

# Процессинг РНК

# Процессинг рРНК и тРНК в клетках бактерий

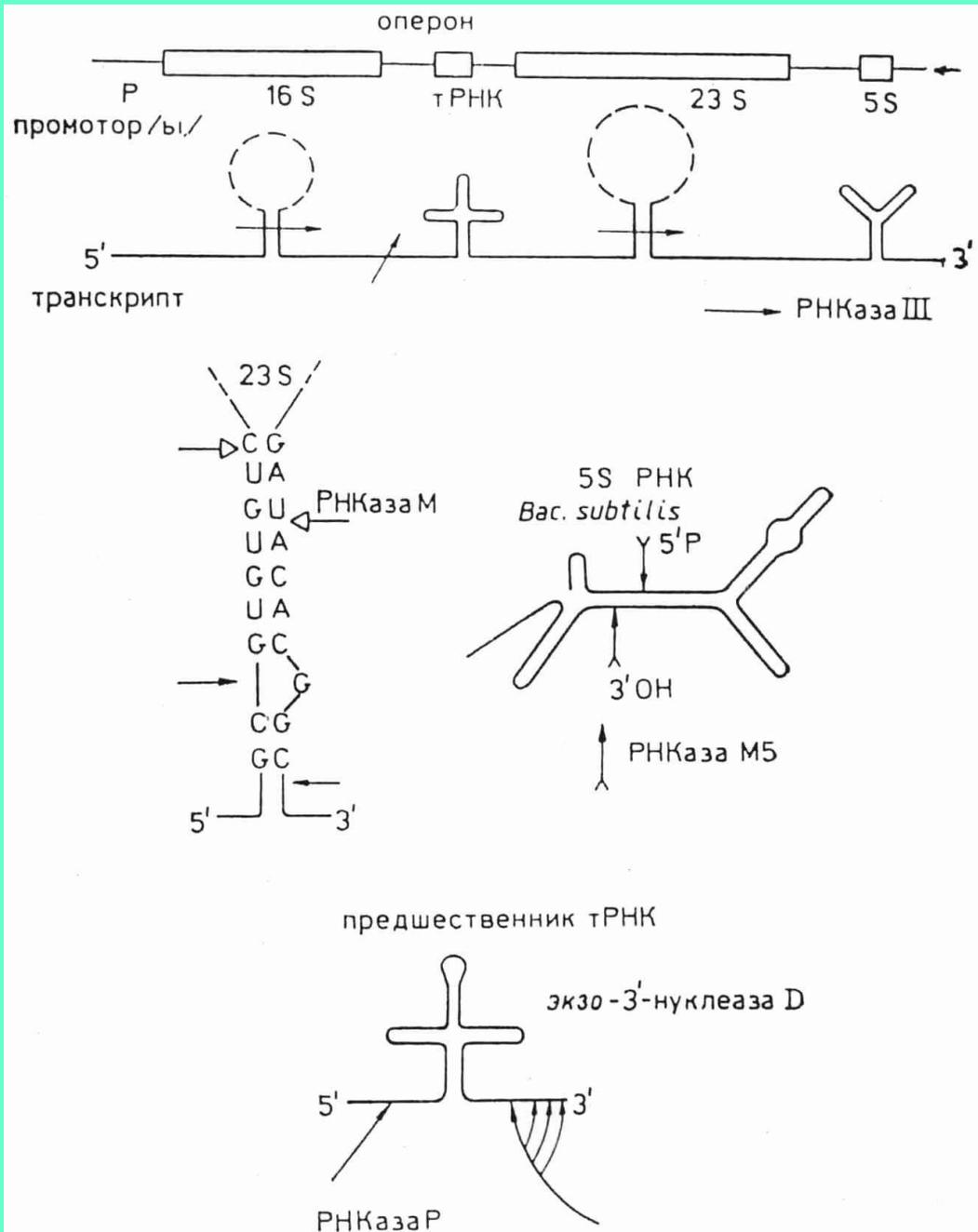
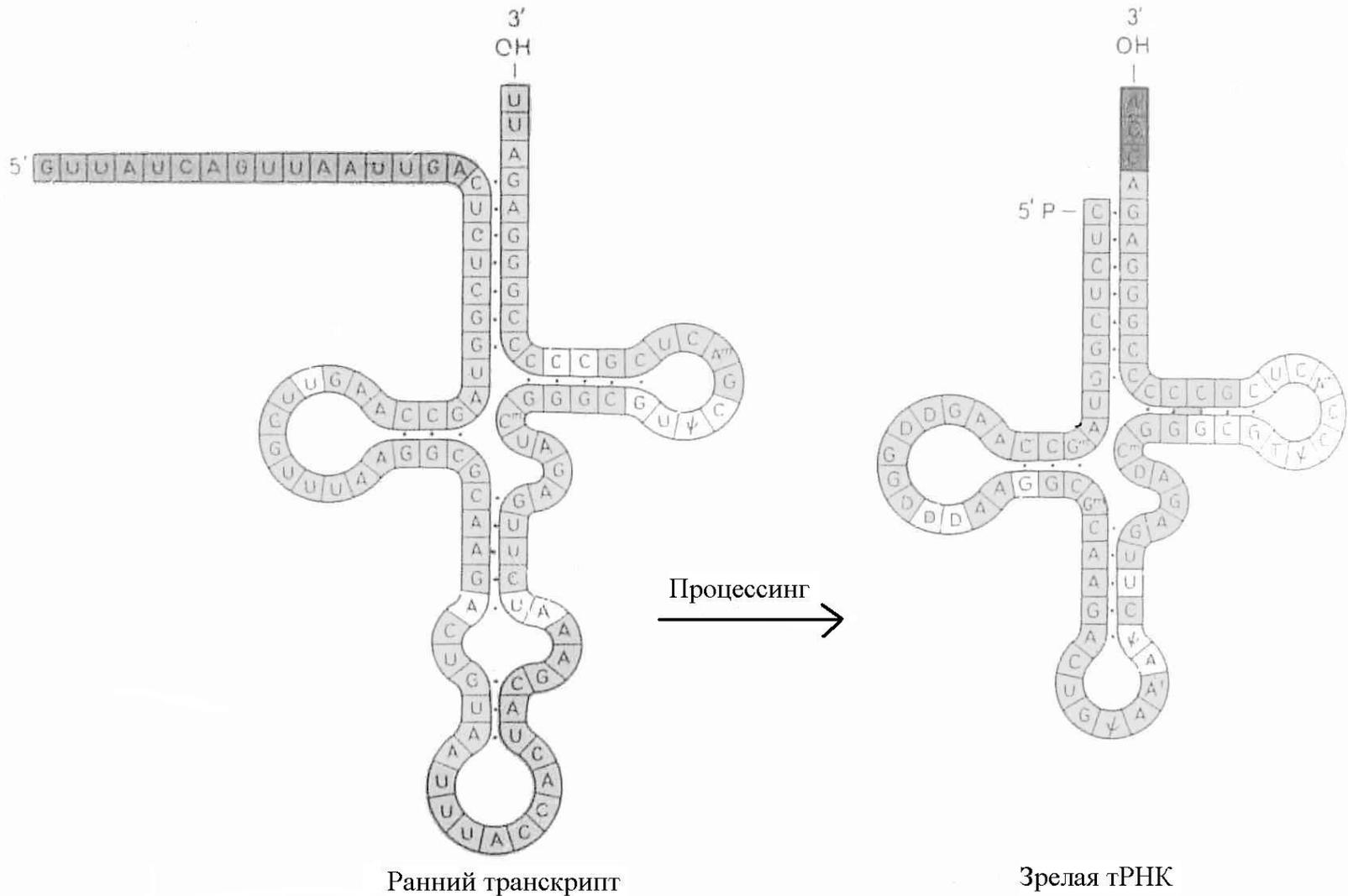
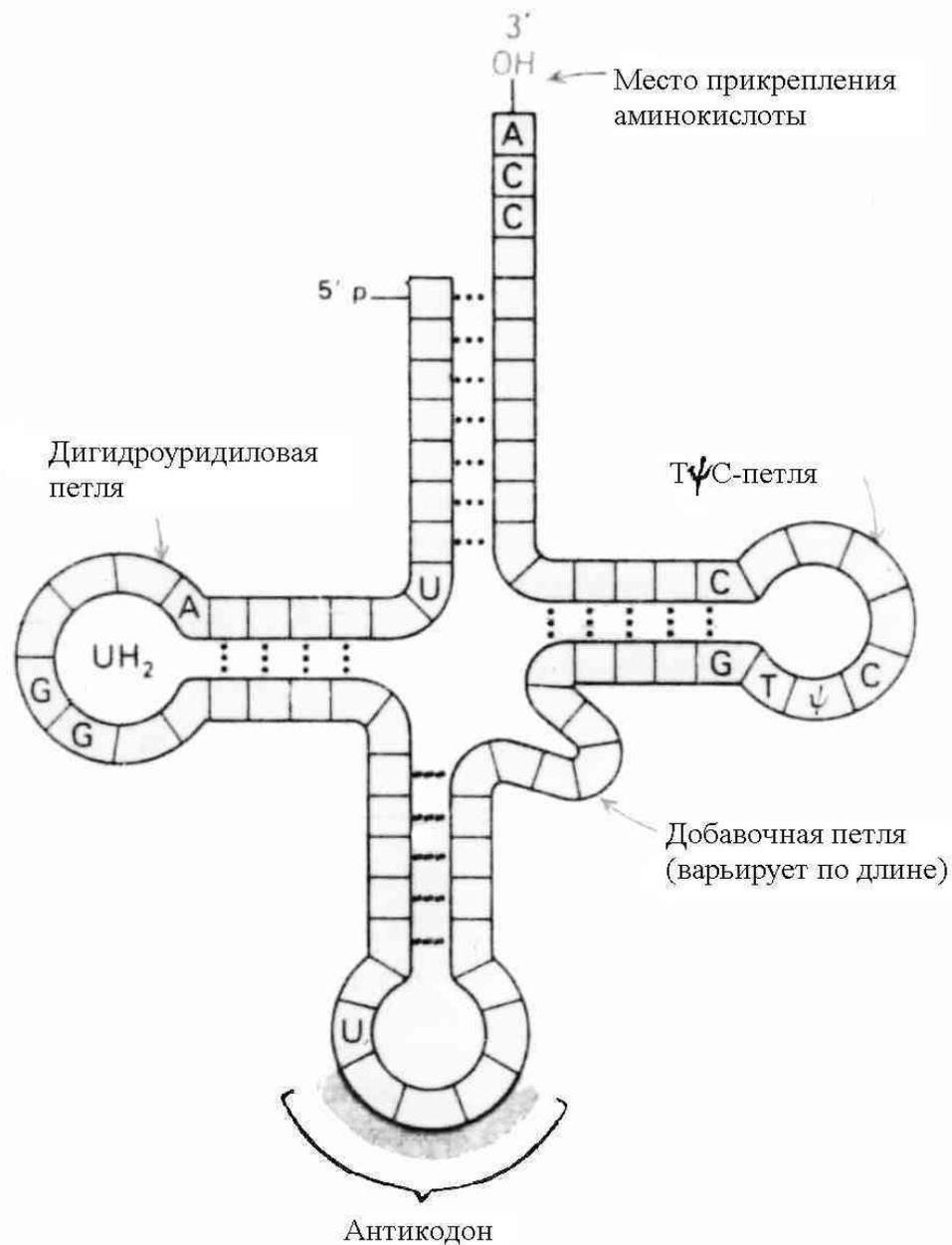


Рис. 97. Процессинг рРНК и тРНК в клетках бактерий

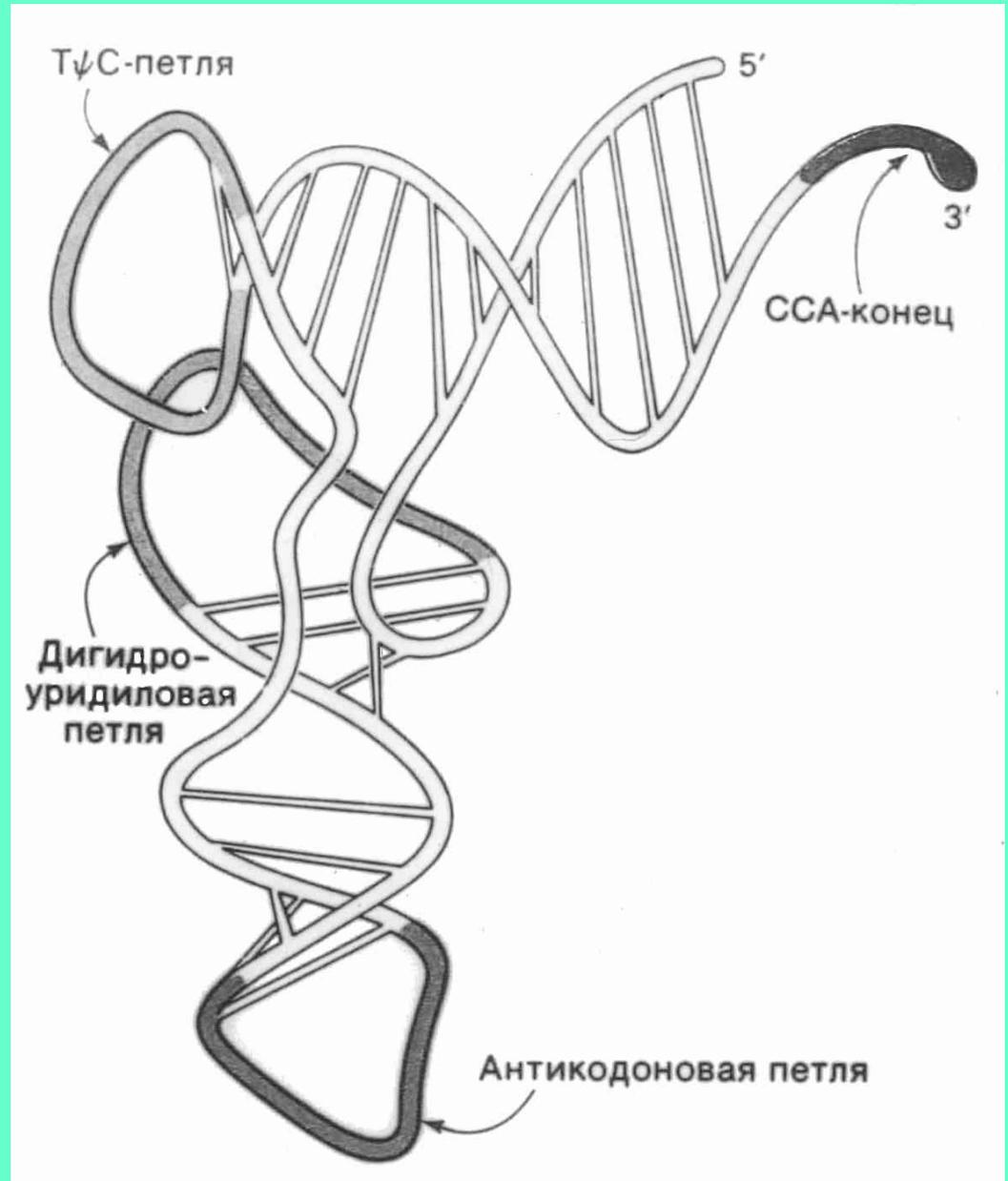
# Процессинг тРНК



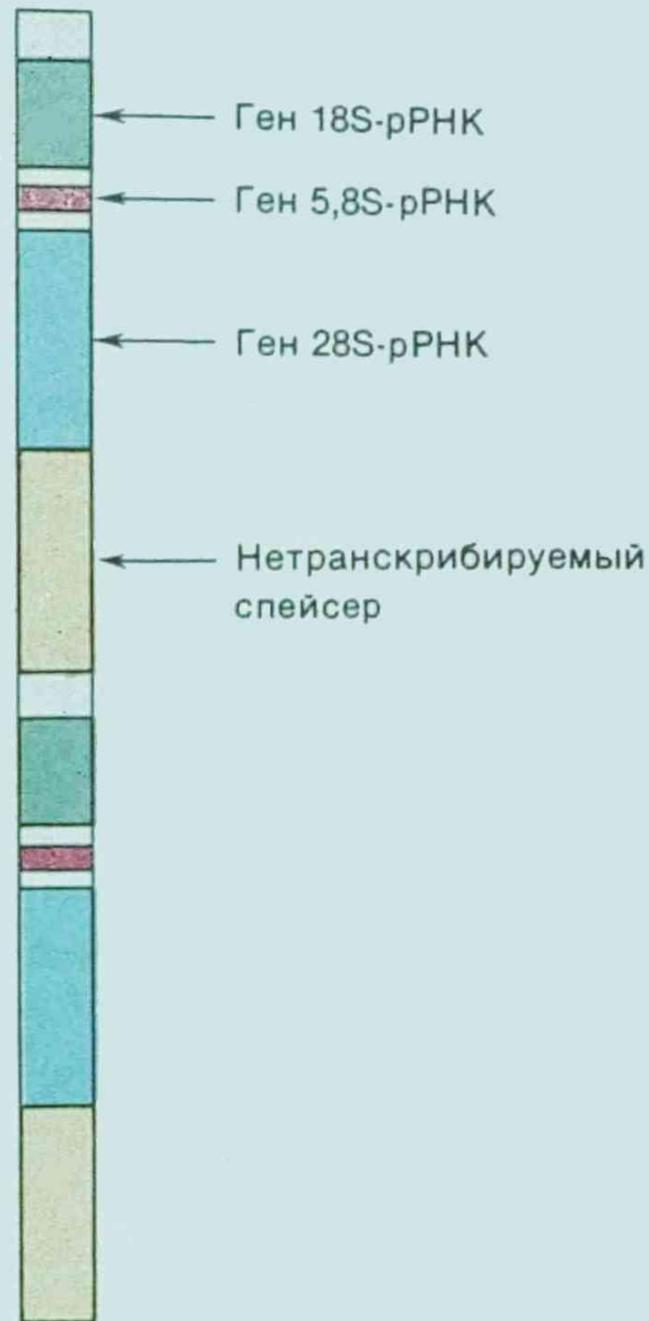
# Вторичная структура тРНК



# Пространственная структура тРНК



# Гены рРНК *Xenopus laevis*



# Структура интронов I-III групп

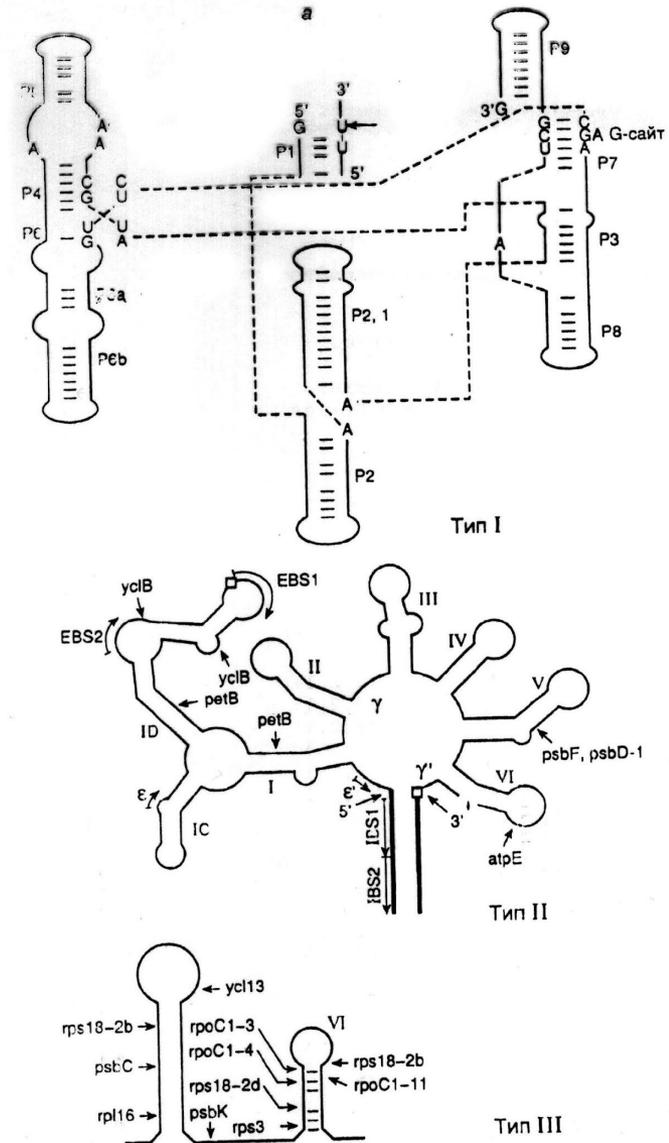


Рис. 1.15. Структура интронов I-III групп и механизм аутосплайсинга

*a* – вторичные структуры типичных интронов I (*Tetrahymena thermophila*), II и III (*Euglena gracilis*) типов. Стрелками обозначены 3'- и 5'-сайты сплайсинга, а также места интеграции твинтронов, пунктирными линиями – сайты интронов, сближенные в пространстве. EBS и IBS – соответственно сайты связывания экзонов и интронов; *b* – предполагаемая вторичная структура интрона группы II; *в* – двухэтапный механизм аутосплайсинга. Римскими цифрами обозначены предполагаемые двухцепочечные участки РНК. 1, 2 – экзоны

# Структура интронов в составе пре-рРНК инфузорий

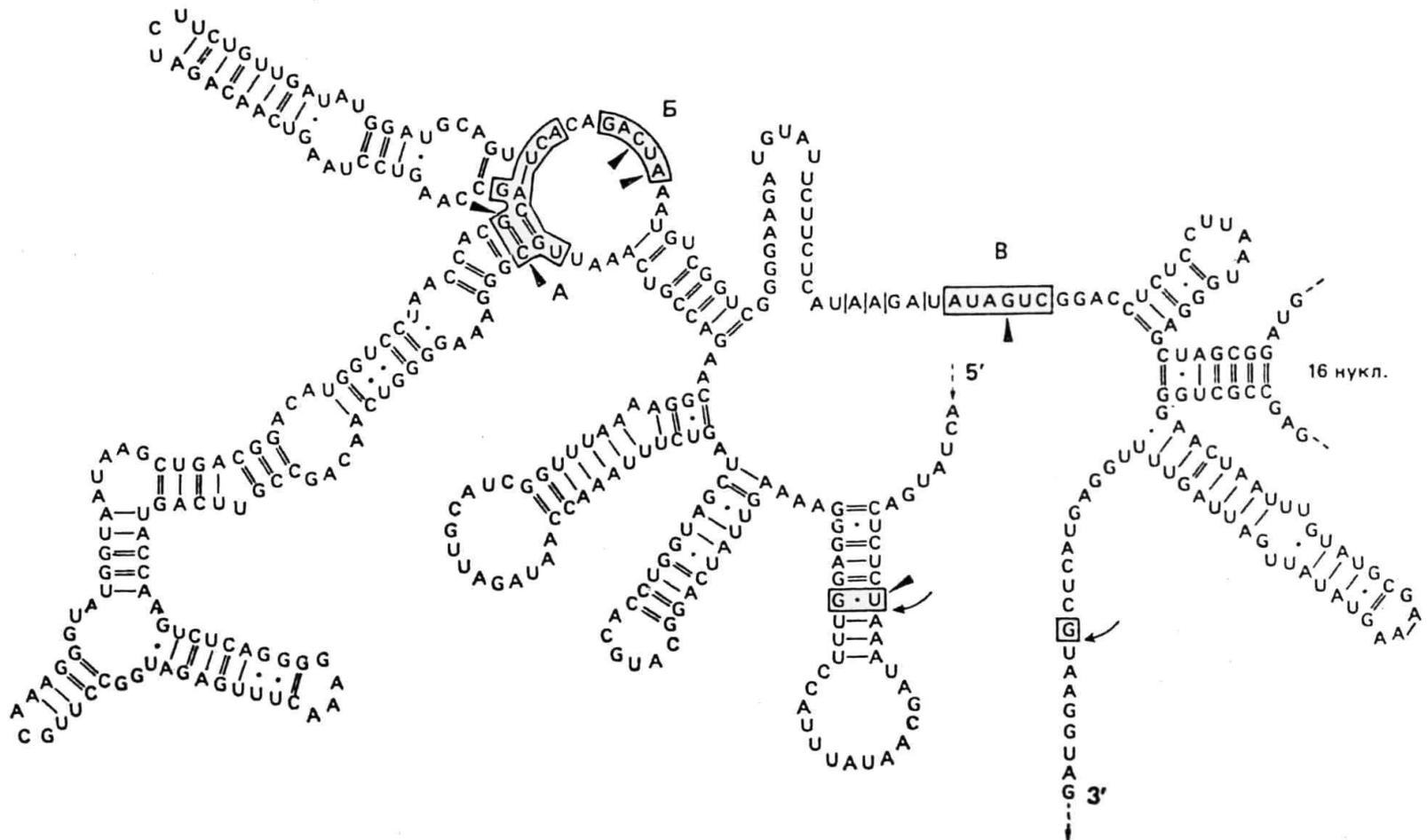


Рис. 99. Структура интрона в составе предшественника рРНК у инфузорий

# Гибридные структуры мРНК и фрагмента гена $\alpha 2$ -коллагена цыпленка

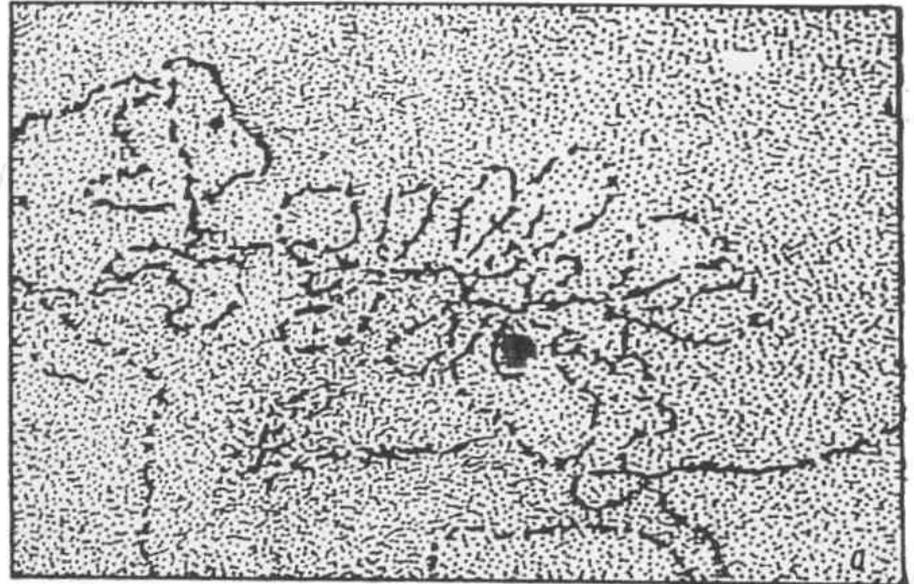
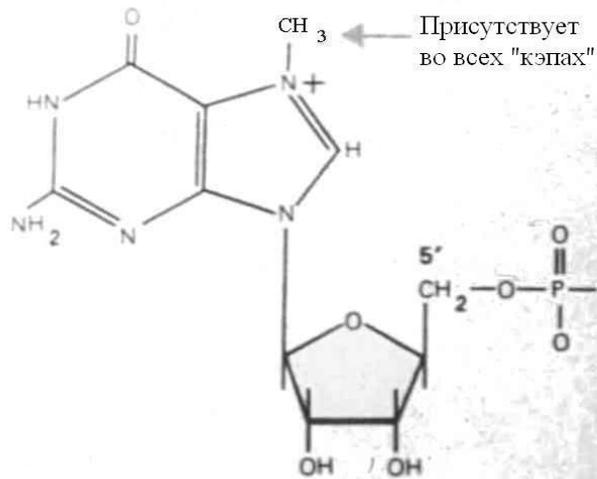


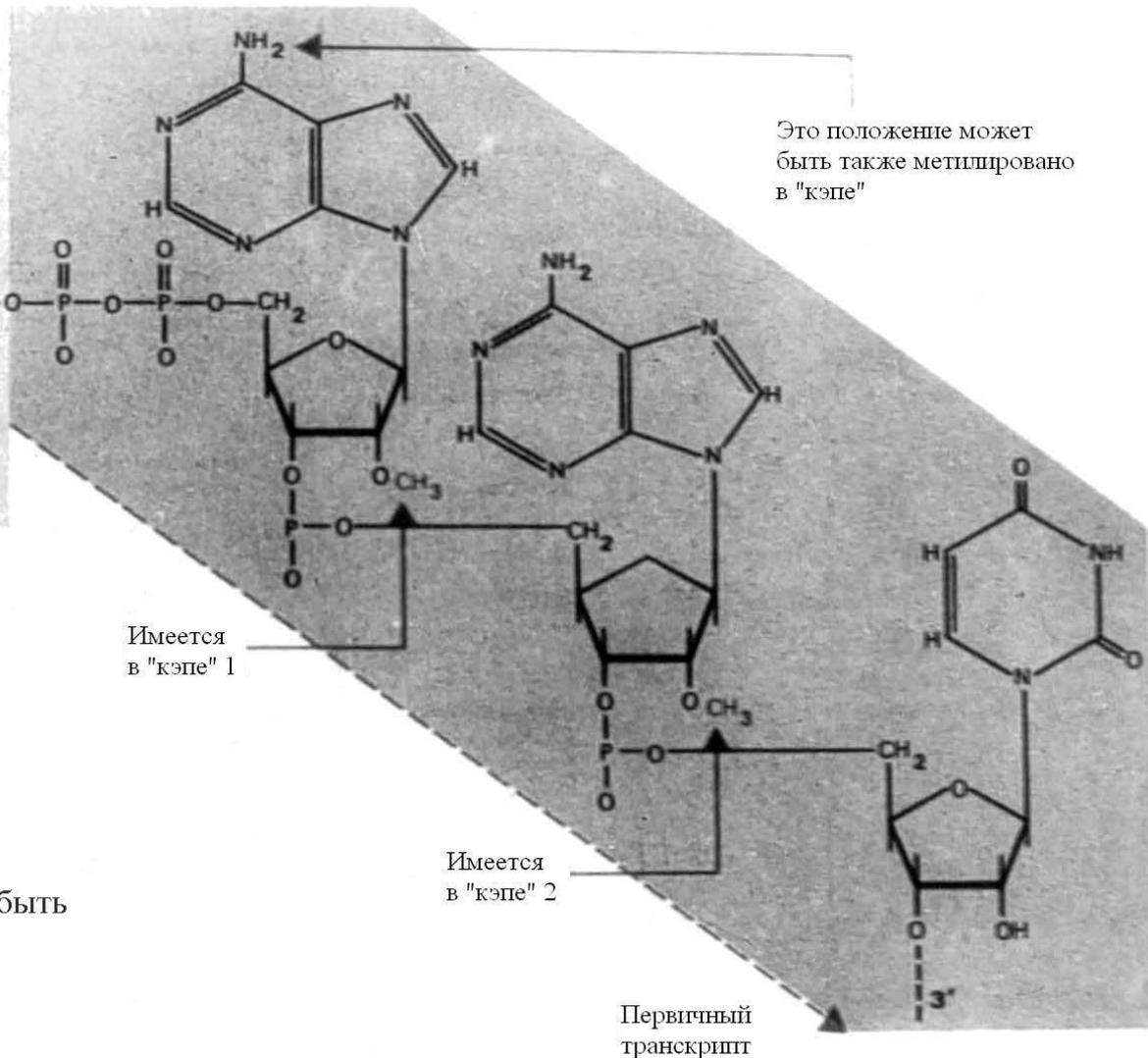
Рис. 103. Гибридные структуры мРНК и фрагмента гена  $\alpha 2$ -коллагена цыпленка (электронная микрофотография)

Стрелки указывают районы РНК-ДНК гибрида (экзоны); петли содержат интроны

# Структура кэпа мРНК

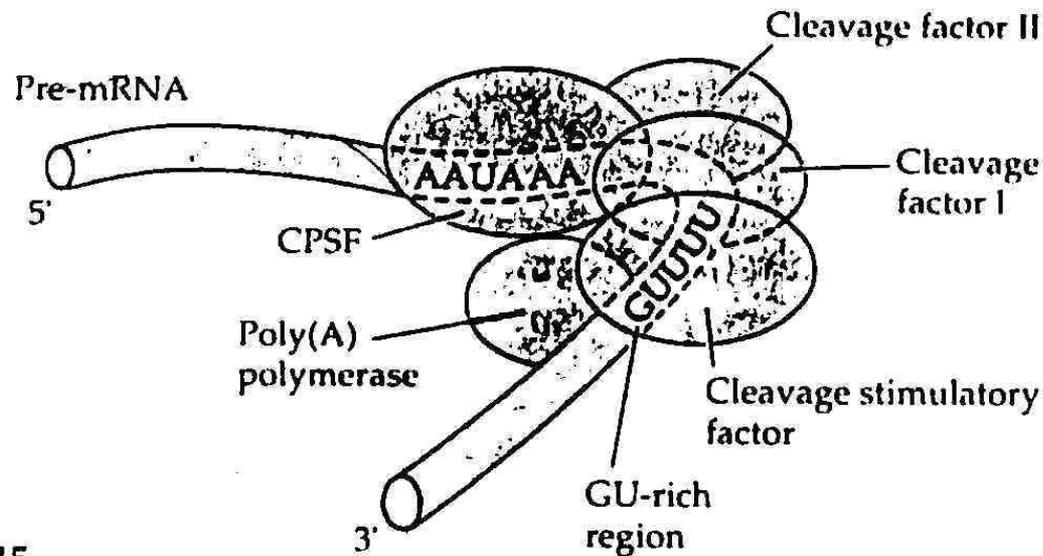


G присоединяется путём образования связи 5' -- 5'



Кэп блокирует 5'-конец мРНК и может быть метилирован в нескольких положениях.

# Образование 3'-конца мРНК и его полиаденилирование



**FIGURE 12.15**

A model for the formation of the 3' end of mRNA and its polyadenylation. The *cis*-element AAUAAA on the pre-mRNA is recognized by the nuclear protein cleavage and polyadenylation specificity factor (CPSF). Five other nuclear proteins form around this complex to splice the pre-mRNA (cleavage factors I and II and cleavage stimulatory factor) and to synthesize the polyadenylate tail [poly(A) polymerase]. (After Takagaki et al., 1989.)

# 3'-процессинг пре-мРНК

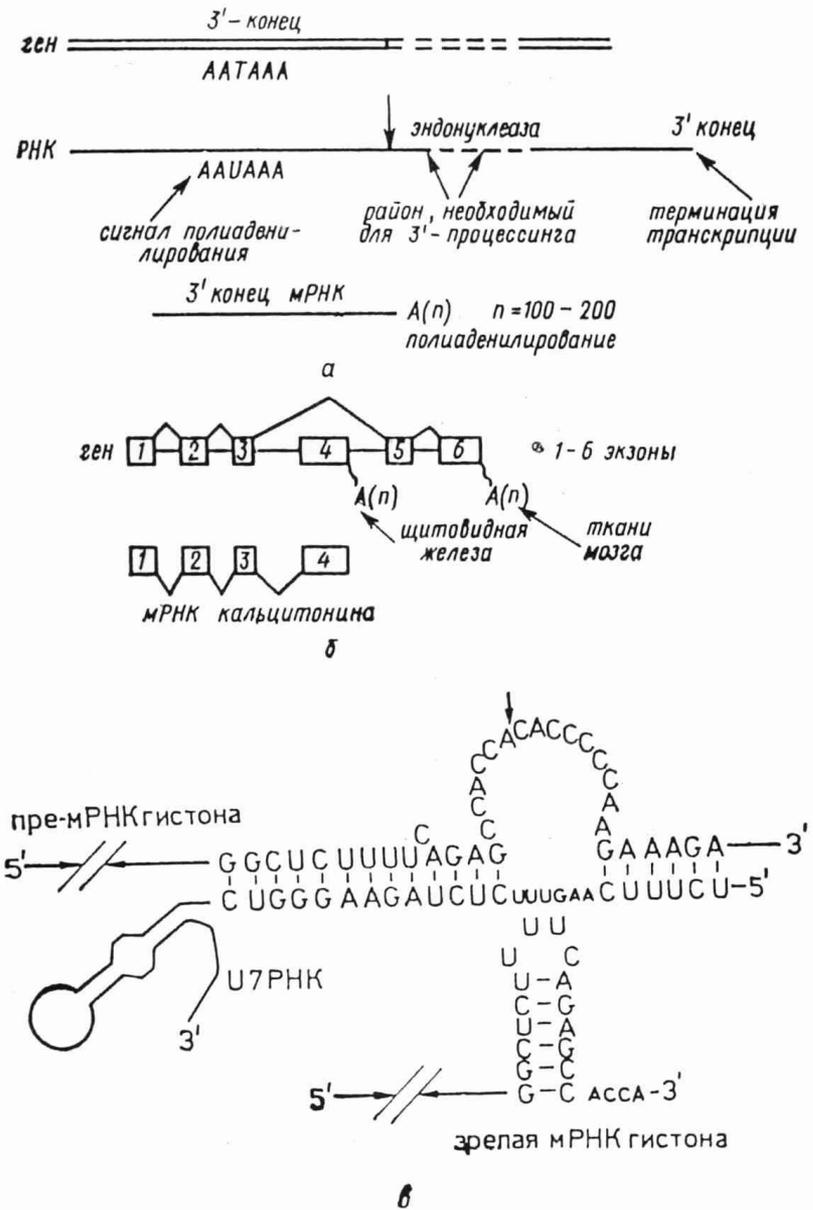


Рис. 105. 3'-процессинг предшественников мРНК:

**а** — общая схема; **б** — выбор сайта полиаденилирования при образовании мРНК кальцитонина в щитовидной железе и биологически активного пептида нервной ткани; ломаные линии — сплайсинг экзонов; **в** — участие малой ядерной РНК (U7) в процессинге мРНК гистона; стрелка — место действия эндонуклеазы

# Схема сплайсинга экзонов

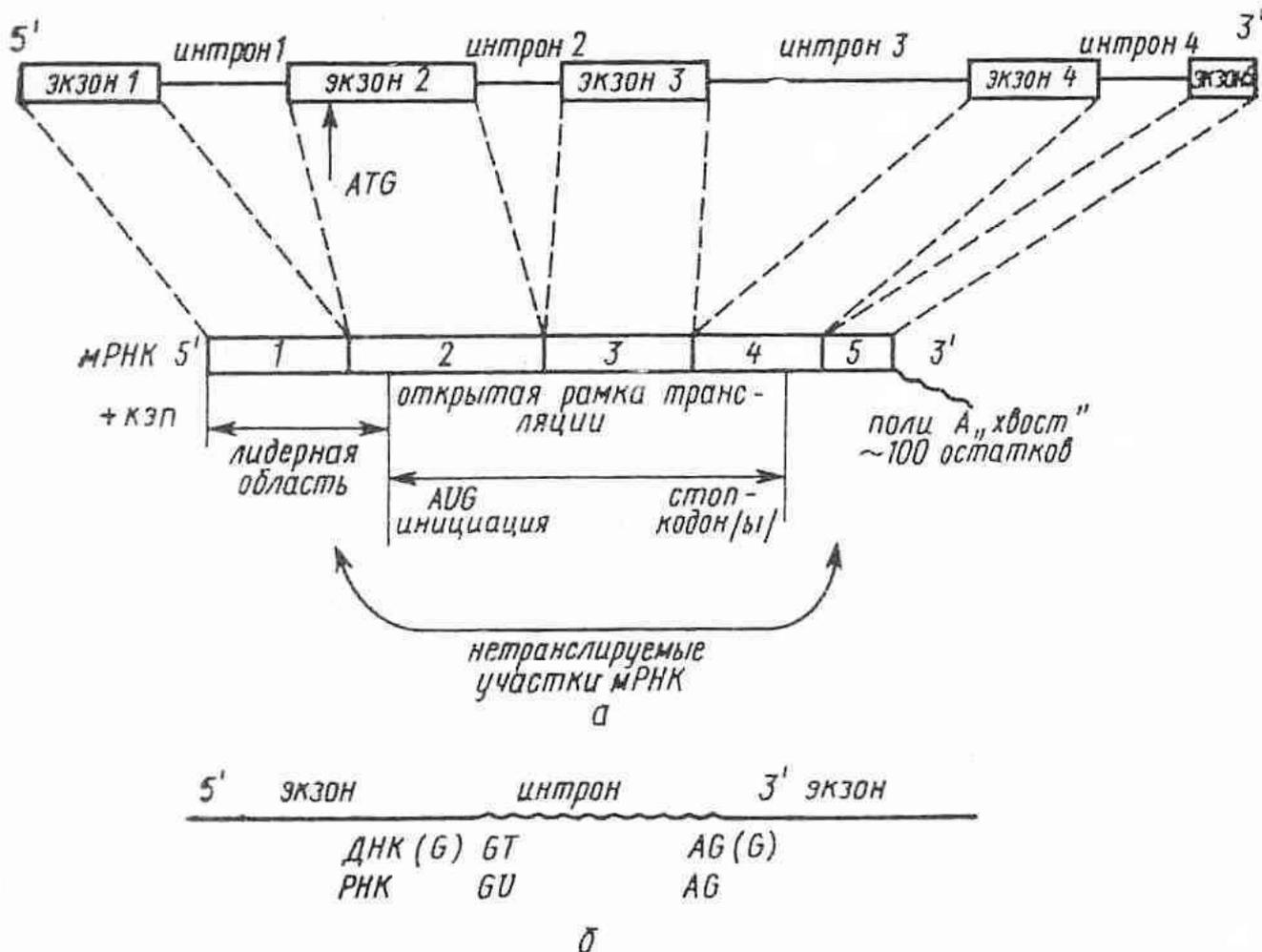
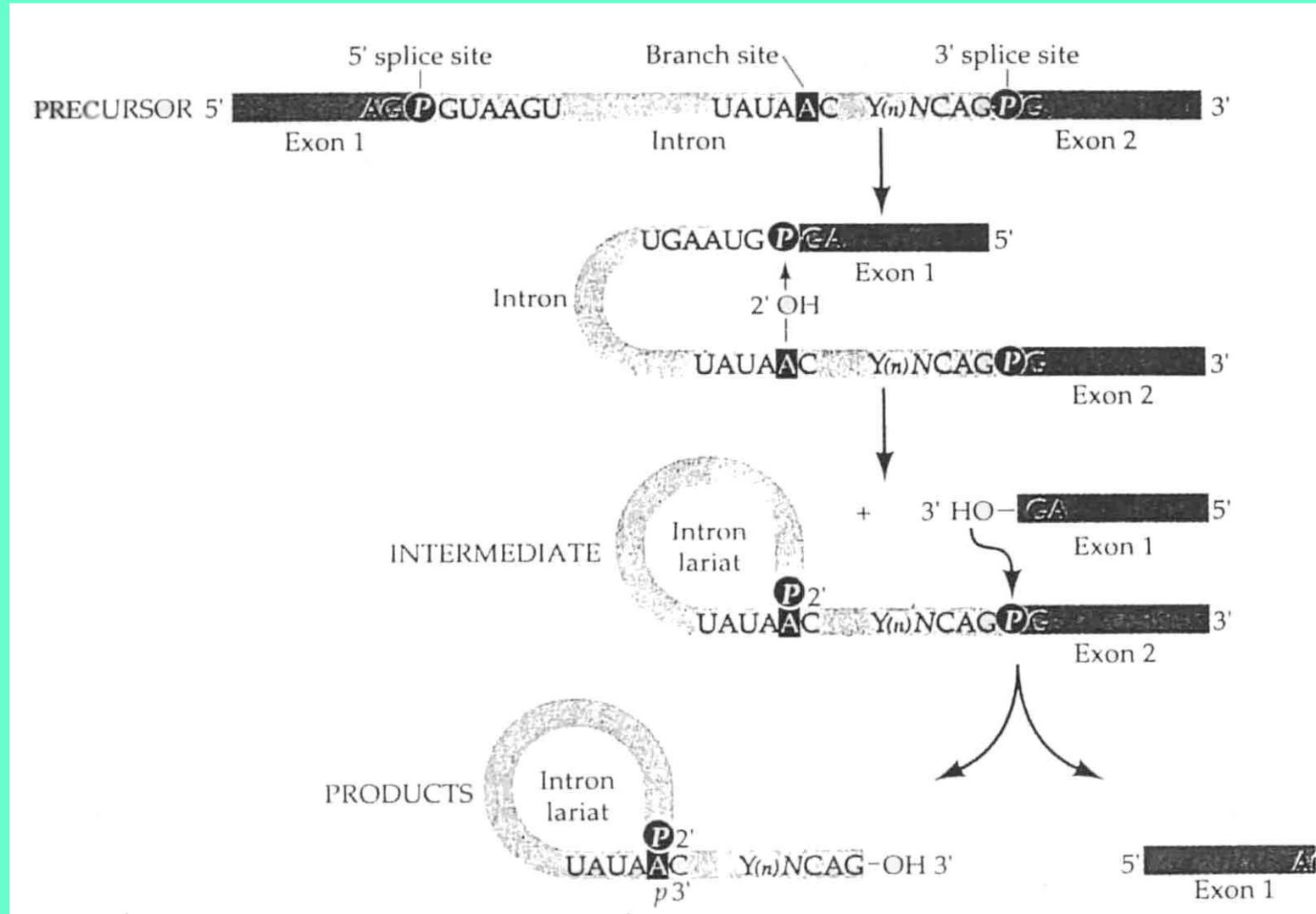


Рис. 102. Схема сплайсинга экзонов при образовании зрелой мРНК (а), границы экзонов и интронов (правило сплайсинга) (б)

# Схема сплайсинга пре-мРНК



# Схема сплайсинга пре-мРНК

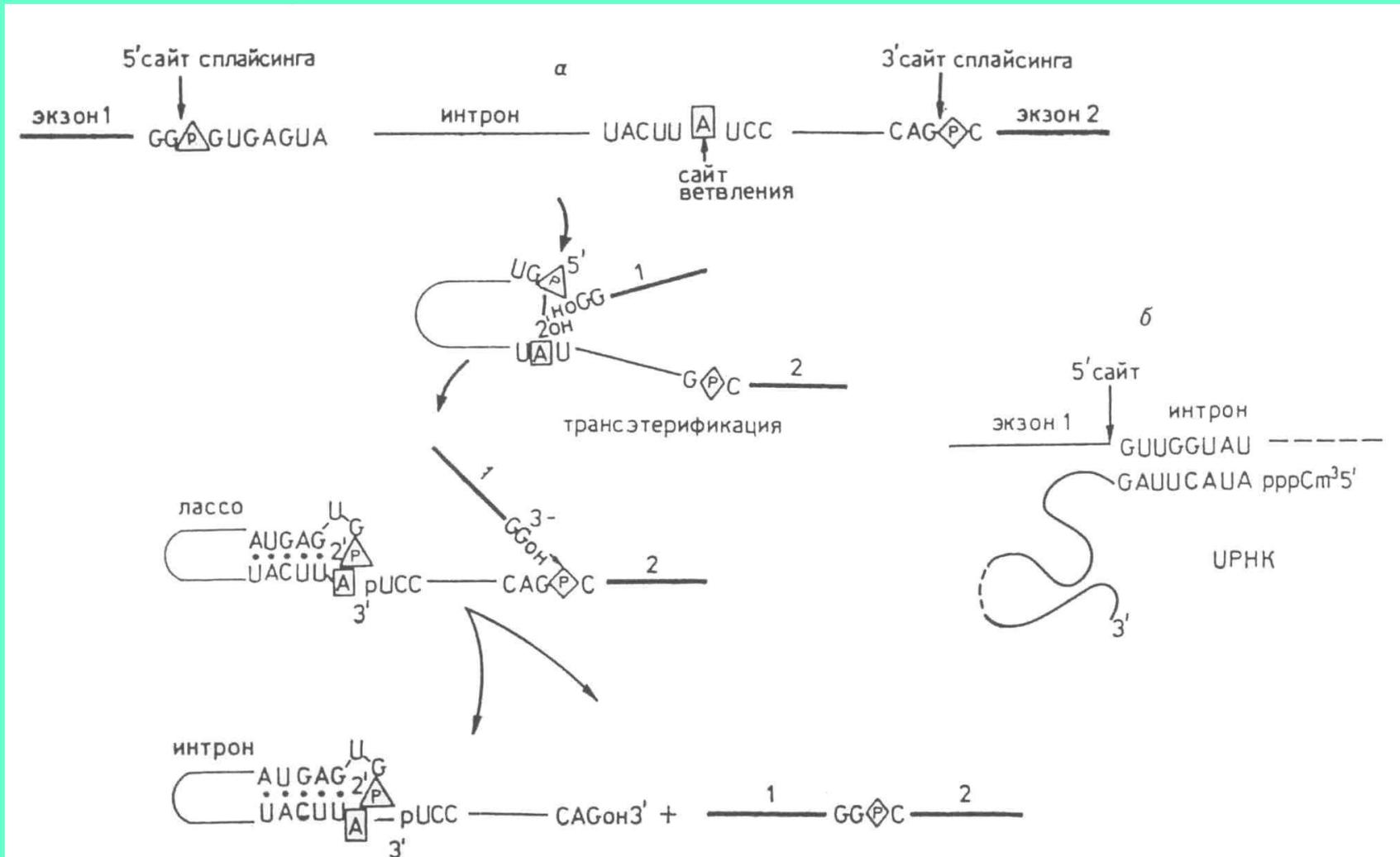
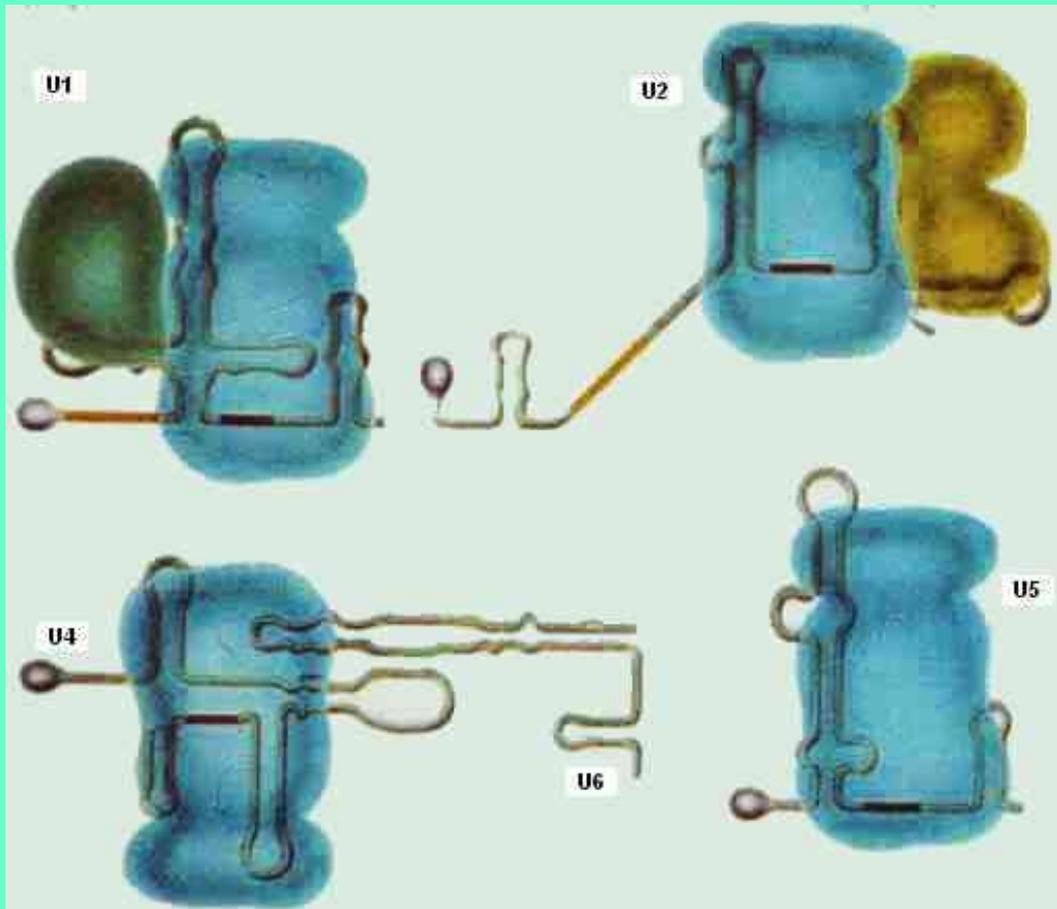


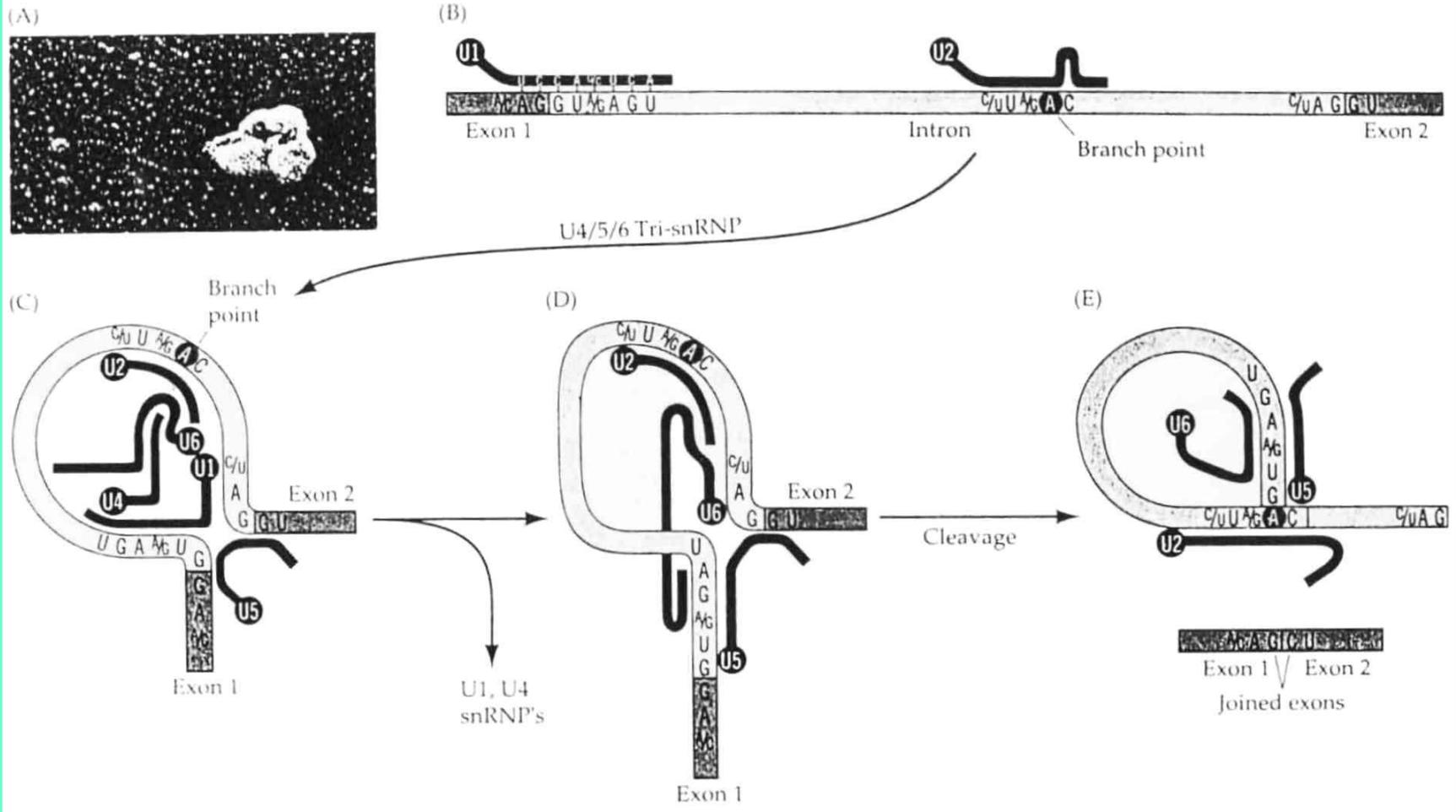
Рис. 104. Реакции сплайсинга при созревании мРНК (а); участие малой ядерной РНК в сплайсинге (б)

# Четыре типа мяРНП



ЧЕТЫРЕ ТИПА мяРНП, содержащих пять различных РНК, участвуют в сплайсинге мРНК. Эти РНК (серые) обозначают U1, U2, U4, U5 и U6. U4 и U6 входят в состав одной и той же частицы мяРНП. Характерная структура «каппа» (лиловая) отсутствует только у U6-РНК. Среди белков мяРНП имеются как одинаковые во всех частицах (голубые), так и собственные только определенным мяРНП (зеленые). (Участки связывания белков обозначены оранжевым цветом, а участки, взаимодействующие с мРНК, — желтым.)

# Участие мяРНК в сплайсинге пре-мРНК

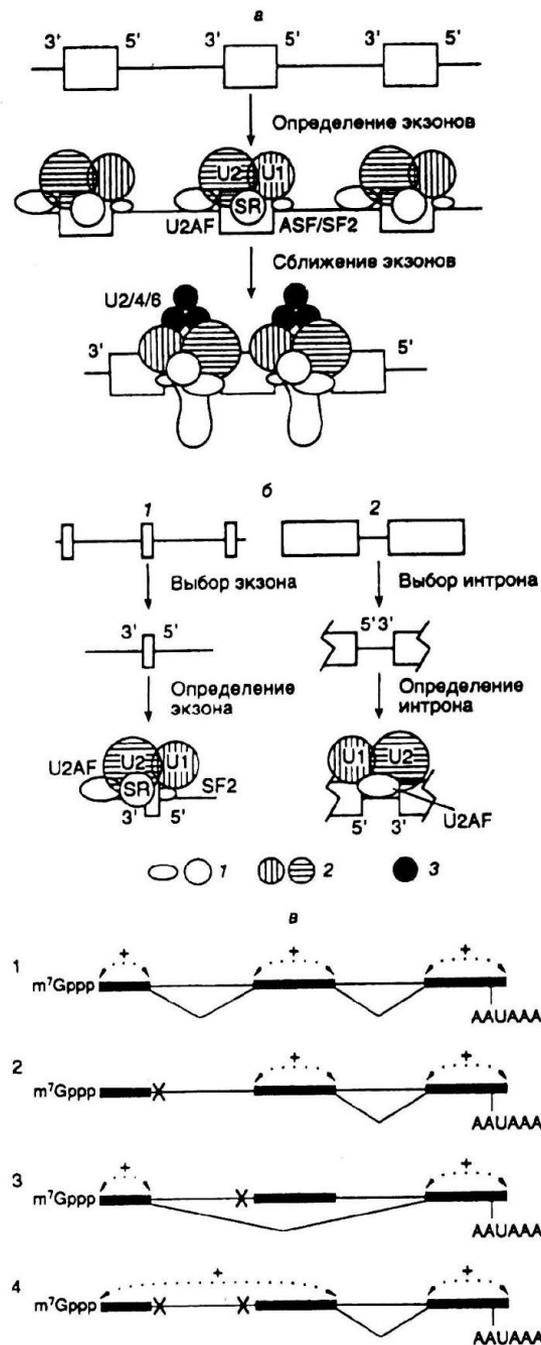


# Сплайсинг пре-мРНК

Рис. 1.16. Механизм определения экзонов и интронов при сплайсинге ядерных пре-мРНК

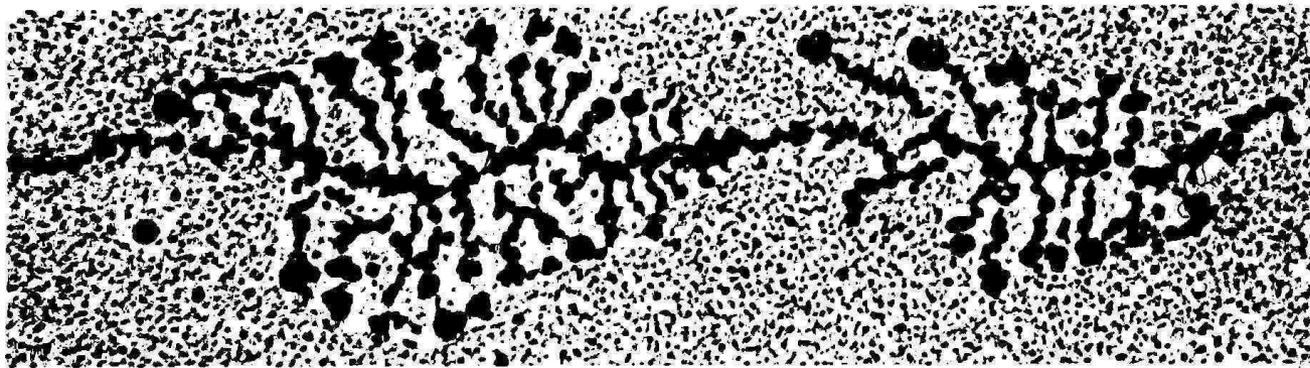
*a* – определение экзонов; *б* – определение интронов у позвоночных (1) и низших эукариот (2); *в* – роль кэп-связывающего комплекса (СВК) в определении экзонов. Отмечены белки и РНК, участвующие в этом процессе в составе сплайсомы: 1 – белки, 2 и 3 – мяРНК. X – мутации, инактивирующие сайты сплайсинга; + – взаимодействия, обеспечивающие распознавание экзонов; AAUAAA – поли(А)-сайт

Л.И. Патрушев



# Работающие сплайсосомы (микрофотография)

БОЛЬШАЯ РОЛЬ МАЛЫХ РНП



РАБОТАЮЩИЕ СПЛАЙСОСОМЫ имеют вид бусин на цепях мРНК, отходящих вверх и вниз от горизонтально расположенной цепи ДНК. Более мелкие «крупинки» на мРНК — это гетерогенные ядерные рибонуклеопротеиды (гяРНП). (Микрофотография получена И. Ошейм из Виргинского университета.)

# ЭДИТИНГ РНК у трипаносомы

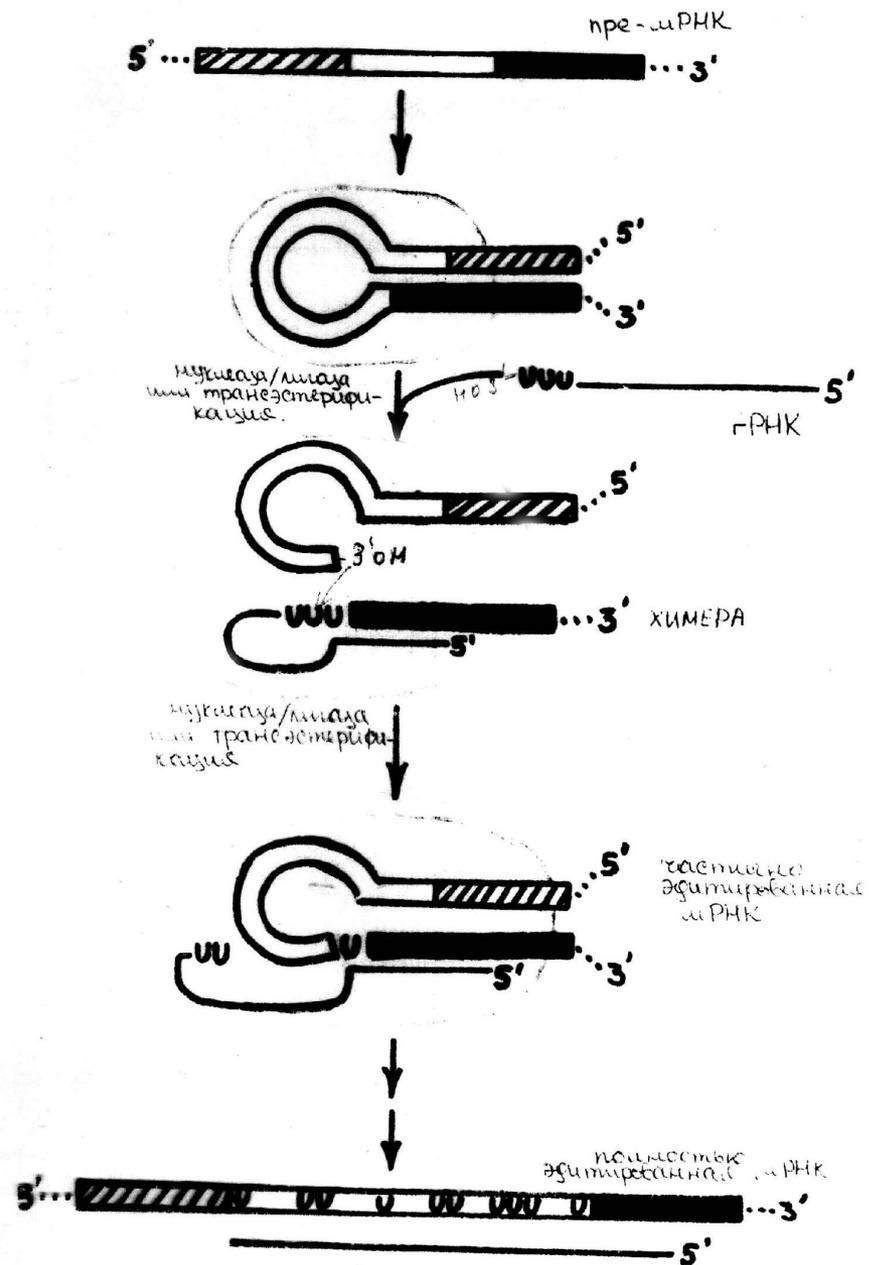


Рис. 2. Эдитинг РНК у Трипаносомы  
(Пояснения в тексте.)

# U-делетирующий эдитинг РНК

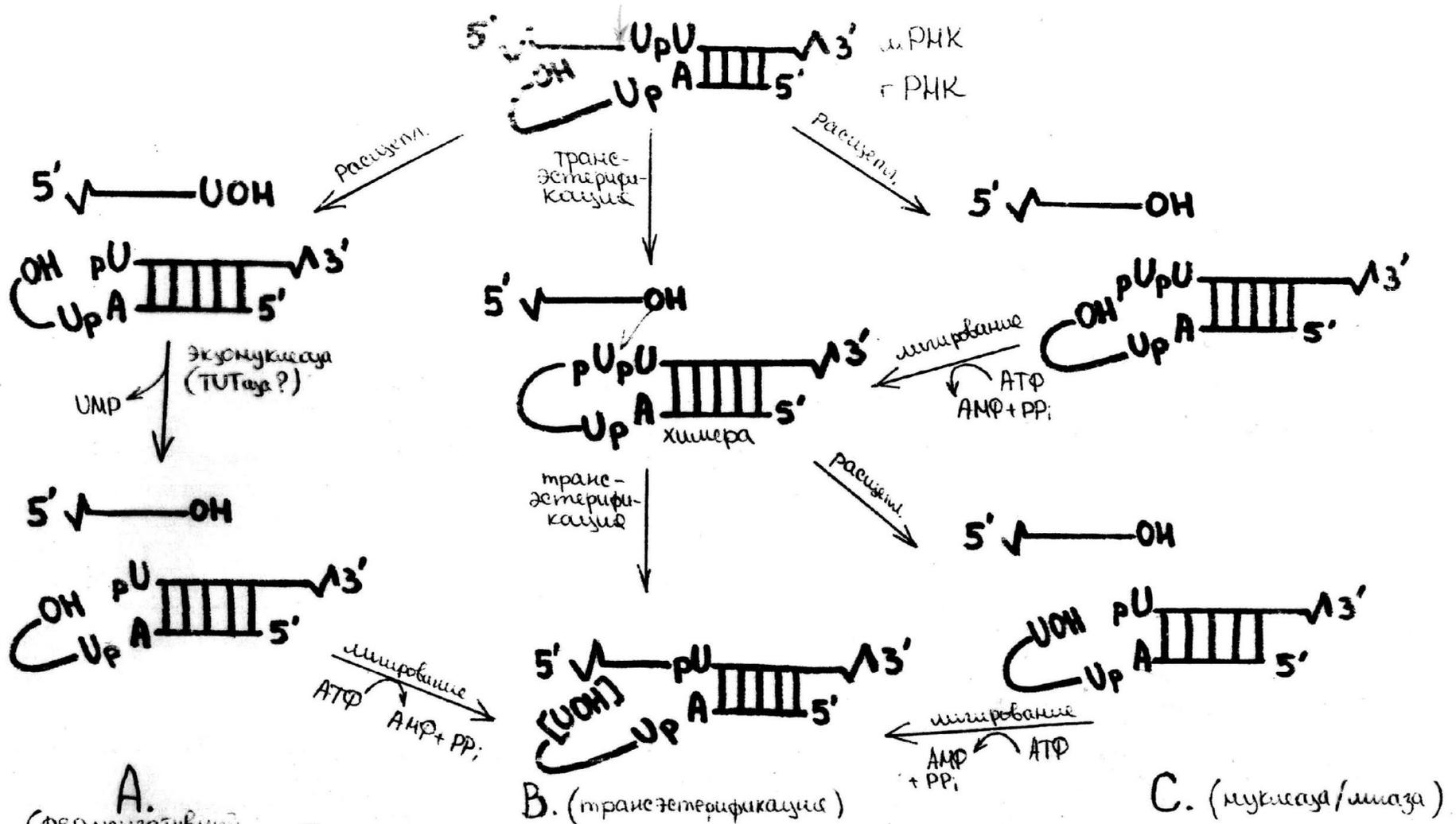


Рис. 3 Модели U-делетирующей эдитинга у *Trypanosoma*

# Структура мРНК серотонинового рецептора

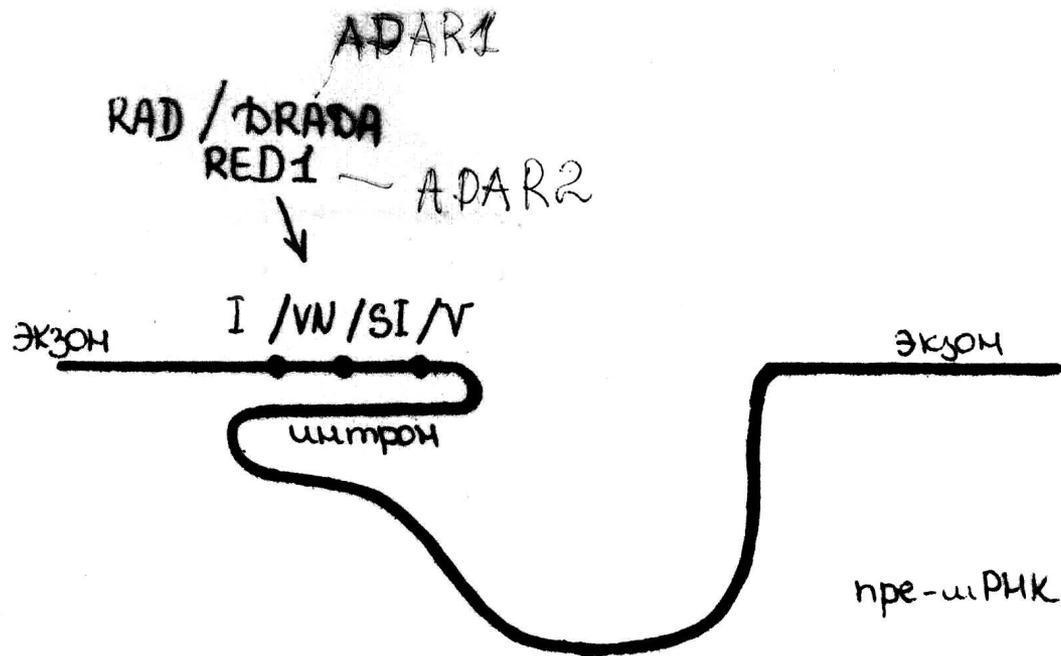


Рис. 4. мРНК серотонинового рецептора образует двуцепочечную структуру.

