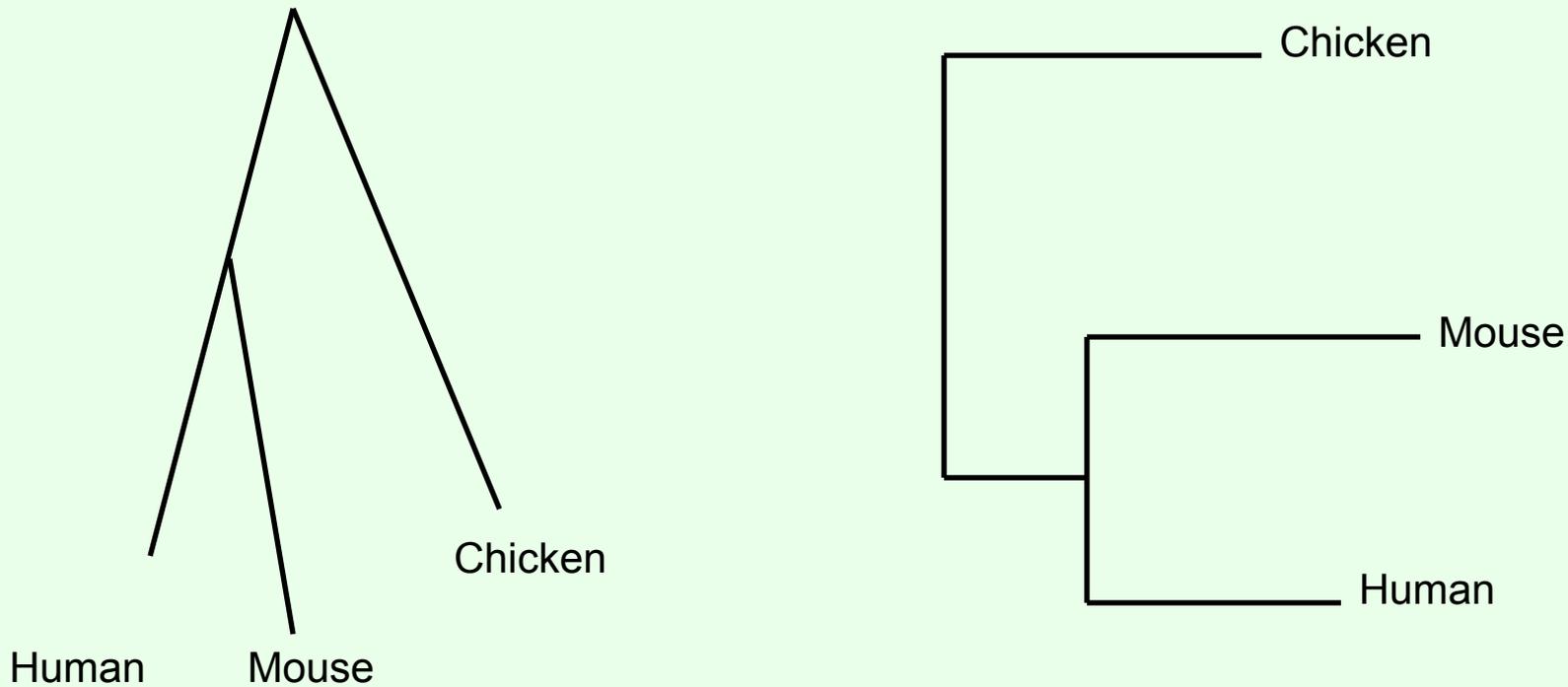
3) Бывает, что два белка объединяются в один многодоменный, и наоборот.

Поэтому правильнее говорить об эволюции белковых доменов.

Дерево видов и дерево белков



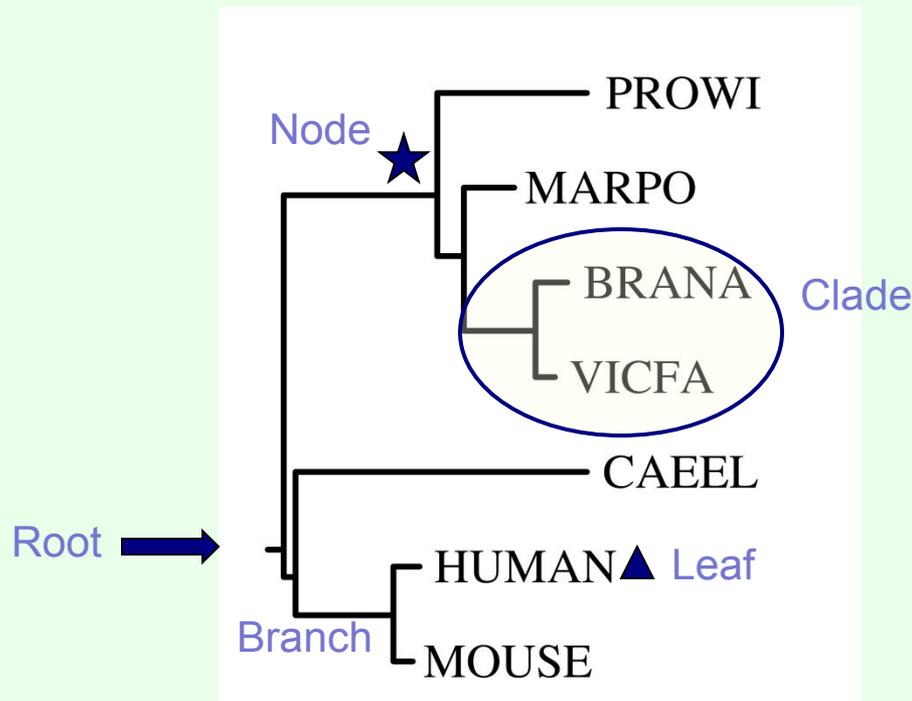
«Молекулярные часы»: всегда идут, но иногда неточно



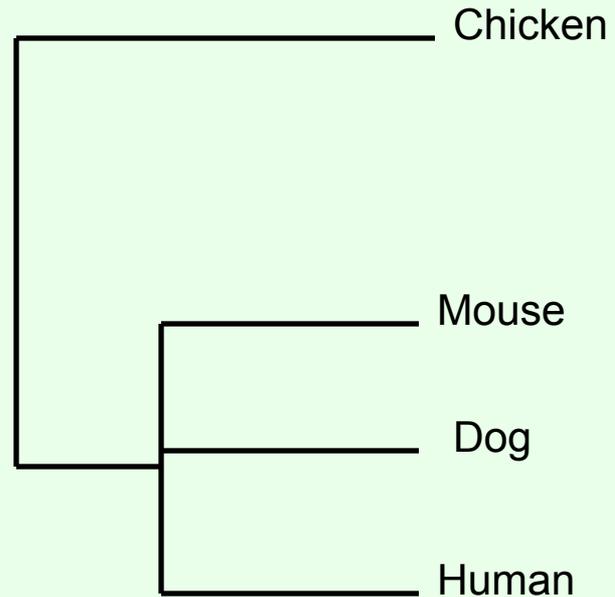
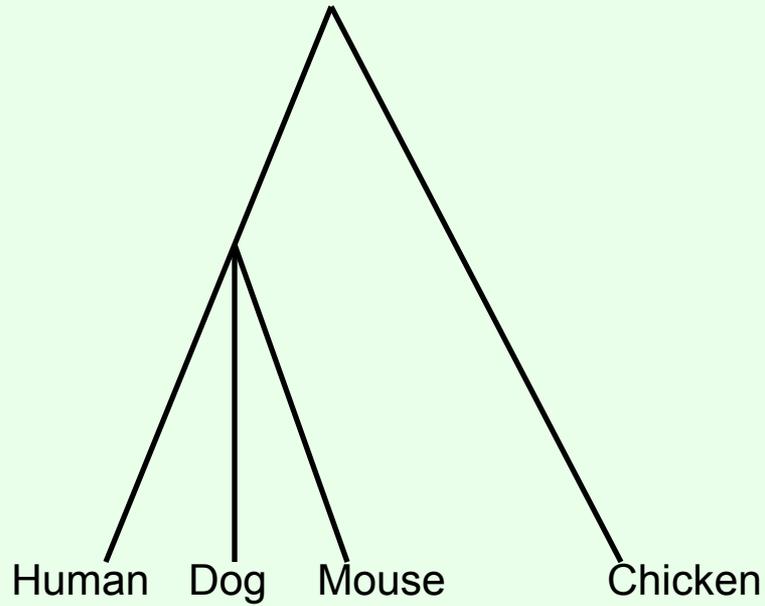
Когда хотят отразить разное число мутаций, произошедших на пути от общего предка, получается что-то вроде такого.

Описание структуры дерева (терминология)

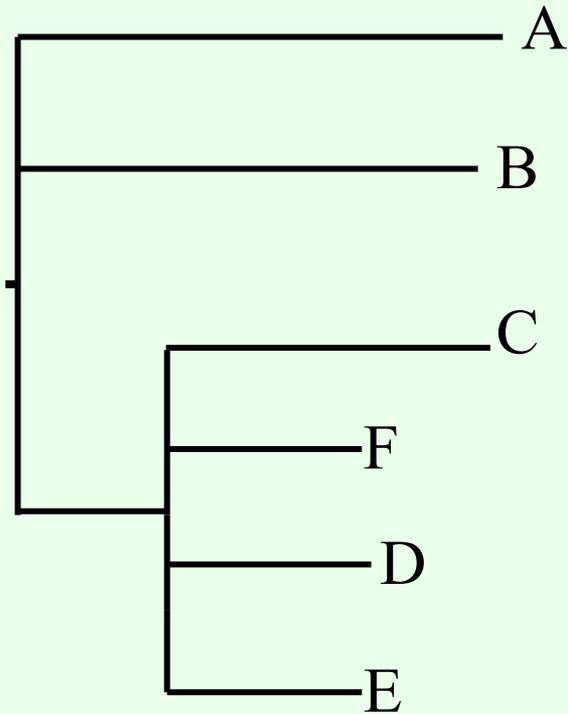
- **Узел (node)** — точка разделения предковой последовательности (вида, популяции) на две независимо эволюционирующие. Соответствует внутренней вершине графа, изображающего эволюцию.
- **Лист (leaf)** — реальный (современный) объект; внешняя вершина графа.
- **Ветвь (branch)** — связь между узлами или между узлом и листом; ребро графа.
- **Корень (root)** — гипотетический общий предок.
- **Клада (clade)** — группа организмов, представляющая собой всех потомков некоторого общего предка.



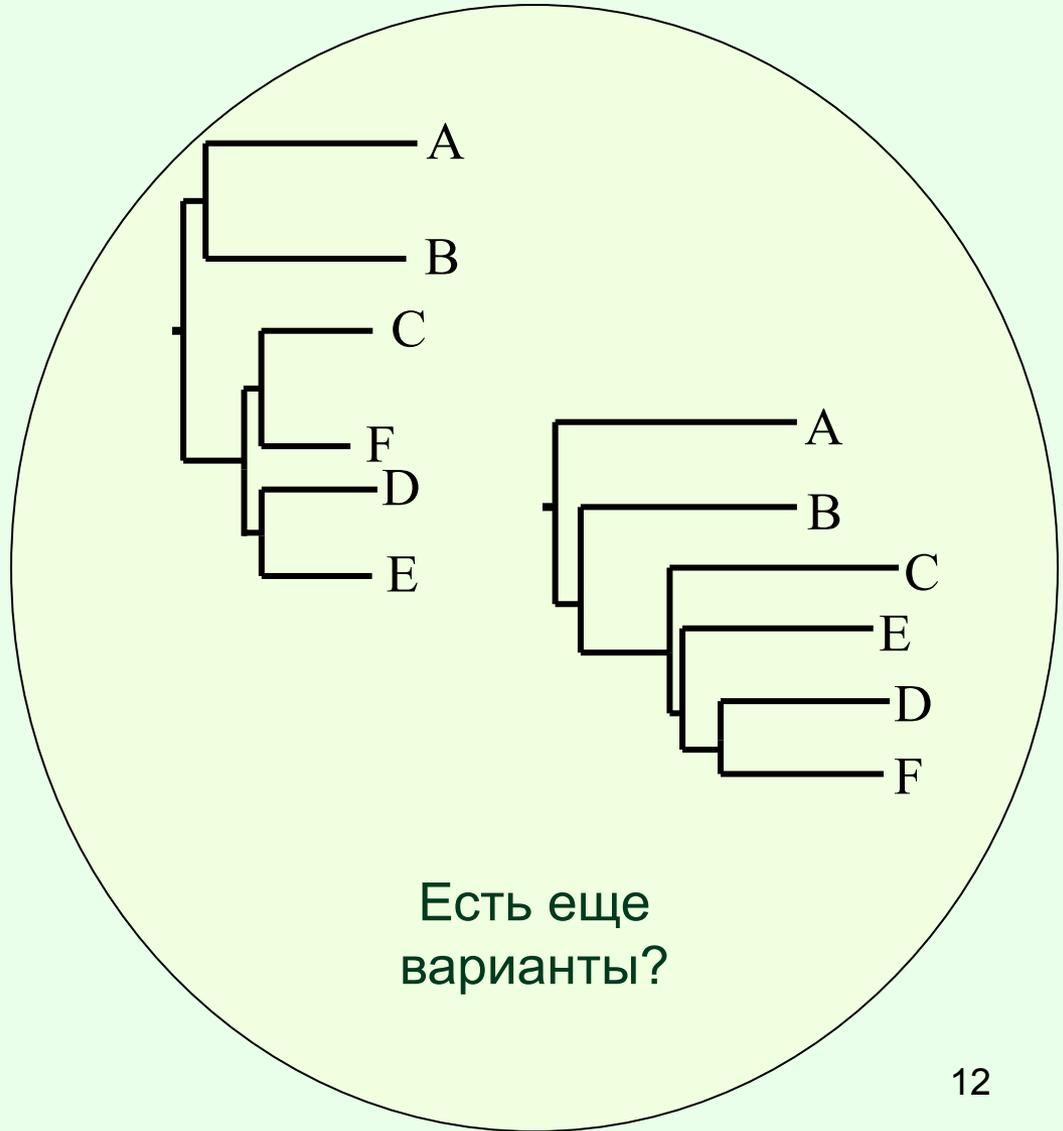
Небинарное дерево



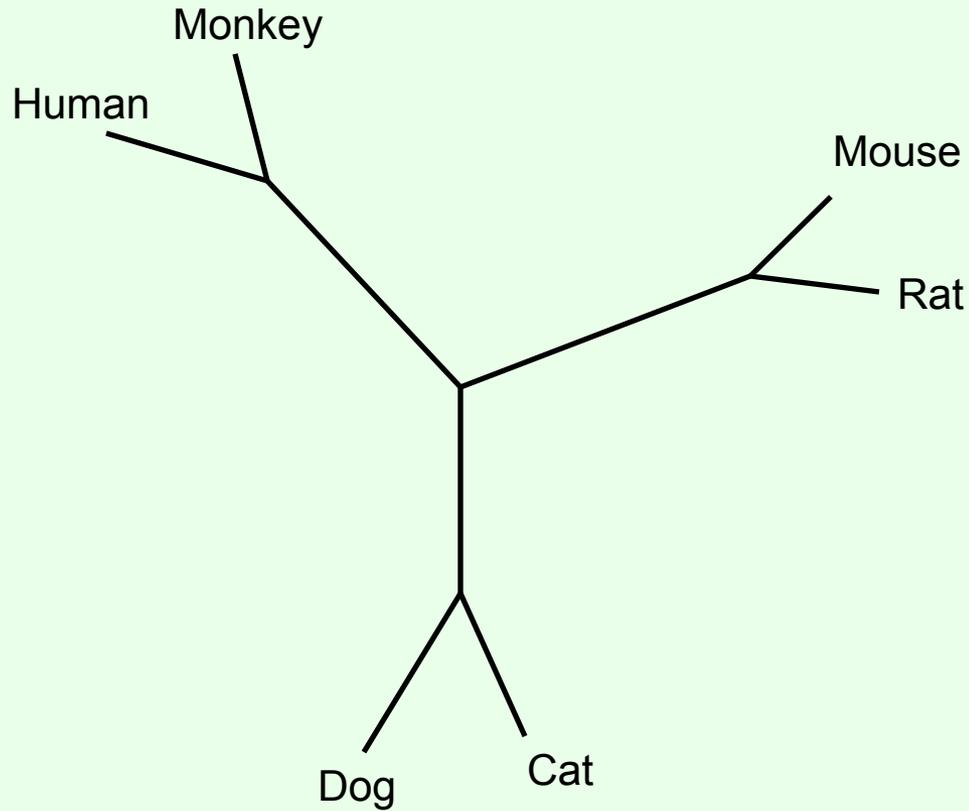
Небинарное дерево следует понимать как множество возможных «разрешений»



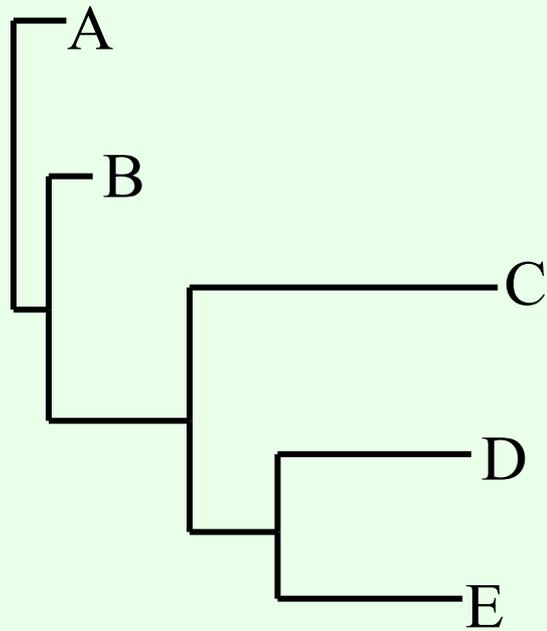
=



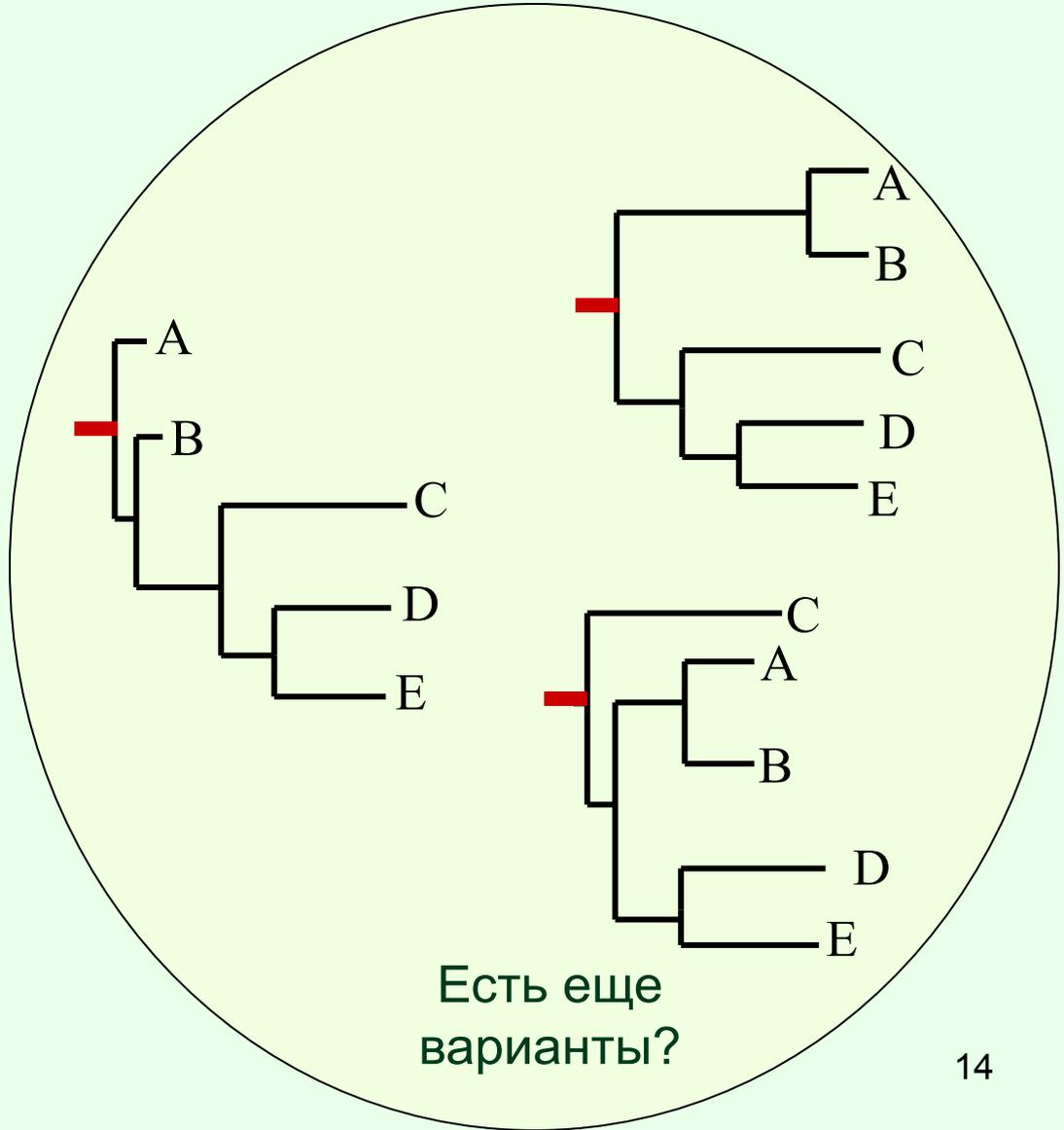
Неукоренённое дерево



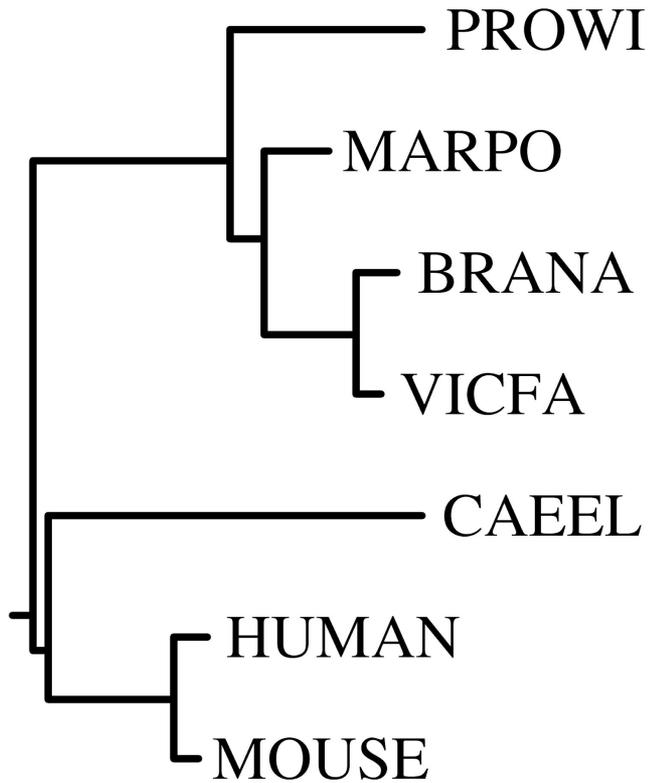
Неукоренённое дерево следует понимать как множество возможных укоренений



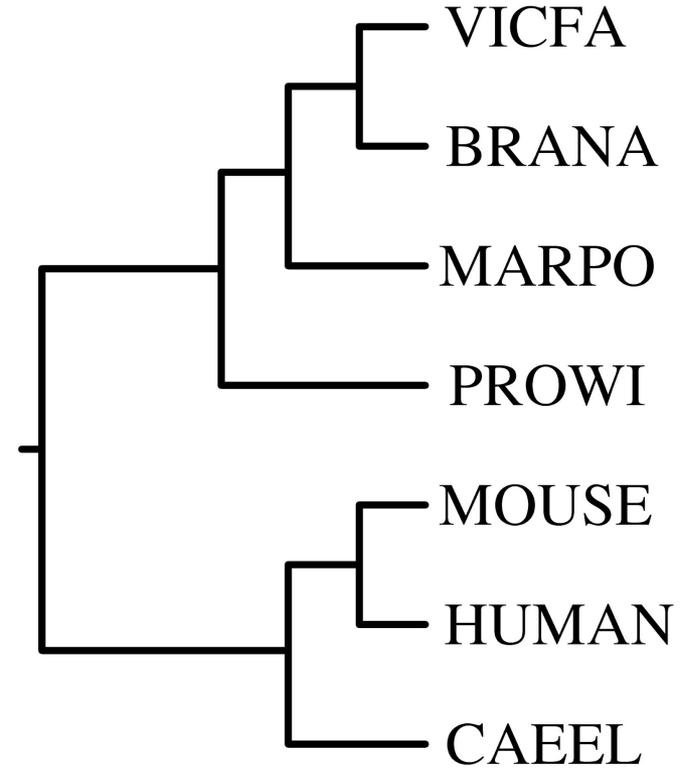
=



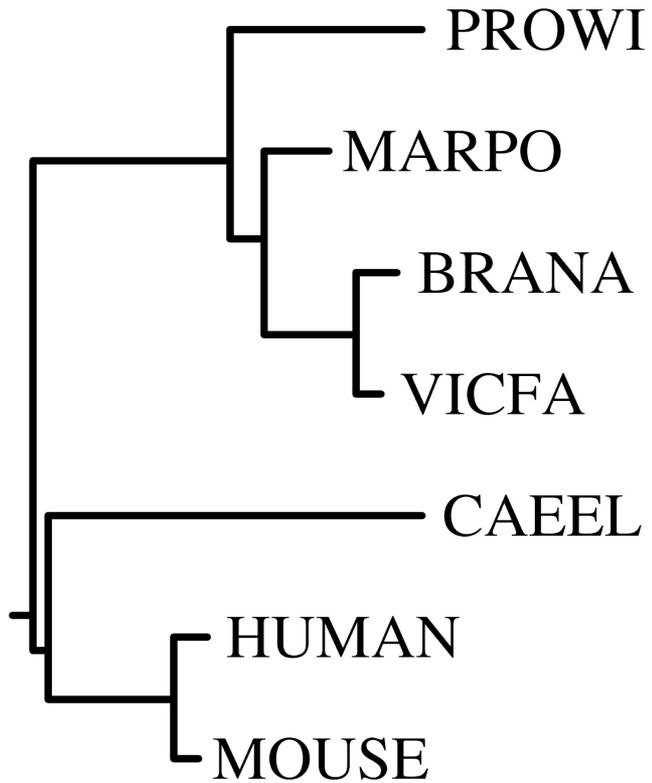
Топология дерева



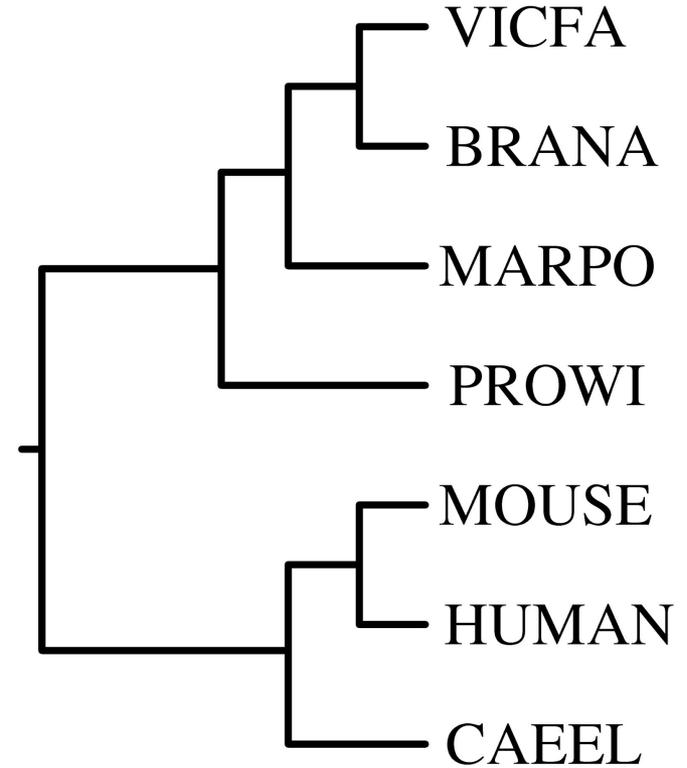
?



Топология дерева



=



Топология дерева

Каждая ветвь разбивает множество листьев на два.

В каждом дереве есть **тривиальные** ветви (отделяющие один лист от всех остальных), они не зависят от топологии.

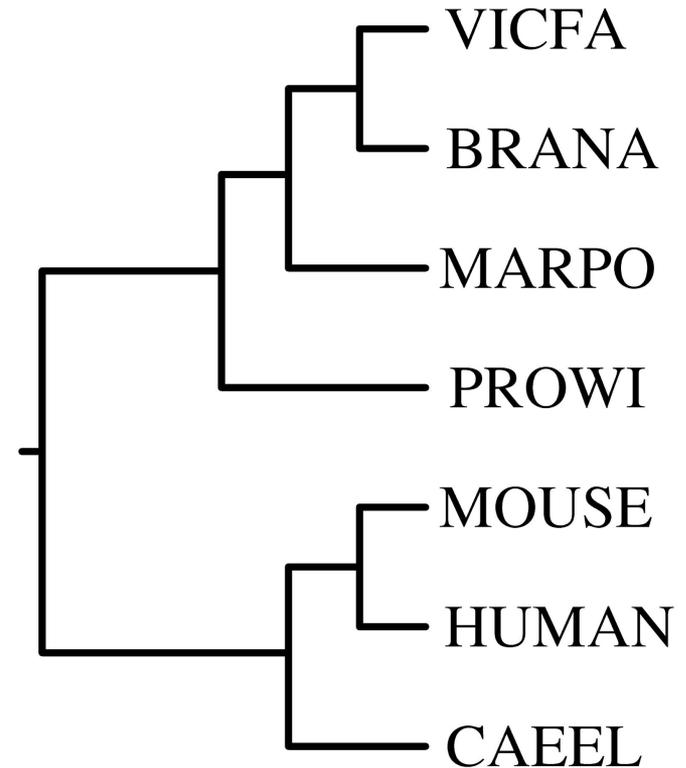
Топологию (неукоренённого) дерева можно однозначно записать набором нетривиальных разбиений. Например:

{HUMAN, MOUSE} vs {CAEEL, PROWI, MARPO, BRANA, VICFA}

{HUMAN, MOUSE, CAEEL} vs {PROWI, MARPO, BRANA, VICFA}

{HUMAN, MOUSE, CAEEL, PROWI} vs {MARPO, BRANA, VICFA}

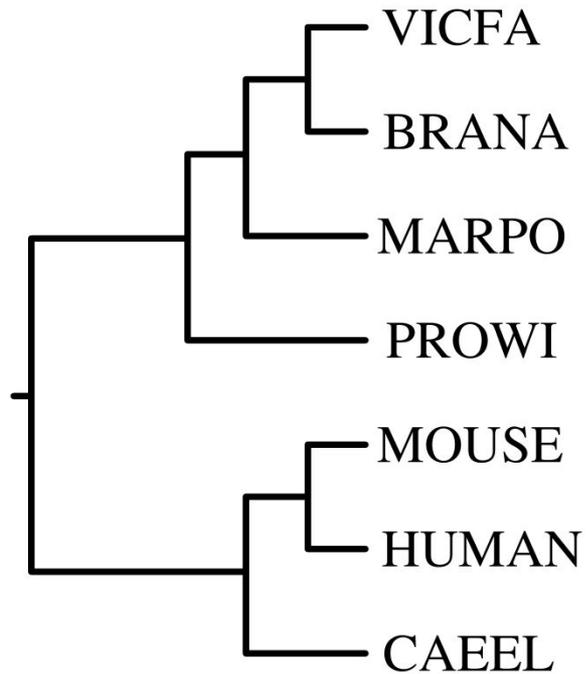
{HUMAN, MOUSE, CAEEL, PROWI, MARPO} vs {BRANA, VICFA}



HUMAN	MOUSE	CAEEL	VICFA	BRANA	MARPO	PROWI
-------	-------	-------	-------	-------	-------	-------

+	+	-	-	-	-	-
+	+	+	-	-	-	-
+	+	+	-	-	-	+
+	+	+	-	-	+	+

Скобочная формула



Newick Standard:

(((VICFA:3, BRANA:3):3, MARPO:6):2, PROWI:8):7, ((MOUSE:3, HUMAN:3):3, CAEEL:6):15);

«The reason for the name is that the second and final session of the committee met at Newick's restaurant in Dover, and we enjoyed the meal of lobsters.»

Joseph Felsenstein, <http://evolution.genetics.washington.edu/phylip/newicktree.html>

Программы визуализации деревьев

- TreeView

<http://taxonomy.zoology.gla.ac.uk/rod/treeview.html>

- TreeDyn

<http://www.treedyn.org/>

- MEGA

<http://www.megasoftware.net/>

- drawgram и drawtree из пакета PHYLIP

<http://mobyli.pasteur.fr/cgi-bin/portal.py#forms::drawgram>

<http://mobyli.pasteur.fr/cgi-bin/portal.py#forms::drawtree>

весь пакет можно скачать отсюда:

<http://evolution.genetics.washington.edu/phyliip.html>