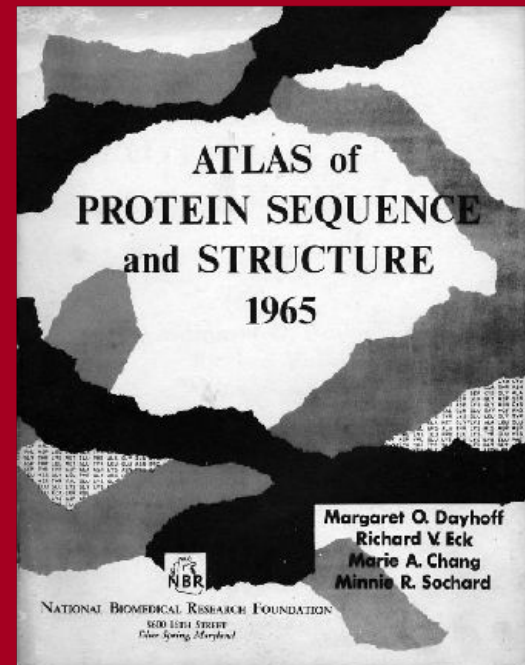


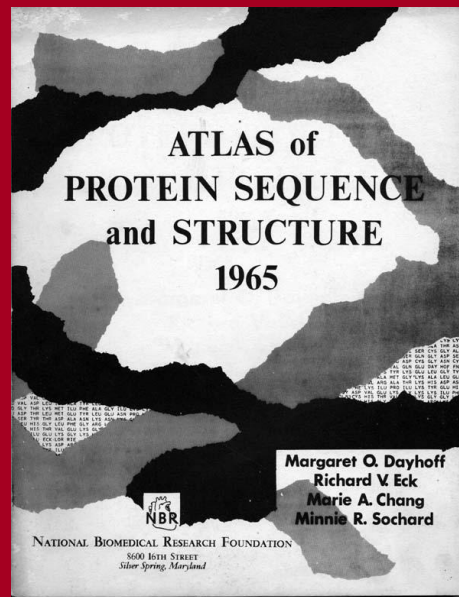
Маргарет Дейхофф (1925-1983) – первый биоинформатик

Специалист в области квантовой химии, масс-спектропии, термодинамики планетарных атмосфер, компьютерных вычислений с 1961г. исследует аминокислотные последовательности...

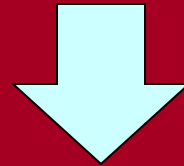


- A, C, D, E, F, G, H, I, K, N...
- Матрица а.к. замен
- Атлас последовательностей белков и их структур





65 proteins



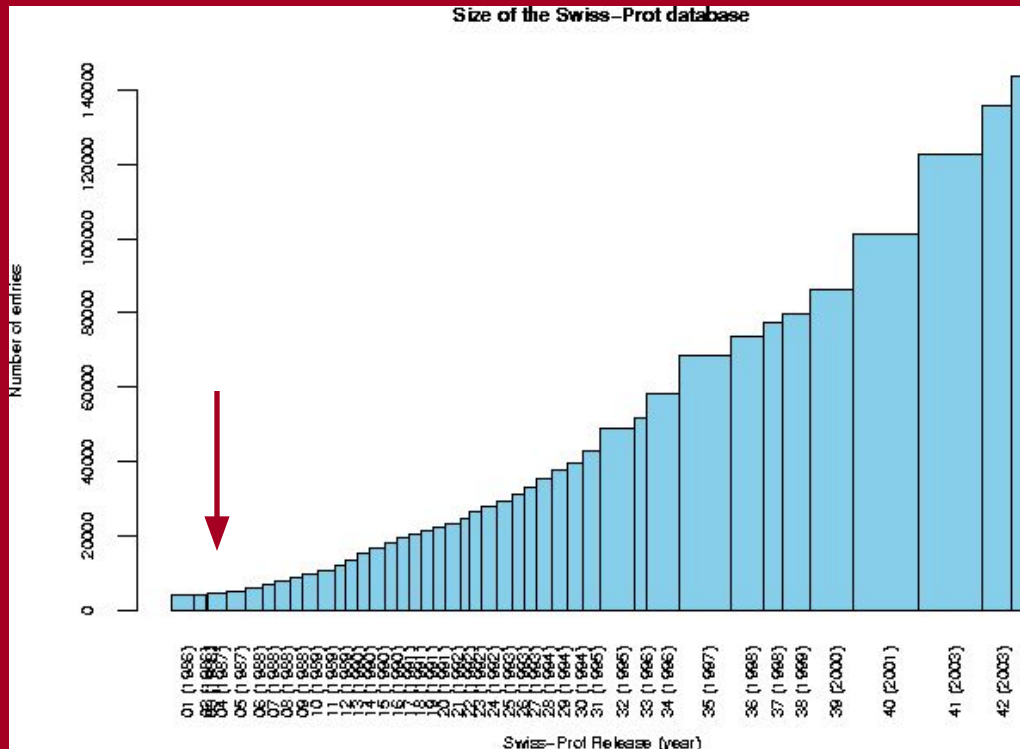
PIR Protein Information Resource

The PIR was established in 1984 by the National Biomedical Research Foundation (NBRF) as a resource to assist researchers in the identification and interpretation of protein sequence information.

The PIR-PSD current release 78.03, November 24, 2003, contains 283366 entries.



Swiss-Prot is a protein knowledgebase established in **1986** and maintained collaboratively, since 1987, by the Department of Medical Biochemistry of the University of Geneva (now the Swiss Institute of Bioinformatics) and the EMBL Data Library (now the EMBL Outstation - The European Bioinformatics Institute (EBI)). The Swiss-Prot protein knowledgebase consists of sequence entries.



Amos Bairoch

Swiss-Prot – «золотой стандарт» аннотации

Ttttaccttttttagtgatattgtg
tgcataatcaatacggcctttatgttc
attaacggttttctcgtgatataaac
ataatttfgaataacatacctgctg

>28 500 000 000 п.н.

в > 22 000 000 последовательностях

tagtggtgcccacaacactcacat
ittgtfacatcttgtgctggataaag
ctgggtaccagaaccatcaggc
ccacigggcugccucataauciccagta



GenBank



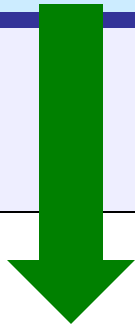
EMBL



DDBJ



компьютерный поиск гена, трансляция и компьютерная аннотация



TrEMBL
TRANSLATED
EMBL

>1 100 000
последовательностей

Базы данных научной литературы

Экспертиза



~140 000
последовательностей



UniPa
rc
(UniProt
Archive)

PIR-PSD

UniProt
the universal protein resource

UniRe
f
(UniProt
Non-redundant
Reference
databases)